



دانشگاه فردوسی مشهد

دانشکده کشاورزی

گروه گیاه پزشکی

پایان نامه‌ی کارشناسی ارشد

بررسی فونیسیتیک و رهیافتی مولکولی در مطالعه‌ی گوشخیزک‌های

مشهد و حومه و تأثیر نماتود بیمارگر حشرات *Heterorhabditis*

*bacteriophora* Poinar روی گونه‌ی فراوان

مونا کردستانی

اسفند ۱۳۹۰



پایان نامه‌ی کارشناسی ارشد

**بررسی فونیسیتیک و رهیافتی مولکولی در مطالعه‌ی گوشخیزک‌های  
مشهد و حومه و تأثیر نماتود بیمارگر حشرات *Heterorhabditis*  
*bacteriophora* Poinar روی گونه‌ی فراوان**

مونا کردستانی

استاد راهنما

دکتر مهدی مدرس اول

استاد مشاور

دکتر جواد کریمی

اسفند ۱۳۹۰

## تعهد نامه

### بررسی فونیسیتیک و رهیافتی مولکولی در مطالعه‌ی گوشخیزک‌های مشهد و حومه و تأثیر نماتود بیمارگر حشرات *Heterorhabditis bacteriophora* Poinar روی گونه‌ی فراوان

- اینجانب مونا کردستانی دانشجوی دوره کارشناسی ارشد رشته‌ی حشره شناسی کشاورزی دانشکده‌ی کشاورزی دانشگاه فردوسی مشهد تحت راهنمایی آقای دکتر مهدی مدرس اول متعهد می‌شوم:
- نتایج ارایه شده در این پایان نامه حاصل مطالعات علمی و عملی اینجانب بوده، مسئولیت صحت و اصالت مطالب مندرج را به طور کامل بر عهده می‌گیرم.
  - در خصوص استفاده از نتایج پژوهش‌های محققان دیگر به مرجع مورد نظر استناد شده است.
  - مطالب مندرج در این پایان نامه را اینجانب یا فرد دیگری به منظور اخذ هیچ نوع مدرک یا امتیازی تاکنون به هیچ مرجعی تسلیم نکرده است.
  - کلیه‌ی حقوق معنوی این اثر به دانشگاه فردوسی مشهد تعلق دارد. مقالات مستخرج از پایان نامه، ذیل به نام دانشگاه فردوسی مشهد (Ferdowsi University of Mashhad) به چاپ خواهد رسید.
  - حقوق معنوی تمام افرادی که در به دست آمدن نتایج اصلی پایان نامه تأثیرگذار بوده‌اند در مقالات مستخرج از رساله رعایت خواهد شد.
  - در خصوص استفاده از موجودات زنده یا بافت‌های آن‌ها برای انجام پایان نامه، کلیه ضوابط و اصول اخلاقی مربوطه رعایت شده است.

## تاریخ

نام و امضاء دانشجو

## مالکیت نتایج و حق نشر

- کلیه حقوق معنوی این اثر و محصولات آن (مقالات مستخرج، برنامه‌های رایانه‌ای، نرم افزارها و تجهیزات ساخته شده) به دانشگاه فردوسی مشهد تعلق دارد و بدون اخذ اجازه کتبی از دانشگاه قابل واگذاری به شخص ثالث نیست.

استفاده از اطلاعات و نتایج این پایان نامه بدون ذکر مرجع مجاز نیست.

## چکیده

گوشخیزک‌ها شامل گروهی از حشرات با زیستگاه متفاوت از نظر پوسیده‌خواری و هم‌چنین شکارگر آفات ریزجته نظیر شته‌ها، پروانه‌ی کرم سیب و کنه‌های نباتی هستند. به دلیل دانش اندک در مورد فون گوشخیزک‌ها در استان خراسان رضوی، مطالعه‌ی فونستییک این راسته به‌خوبی صورت نگرفته است. به این منظور طی سال‌های ۱۳۸۹ تا ۱۳۹۰ نمونه‌برداری از نواحی مختلف شهرستان مشهد و حومه انجام شد. در ادامه با استفاده از ویژگی‌های ریخت-شناسی و کلیدهای معتبر، شناسایی نمونه‌ها صورت پذیرفت. حاصل این بررسی، شامل شناسایی سه گونه‌ی *Labidura riparia* و *Anechura bipunctata* (Fabricius, 1781)، *Forficula auricularia* (Linnaeus, 1758) (Pallas, 1773) بود که به‌طور مشاهده‌ای، گونه‌ی *F. auricularia* گونه‌ی فراوان تشخیص داده شد. به‌منظور بررسی روابط این گروه با سایر گروه‌های مرتبط، بازسازی تبارنما براساس ژن COI و روش Neighbor Joining انجام شد. در تبارنما، دو گونه‌ی *F. auricularia* و *A. bipunctata* در خانواده‌ی Forficulidae و گونه‌ی *L. riparia* در خانواده‌ی Labiduridae قرار گرفتند. این حشرات گاه به دلیل زندگی اجتماعی در تراکم زیاد، باعث خسارت به گیاهان می‌شوند. در ادامه، تأثیر نماتود بیمارگر حشرات *Heterorhabditis bacteriophora* Poinar, 1975 روی گوشخیزک معمولی *Forficula auricularia* با غلظت‌های ۱۰۰، ۲۵۰، ۵۰۰، ۱۰۰۰، ۱۵۰۰، ۲۰۰۰ و ۳۰۰۰ در شرایط آزمایشگاهی بررسی شد. بیشترین مرگ‌ومیر ایجاد شده مربوط به غلظت ۳۰۰۰ لارو عفونت‌زا به ازای هر گوشخیزک ۷۲ ساعت پس از شروع آزمایش بود. مطالعه‌ی حاضر اولین بررسی کلاسیک-مولکولی گوشخیزک‌ها و بررسی بیماری‌زایی نماتودهای بیمارگر حشرات در ایران می‌باشد.

