

بِسْمِ اللّٰهِ الرَّحْمٰنِ الرَّحِیْمِ

pdfMachine

A pdf writer that produces quality PDF files with ease!

Produce quality PDF files in seconds and preserve the integrity of your original documents. Compatible across nearly all Windows platforms, if you can print from a windows application you can use pdfMachine.

Get yours now!



دانشگاه ساری

دانشکده علوم پایه

گروه زیست شناسی

(گرایش بیوشیمی)

پایان نامه کارشناسی ارشد

مطالعه‌ی خصوصیات بیوشیمیایی پروتئین کایمر حاصل از دو آنزیم الاستاز و ترمولیزین

از:

نرگس اسدی

استاد راهنما:

دکتر سید محسن اصغری

استادان مشاور:

دکتر رضا حسن ساجدی

دکتر مجید تقدیر

اسفند ۱۳۹۰

pdfMachine

A pdf writer that produces quality PDF files with ease!

Produce quality PDF files in seconds and preserve the integrity of your original documents. Compatible across nearly all Windows platforms, simply open the document you want to convert, click "print", select the "Broadgun pdfMachine printer" and that's it! Get yours now!

تقدیم به کسانی که محبت آل الله را در وجودم قراردادند:

پدر مهربانم

و

مادر صبورم

و تقدیم به:

دو استاد اندیشه و تفکر، بزرگوارترین و بی نظیرترین همراهان زندگیم، دو بزرگواری که در مکتب علم و اخلاق شان بسیار آموختم:

برادرم خسرو

و

خواهرم منیژه

و تقدیم به

دوستان حقیقی علم و دانش

pdfMachine

A pdf writer that produces quality PDF files with ease!

Produce quality PDF files in seconds and preserve the integrity of your original documents. Compatible across nearly all Windows platforms, if you can print from a windows application you can use pdfMachine.

Get yours now!

به نام تو

ایمان دارم که هر تغییر و تحول بزرگی در مسیر زندگی بدون تحول معرفت و نگرش، میسر نخواهد بود. پس بیائید با توکل، تلاش و تامل در توسعه‌ی دنیای فکریمان برای نیل به آرامش و آسایش توامان اولین گام را برداریم، چون همگی یقین داریم دانایی، توانایی می-آورد.

از استاد راهنمای ارجمندم جناب آقای دکتر سید محسن اصغری بخاطر تمام محبت‌ها و راهنمایی‌های بیدریغ‌شان بی‌نهایت سپاسگزارم.

از الطاف استادان مشاور ارجمندم، آقای دکتر رضا حسن ساجدی و آقای دکتر مجید تقدیر قدردانی می‌کنم.

از پروفیسور ریحانه سریری بخاطر قبول زحمت داوری رساله و راهنمایی‌های ارزنده‌شان کمال تشکر را دارم.

از استاد فرزانه‌ام، جناب آقای دکتر محمود رضا آقا معالی بخاطر تمام محبت‌ها و راهنمایی‌های بیدریغ‌شان بی‌نهایت سپاسگزارم و خداوند را شاکرم که افتخار فراگیری اخلاق را در محضر ایشان به من عطا نمود.

از کارشناسان محترم گروه زیست‌شناسی، سرکار خانم‌ها هادوی و امید می‌تشکر می‌کنم.

از دوست و همراه عزیزم، آقای نیما چند که در نهایت بزرگواری، صبر و حوصله، دلسوزانه مرا همراهی نمودند صمیمانه قدردانی می‌کنم.

از خواهران عزیزم خانم‌ها رضوان احمدی، مهدیه فرجی، سارا پورآقا جان و سایر دوستان خوبم در آزمایشگاه‌های تکوین، ژنتیک، زیست‌دریا، فیزیولوژی گیاهی، شیمی تشکر می‌کنم.

خداوندا شاکرم که در جمع این عزیزان بزرگوار بزرگترین نعمت‌هایت را بر من ارزانی نمودی تا فرصت آموختن را در کنارشان داشته باشم.

pdfMachine

Is a pdf writer that produces quality PDF files with ease!

Produce quality PDF files in seconds and preserve the integrity of your original documents. Compatible across nearly all Windows platforms, if you can print from a windows application you can use pdfMachine.

Get yours now!

مطالعه‌ی خصوصیات بیوشیمیایی پروتئین کایمر حاصل از دو آنزیم الاستاز و ترمولیزین
نرگس اسدی

Zn