**کلید واژه‌ها:** ژن COI، فون، گوشخیزک‌ها، نماتود *Heterorhabditis bacteriophora*، مشهد.

## فهرست مطالب

شماره‌ی صفحه

عنوان

### بخش اول: مقدمه

- ۱-۱- معرفی راسته‌ی گوشخیزک‌ها ..... ۱
- ۲-۱- ضرورت کاربرد داده‌های مولکولی در حشره‌شناسی ..... ۳
- ۱-۲-۱- دلایل استفاده از ناحیه‌ی COI در این مطالعه ..... ۵
- ۳-۱- مطالعه‌ی برهم‌کنش گوشخیزک‌ها و نماتوئیدهای بیمارگر حشرات ..... ۶
- ۴-۱- اهداف طرح ..... ۸

### بخش دوم: بررسی منابع

- ۱-۲- مروری بر مطالعات انجام شده در زمینه‌ی فونستیک روی راسته‌ی گوشخیزک‌ها ..... ۱۱
- ۲-۲- مروری بر مطالعات مولکولی صورت گرفته روی راسته‌ی گوشخیزک‌ها ..... ۱۵
- ۳-۲- مروری بر مطالعات بررسی تأثیر عوامل بیماری‌زا بر گوشخیزک‌ها ..... ۱۷

### بخش سوم: مواد و روش‌ها

- ۱-۳- مناطق نمونه‌برداری ..... ۲۱
- ۲-۳- روش‌های نمونه‌برداری ..... ۲۲
- ۱-۲-۳- نحوه‌ی آماده‌سازی تله‌ی طعمه‌ای ..... ۲۳
- ۲-۲-۳- نحوه‌ی آماده‌سازی تله‌ی گودالی ..... ۲۳
- ۳-۳- زمان نمونه‌برداری ..... ۲۵

الف

۲۵	۴-۳- نگاه‌داری حشرات
۲۵	۵-۳- مطالعات ریخت‌شناسی
۲۶	۳-۵-۱- روند جداسازی قسمت‌های مختلف بدن به استثنای انبرک‌ها و تهیه اسلاید
۲۶	۳-۵-۲- جداسازی انبرک‌ها و ژنتالیای نر
۲۷	۳-۶-۶- شناسایی نمونه‌ها
	۳-۶-۱- روش‌های شناسایی
	۲۷
۲۷	۳-۷-۷- مطالعات مولکولی
۲۷	۳-۷-۱- استخراج DNA
۲۷	۳-۷-۲- واکنش PCR و تکثیر ناحیه‌ی سیتوکروم اکسیداز یک COI
۲۸	۳-۷-۳- بهینه‌سازی واکنش PCR
۲۸	۳-۷-۴- مرحله‌ی الکتروفورز
۲۹	۳-۷-۵- توالی‌یابی ناحیه‌ی COI
۲۹	۳-۷-۶- تجزیه و تحلیل توالی COI
۳۰	۳-۷-۷- آنالیزهای تبارشناسی
۳۱	۳-۸-۸- بررسی تأثیر نماتود <i>Heterorhabditis bacteriophora</i> روی گوشخیزک معمولی
۳۱	۳-۸-۱- پرورش گوشخیزک
۳۱	۳-۸-۲- تکثیر نماتود <i>H. bacteriophora</i>
۳۲	۳-۸-۳- بررسی حساسیت گوشخیزک به نماتود <i>H. bacteriophora</i>

۳-۸-۴- روش برآورد میزان تولیدمثل نماتود *Heterorhabditis bacteriophora* ..... ۳۳

۳-۸-۵- تجزیه و تحلیل داده‌ها ..... ۳۴

### بخش چهارم: نتایج و بحث

۴-۱- شناسایی گونه‌های راسته‌ی *Dermaptera* و فراوانی آن‌ها ..... ۳۷

۴-۲- کلید شناسایی گونه‌های راسته‌ی گوشخیزک‌ها (*Dermaptera*) در شهرستان مشهد و حومه ..... ۴۰

۴-۳- معرفی گونه‌های جمع‌آوری شده ..... ۴۱

زیرراسته‌ی *Forficulina* ..... ۴۱

۴-۳-۱- خانواده‌ی *Forficulidae* ..... ۴۲

زیرخانواده‌ی *Forficulinae* ..... ۴۳

جنس *Forficula* sp ..... ۴۳

گونه‌ی گوشخیزک معمولی *Forficula auricularia* L. .... ۴۳

زیرخانواده‌ی *Anechurinae* ..... ۴۹

گونه‌ی *Anechura bipunctata* F ..... ۵۰

۴-۳-۲- خانواده‌ی *Labiduridae* ..... ۵۴

زیرخانواده‌ی *Labidurinae* ..... ۵۴

جنس *Labidura* sp. .... ۵۴

گونه‌ی گوشخیزک نواری *Labidura riparia* Pall. .... ۵۵

۴-۴- نتایج حاصل از داده‌های مولکولی ..... ۶۰

۴-۵- بررسی توالی COI گوشخیزک ها در بانک ژن و سیستم Bold ..... ۶۱

۴-۵-۱- ثبت توالی ها در بانک ژن ..... ۶۱

۴-۶- نتایج بررسی حساسیت گوشخیزک معمولی به نماتود *Heterorhabditis bacteriophora* ..... ۶۵

۴-۶-۱- نتایج تلفات گوشخیزک های آلوده به نماتود بعد از ۴۸ ساعت ..... ۶۸

۴-۶-۲- نتایج تلفات گوشخیزک های آلوده به نماتود بعد از ۷۲ ساعت ..... ۶۸

۴-۶-۵- نتایج پتانسیل تولید مثلی نماتود ..... ۶۹

بحث ..... ۷۱

### بخش پنجم

نتیجه گیری و پیشنهادات ..... ۷۷

پیوست ..... ۷۹

منابع ..... ۸۹



## فهرست شکل ها

- شکل ۱-۱- خسارت گوشخیزك به گیاهان ..... ۹
- شکل ۱-۳- مناطق نمونه برداری شهرستان مشهد و حومه در سال ۱۳۸۹ تا ۱۳۹۰ ..... ۲۲
- شکل ۲-۳- تله های گودالی، نوری و طعمه ای ..... ۲۴
- شکل ۳-۳- ظروف نگاهداری گوشخیزك و پرورش نماتد با استفاده از لارو گالریا ..... ۳۴
- شکل ۱-۴- فراوانی گونه های جمع آوری شده در شهرستان مشهد و حومه در سال ۱۳۸۹ تا ۱۳۹۰ ..... ۳۹
- شکل ۲-۴- فراوانی گونه ها در ماه های جمع آوری شده در شهرستان مشهد و حومه در سال ۱۳۸۹ تا ۱۳۹۰ ..... ۳۹
- شکل ۳-۴- شاخك، حشره ی كامل نر و ماده، قطعات دهان گوشخیزك (*Forficula auricularia* (L.) ..... ۴۵
- شکل ۴-۴- پنجه، بال جلو و عقب در گوشخیزك (*F. auricularia* (L.) ..... ۴۷
- شکل ۵-۴- سرسی حشره ی نر و ماده و ژنیتالیای نر گوشخیزك (*F. auricularia* (L.) ..... ۴۸
- شکل ۶-۴- شاخك، حشره ی كامل نر و ماده و قطعات دهان در گوشخیزك (*Anechura bipunctata* (F.) ..... ۵۱
- شکل ۷-۴- پنجه، بال جلو و عقب در گوشخیزك (*A. bipunctata* (F.) ..... ۵۲
- شکل ۸-۴- ژنیتالیای نر، سرسی حشره ی ماده و نر در گوشخیزك (*A. bipunctata* (F.) ..... ۵۳
- شکل ۹-۴- حشره ی كامل ماده و نر، شاخك و قطعات دهان در گوشخیزك (*Labidura riparia* (Pall.) ..... ۵۶
- شکل ۱۰-۴- پنجه، بال جلو و عقب در گوشخیزك (*Labidura riparia* (Pall.) ..... ۵۷
- شکل ۱۱-۴- ژنیتالیای نر، سرسی حشره ی ماده و نر در گوشخیزك (*L. riparia* (Pall.) ..... ۵۸
- شکل ۱۲-۴- تکثیر و توالی یابی ناحیه ی COI ..... ۶۱
- شکل ۱۳-۴- درخت تبارشناسی ..... ۶۴

شکل ۴-۱۴- آلوده شدن گوشخیزک معمولی با نماتود *Heterorhabditis bacteriophora* و خروج نماتود از

بدن گوشخیزک معمولی ..... ۶۵

شکل ۴-۱۵- میانگین مرگ و میر گوشخیزک معمولی در اثر غلظت‌های مختلف لارو عفونت‌زای نماتود

*Heterorhabditis bacteriophora* ..... ۶۷

شکل ۴-۱۶- میانگین مرگ و میر گوشخیزک معمولی در اثر غلظت‌های مختلف لارو عفونت‌زای نماتود

*Heterorhabditis bacteriophora* بعد از ۴۸ و ۷۲ ساعت ..... ۶۷

شکل ۴-۱۷- رگرسیون میانگین مرگ و میر گوشخیزک معمولی در اثر غلظت‌های مختلف لارو عفونت‌زای نماتود

*Heterorhabditis bacteriophora* بعد از ۴۸ ساعت ..... ۶۸

شکل ۴-۱۸- رگرسیون میانگین مرگ و میر گوشخیزک معمولی در اثر غلظت‌های مختلف لارو عفونت‌زای

نماتود *Heterorhabditis bacteriophora* بعد از ۷۲ ساعت ..... ۶۹

## فهرست جدول‌ها

- جدول ۳-۱- لیست چهار راسته‌ی مورد استفاده در آنالیز توالی COI ..... ۳۰
- جدول ۴-۱- گونه‌های شناسایی شده در شهرستان مشهد و حومه در سال ۱۳۸۹ تا ۱۳۹۰ ..... ۳۷
- جدول ۴-۲- مناطق نمونه‌برداری، گیاهان میزبان و فراوانی گونه‌های جمع‌آوری شده در شهرستان مشهد و حومه در سال ۱۳۸۹ تا ۱۳۹۰ ..... ۳۸
- جدول ۴-۳- نسبت جنسی سه گونه‌ی موجود در فون گوشخیزک‌های مشهد و حومه ..... ۵۹
- جدول ۴-۴- میانگین اندازه‌ی قسمت‌های مختلف بدن ده عدد حشره از هر گونه مربوط به راسته‌ی گوشخیزک‌ها در شهرستان مشهد و حومه بر حسب میلی‌متر ..... ۶۰
- جدول ۴-۵- شماره‌های دسترسی سه گونه‌ی شناسایی شده در شهرستان مشهد و حومه ..... ۶۲
- جدول ۴-۶- تعداد و نسبت نوکلئوتید در ناحیه‌ی COI ..... ۶۲
- جدول ۴-۷- تجزیه‌ی واریانس تأثیر غلظت‌های مختلف لارو عفونت‌زای نماتود *Heterorhabditis bacteriophora* روی گوشخیزک معمولی ..... ۶۶

## فهرست علائم اختصاری

علائم	معادل انگلیسی	معادل فارسی
AFLP	Amplified fragment length polymorphism	پلی مرفیسم طول قطعات تکثیر شده
COI	Cytochrom oxidase I	-
DBP	Double Brood Population	جمعیت دونسلی
IJs	Infective juveniles stage	مرحله‌ی لاروی عفونت‌زا
ISSR	Inter Simple Sequence Repeat	ریزماهواره‌ها
ITS1	Internal Transcribed Spacer 1	اسپیسر رونویسی داخلی
ICIPE	International Centre for Insect Physiology and Ecology	مرکز بین‌المللی فیزیولوژی و اکولوژی حشرات
K2P	Kimura 2-Parameter	مدل دو متغیره‌ی کیمورا
NJ	Neighbor Joining	اتصال همسایه‌ها
PCA	Philippine Coconut Authority	انجمن نارگیل فیلیپین
PCR	Polymerase Chain Reaction	واکنش زنجیره‌ای پلی‌مراز
RAPD	Randomly Amplified	تکثیر تصادفی
RFLP	Restriction Fragment Length Polymorphism	قطعات برش داده شده با طول متفاوت

علايم	معادل انگلیسی	معادل فارسی
SAS	Serial-Attached SCSI (Small Computer System Interface)	-
SBP	Single Brood Population	جمعیت تک نسلی
Taq polymerase	Thermus aquaticus polymerase	-
TBE	TrisBoric acid EDTA	-
UV	Ultra Violet Radiation	ماوراء بنفش

## بخش اول

### مقدمه

#### ۱-۱- معرفی راسته‌ی گوشخیزک‌ها

به دلیل وجود رگ‌بال‌های شعاعی و شباهت بال عقب این حشرات به لاله‌ی گوش انسان نام گوشخیزک از نام انگلیسی Earwig مشتق شده است (حجّت، ۱۳۸۲). گوشخیزک‌ها احتمالاً به علت فعالیت در شب ممکن است به طور تصادفی به گوش انسان در حال خواب وارد شوند. ولی برخلاف اعتقادات خرافی، این حشرات از مخاط داخلی گوش تغذیه نمی‌کنند و به سمت مغز نمی‌روند (مدرّس اوّل، ۱۳۸۷). ریشه‌ی کلمه‌ی Dermaptera یونانی و به معنی بال‌پوستی‌ها می‌باشد (آلفورد، ۱۹۸۴). به عبارت دیگر کلمه‌ی Dermaptera، از Derma (Dermatos) به معنای پوست و Ptera به معنای بال‌ها تشکیل شده است و بال‌های جلوی به عنوان محافظ بال‌های عقب به کار می‌روند (لودس، ۱۳۸۴). گوشخیزک‌ها در زمان استراحت تمایل زیاد به تماس تمام بدن با سطوح مختلف دارند. به همین دلیل معمولاً در گوشه‌های اتاق و یا در باغ‌ها در حالی که برگ‌ها را به دور بدن خود لوله می‌کنند مشاهده می‌شوند. حشرات این راسته به طور کلی شب فعال هستند، سریع حرکت می‌کنند و روزها در شکاف‌ها، زیر پوسته‌های گیاهان (شکل ۱-۱؛ چ) و باقی‌مانده‌ی مواد غذایی (شکل ۱-۱؛ ث، ج) پنهان می‌شوند (رس و همکاران، ۱۹۸۲؛ هاس، ۱۹۹۶). حشرات کامل دارای بدن کشیده و باریک هستند و اگرچه بیشترین شباهت را به سوسک‌های سرگردان خانواده‌ی Staphylinidae دارند، ولی برخلاف گوشخیزک‌ها در انتهای بدن خود انبرک دارند. از

سوی دیگر، به دلیل شباهت اندازه و رنگ بدن به سوسری‌ها، گاه به اشتباه به جای این حشرات تشخیص داده می‌شوند ولی در اثر بدن سخت و انبرک‌های بدون مفصل از سایر حشرات مشابه متمایز می‌شوند (کوکارک، ۱۹۹۸؛ پلیتری، ۱۹۹۹). از این راسته بیش از دوهزار گونه در جهان وجود دارد (کوکارک، ۲۰۱۱). این گروه از حشرات، بیشترین فراوانی را در مناطق گرمسیر دارند و با افزایش عرض جغرافیایی جمعیت آن‌ها کاهش می‌یابد (بریندل، ۱۹۷۰). برخی از گونه‌ها در مناطق آفریقایی و کشور فیلیپین روی بدن چونندگان زندگی و از مواد روی بدن آن‌ها تغذیه می‌کنند (دونالد، ۱۹۹۷). از ایران تاکنون چهار خانواده و ۲۳ گونه از این راسته گزارش شده است (کوکارک، ۲۰۱۱).

حشرات کامل ممکن است بالدار (با یک یا دو جفت بال) یا بدون بال باشند. در صورت بالدار بودن، بال‌های جلو کوتاه، چرم‌مانند و فاقد رگ می‌باشند که معمولاً بالپوش<sup>۱</sup> نامیده می‌شوند. بال‌های عقب برخلاف بال‌های جلو، غشایی، شفاف و دارای رگ‌های شعاعی می‌باشند (میر و همکاران، ۱۹۹۲). قطعات دهان از نوع ساینده، زبانه<sup>۲</sup> دوقسمتی و پنجه‌ی پاها سه‌بندی هستند. در قسمت پشتی سومین و چهارمین حلقه‌ی شکم برخی از گونه‌های گوشخیزک، تعدادی غده قرار دارند که هنگام دفاع، مایعی بدبو را به فاصله‌ی ۷۵ تا ۱۰۰ میلی‌متر پرتاب می‌کنند (اسماعیلی و همکاران، ۱۳۷۱). به‌طور کلی زیست‌شناسی این راسته در دنیا خیلی کم مطالعه شده است. این حشرات، چهار سن پورگی دارند و زمستان را به صورت حشره‌ی کامل نر و ماده در مکان‌های زمستانی به سر می‌برند (کامیمورا، ۲۰۰۳). رنگ بدن پوره‌ها سفید مایل به قهوه‌ای است و برخلاف حشرات کامل، فاقد بال هستند (بوور،

---

1- Tegmen  
2- Ligula

۱۹۱۱). انبرک‌های<sup>۱</sup> پوره‌ها نیزه‌ای شکل هستند و بیشتر در حالت تدافعی (شکل ۱-۱؛ ح) از آن‌ها استفاده می‌کنند (بورور، ۱۳۷۱). دگردیسی در این حشرات تدریجی<sup>۲</sup> می‌باشد (بریندل، ۱۹۷۱).

حشرات این راسته که به دلیل برآمدگی انبرک مانند انتهای بدن ظاهری ناخوشایند دارند و در منازل باعث ناراحتی می‌باشند، نه تنها به انسان آسیب نمی‌رسانند بلکه به‌عنوان عوامل کنترل بیولوژیک نیز محسوب می‌شوند (طالبی، ۱۳۸۰). از جمله شکارگرهای رایج در باغ‌ها، گوشخیزک‌ها می‌باشند. به‌طور مثال، گوشخیزک معمولی شکارگر آفاتی نظیر شته‌ها، کنه‌های نباتی، لارو پروانه‌ی کرم سیب، زنجره، سپردار، مگس یونجه و مینوزهای برگ در درختان سیب، گیلان، گلابی و می‌باشد. سن سوم پورگی و حشرات کامل گوشخیزک قهوه‌ای *Proreus simulans*، گوشخیزک سیاه *Euborellia annulipes*، گوشخیزک نواری *Labidura riparia* و گوشخیزک *Diaperasticus erythrocephala* شکارگر تخم و سنین اول و دوم لاروهای پروانه‌ی کرم ساقه‌خوار ذرت و سورگوم قبل از ورود به ساقه می‌باشند و در کنترل این آفات رهاسازی شدند (هایله و هافسوانگ، ۲۰۰۱؛ بورنیپ و همکاران، ۲۰۰۲؛ آلباجس و همکاران، ۲۰۰۳؛ دوآنگ‌بوفا و همکاران، ۲۰۰۶؛ جامجانیا و همکاران، ۲۰۰۷؛ استوتز و انتلینگ، ۲۰۱۱).

## ۱-۲- ضرورت کاربرد داده‌های مولکولی در حشره‌شناسی

در روش‌های سنتی، حشره‌شناسان با استفاده از روش‌های ریخت‌شناسی گونه‌های حشرات از جمله گونه‌های جدید را شناسایی می‌کردند. در این روش فقط اشخاص ماهر قادر به تشخیص درست گونه می‌شدند که یافتن اشخاص متخصص نیز زمان‌بر بود (ویل و رویینوف، ۲۰۰۴). از طرف دیگر تنها در صورتی حشره‌شناس موفق به شناسایی گونه می‌شد که حشره‌ی مورد مطالعه کامل بود و اگر حشره در مرحله‌ی لارو یا پوره قرار داشت و یا در

---

1- Cerci  
2- Paurometabola



مواردی که حضور حشره‌ی نر یا ماده به منظور تکمیل روند شناسایی عامل تعیین کننده بود، این روش با مشکل مواجه می‌گردید. درحالی که در روش‌های مولکولی برخلاف روش‌های سنتی می‌توان از تمام مراحل حشره برای شناسایی استفاده کرد (جینبو و همکاران، ۲۰۱۱). بیشتر مطالعات صورت گرفته روی این راسته از حشرات برپایه‌ی مطالعات ریخت‌شناسی از جمله مطالعه‌ی سرک‌ها و ژنیتالیای<sup>۱</sup> نر بوده است. در این میان شناسایی برخی از گونه‌ها که سرک‌های تغییرشکل یافته دارند دشوار است. چرا که ممکن است حشرات متعلق به یک گونه دارای انبرک‌های کاملاً متفاوت باشند (هاس و هانس، ۲۰۰۲). لذا استفاده از روش‌های مولکولی می‌تواند در این زمینه مؤثر واقع شود.

تبارشناسی این راسته نسبت به دیگر راسته‌های حشرات بسیار بحث برانگیز بوده است. راسته‌ی گوشخیزک‌ها ارتباط نزدیکی با راسته‌های تورباف‌ها (Embioptera)، موریانه‌ماندها (Zoraptera) و چوبک‌ماندها (Phasmida) دارد. آنالیزهای جدید داده‌های مولکولی و نتایج حاصل از اطلاعات ریخت‌شناسی، این راسته را گروه خواهری راسته‌ی Zoraptera و سپس Embioptera و Phasmida معرفی کرده است (ویرژلیو و همکاران، ۲۰۱۰). یکی از مهم‌ترین موارد استفاده از روش‌های مولکولی، شناسایی گونه‌ها و تعیین روابط تبارشناسی بین آن‌ها می‌باشد و از روش‌های مختلفی مانند مارکرهای RAPD، آلوزیم‌ها، AFLP، ISSR و RFLP استفاده می‌شود (کرانستن و گولان، ۲۰۰۸). نواحی ژنی مورد استفاده در این راسته، زیرواحد بزرگ ریبوزومی (28S)، زیرواحد کوچک ریبوزومی (18S) و ژن کدکننده‌ی پروتئین هیستون سه (H3) می‌باشد (گویلت و همکاران، ۲۰۰۰). ژن سیتوکروم اکسیداز یک (COI)، داخل DNA میتوکندری قرار دارد و حاوی اطلاعات مفید برای روش‌های مولکولی در سطوح پایین تر رده‌بندی می‌باشد. ژن ITS1 دارای نواحی قابل ترجمه و ناحیه‌ی متغیری از ژن‌های 5.8 و 18S است که نوکلئوتیدهای کافی را برای زیرگونه‌ها به طور جداگانه فراهم می‌کند (مندر و همکاران، ۲۰۰۳).

---

1- Genitalia

## ۱-۲-۱- دلایل استفاده از ناحیه COI در این مطالعه

دشواری هم‌ردیفی ژن‌های ITS موجب کاربرد محدود در مطالعات تبارشناسی شده‌است با وجود این اطلاعات توالی ITS به‌طور گسترده برای شناسایی گونه‌ها مخصوصاً گونه‌های پنهان و یا گونه‌های نزدیک به یکدیگر استفاده می‌گردد (جینبو و همکاران، ۲۰۱۱). DNA میتوکندری به‌عنوان اساس کارهای مولکولی و شجره‌شناسی استفاده می‌شود و به‌دلیل حفاظت مناسب داخل یک گونه، انتقال ویژگی‌های وراثتی مادری با اندکی تغییر و تکثیر راحت‌تر نسبت به ژن‌های هسته‌ای برای انجام مطالعات تبارشناسی و سیستماتیک، اهمیت زیادی دارد (لئون و همکاران، ۲۰۰۵). برخی از خصوصیات مهم و مثبت این ناحیه عبارت است از: قدرت تمایز بیشتر گروه‌های جانوری، امکان توالی‌یابی مستقیم توسط دستگاه توالی‌یاب، فواصل درون‌گونه‌ای کم و بین‌گونه‌ای زیاد (برخلاف ناحیه ITS) و پذیرش کم صفات ارثی جدید (جارویس و همکاران، ۲۰۰۵؛ جینبو و همکاران، ۲۰۱۱). ناحیه COI به‌دلیل وجود مکان‌های آغازگری قوی، به‌عنوان استاندارد برای DNA بارکدینگ انتخاب گردید. کاربرد این ناحیه در رویکرد دهه‌ی اخیر موسوم به DNA بارکد، اهمیت این ژن را به‌خوبی نشان می‌دهد (شاکل و هولند، ۲۰۰۴). رویکرد جدید DNA بارکد تلاش دارد با استفاده از داده‌های مولکولی زمینه‌ی شناسایی گونه‌های جانوری و حشرات را فراهم نماید (جرناس و دامگارد، ۲۰۰۶). لذا در این مطالعه، استفاده از این ناحیه ژنی در کنار مشخصات کلاسیک به‌منظور مطالعه‌ی تنوع زیستی گوشخیزک‌های مشهد مدنظر قرار گرفت.

در این بررسی تلاش گردید تا ابتدا گونه‌های موجود در منطقه‌ی مشهد شناسایی گردد، در ادامه با استفاده از اطلاعات مربوط به ناحیه‌ی ژنی COI، تنوع ژنی این ناحیه در نمونه‌های مورد بررسی و روابط آن‌ها با استفاده از این ژن ارزیابی شود.

## ۱-۳- مطالعه‌ی برهم‌کنش گوشخیزک‌ها و نماتودهای بیمارگر حشرات

گوشخیزک‌ها بسته به اهمیت اقتصادی محصول و میزان خسارتی که به گیاه وارد می‌کنند، به‌عنوان آفت یا حشره‌ی مفید تلقی می‌شوند. برای مثال گوشخیزک معمولی در درخت‌های سیب به‌عنوان عامل کنترل‌کننده‌ی شته‌ی خونی سیب شناخته می‌شود ولی در محصولی مانند گیلاس، آفت تلقی می‌شود و در نتیجه باعث کاهش محصول می‌گردد (والکر و فل، ۲۰۰۱). در شب، این حشرات حفره‌های کوچکی روی گیاهان ایجاد می‌کنند و در مقایسه با گروه‌های دیگر حشرات، به گیاهان رشد یافته آسیب کم‌تری وارد می‌نمایند (زاک و همکاران، ۲۰۱۰). به‌عبارت دیگر این گیاهان، تغذیه‌ی گوشخیزک را تحمل می‌کنند ولی بذر و گل‌دهی گیاهان کوچک، به‌دلیل جویده شدن پرچم گل یا گل‌برگ توسط انبوه جمعیت گوشخیزک‌ها (شکل ۱-۱؛ د، ذ) کاهش می‌یابد (گوبین و همکاران، ۲۰۰۹). گیاهانی نظیر گل‌آهار، ختمی، توت‌فرنگی، آفتابگردان، کرفس، هلو، لوبیاسبز (شکل ۱-۱؛ پ، خ)، انگور، سیب‌زمینی (شکل ۱-۱؛ الف، ت)، گل‌سرخ، حبوبات، چغندر، ذرت (شکل ۱-۱؛ ب)، گلابی جنگلی، گوجه‌ی جنگلی، کاج، انار، میخک، کلم، کاهو، شبدرسفید، گل‌کوب، جلبک، گل‌سنگ و ...، میزان این گروه از حشرات هستند (بی‌بینکو، ۱۹۲۹).

در طی بیست سال گذشته، کشاورزان برای محافظت محصولاتشان، آفت‌کش‌های شیمیایی را به‌دلیل تأثیر سریع، کاربرد آسان و قیمت ارزان در مقابل آفات به‌کار می‌بردند. استفاده از آفت‌کش‌ها در مقیاس وسیع و غیرضروری منجر به بروز مقاومت در آفت، شیوع آفات ثانویه (از جمله طغیان گوشخیزک معمولی در سال ۱۹۲۵ میلادی در شهر پرتلند)، طغیان مجدد آفت، بقایای سموم در مواد غذایی، نابودی دشمنان طبیعی هم‌چنین حشرات مفید و گرده‌افشان، تهدید سلامتی بشر و آلودگی محیط زیست گردید (ساتایاویروت، ۲۰۰۵). این درحالی است که تعداد جانداران مضر موجود در طبیعت نسبت به گونه‌های بی‌ضرر آن بسیار کم و محدود می‌باشد. اکثر حشرات، کنه‌ها، نماتودها و ... بی‌ضرر هستند و تعداد زیادی از آنها واقعاً مفید بوده و با شکار یا انگلی کردن سایر

گونه‌های مضر مانع از ازدیاد جمعیت آن‌ها در طبیعت می‌شوند (لودس، ۲۰۰۵). از جمله گروه بالقوه‌ای که مورد توجه روزافزون قرار گرفته‌اند نماتودهای بیمارگر حشرات می‌باشند. این گروه به‌عنوان عوامل کنترل طبیعی طیف وسیعی از آفات نظیر کرم سفید ریشه، لاروهای پروانه، لارو سوسک ژاپنی، سوسک کلرادو، لارو ریشه‌ی توت-فرنگی، سرخرطومی‌ها، کرم‌های مفتولی، کرم ریشه‌ی ذرت، آفات مرکبات، سبزی‌ها، گیاهان زینتی و ... استفاده می‌شوند (دیکس و همکاران، ۱۹۹۲؛ میلز و همکاران، ۱۹۹۹؛ لازنیک و همکاران، ۲۰۰۸).

نماتودهای بیمارگر حشرات دارای ویژگی‌های منحصر به فردی از جمله وجود یک مرحله‌ی عفونت‌زای پایدار، توانایی آلوده‌سازی میزبان، ایمن برای پستانداران و دیگر ارگانسیم‌های غیرهدف، توانایی تولید انبوه به‌طریق مصنوعی، پتانسیل بازیافت در محیط، قابلیت اختلاط با آفت‌کش‌های زیستی و برخی آفت‌کش‌های شیمیایی، تابع انتخاب ژنتیکی برای کسب صفات مطلوب و هزینه‌ی کم‌تر نسبت به آفت‌کش‌های شیمیایی می‌باشند (اسمارت، ۱۹۹۵؛ شاپیرو-آیلان و همکاران، ۲۰۰۲؛ هزیر و همکاران، ۲۰۰۳). این گروه از نماتودها متعلق به دو خانواده‌ی Heterorhabditidae (جنس *Heterorhabditis* sp.) و Steinernematidae (جنس *Steinernema* sp.) هستند. از بین گونه‌های نماتودهای بیمارگر حشرات گونه‌ی *Heterorhabditis bacteriophora* گونه‌ای حائز اهمیت است که اولین بار در سال ۱۹۷۵ میلادی به‌عنوان گونه‌ای جدید از راسته‌ی Rhabditida معرفی گردید (لازنیک و همکاران، ۲۰۰۹؛ به‌نقل از پوینار، ۱۹۷۶). در کشورهایمانند استرالیا و مجارستان نتایج مطلوبی در رابطه با تأثیر کاربرد *H. bacteriophora* روی آفات مختلف به دست آمده است (اهلر و همکاران، ۲۰۰۸). لارو سن سوم این جنس موسوم به لارو عفونت‌زا<sup>۱</sup>، برخلاف *Steinernema carpocapsae* در قسمت پشت خود دارای دندان‌ها یا قلاب می‌باشد که می‌تواند علاوه بر روزنه‌های طبیعی بدن مانند دهان، مخرج و روزنه‌های تنفسی از طریق کوتیکول

---

۱- در بین محققان در مورد مرحله‌ی لاروی نماتود که ممکن است دوم یا سوم باشد اختلاف نظر وجود دارد ولی اکثر لارو سن سوم را به‌عنوان لارو عفونت‌زا در نظر می‌گیرند.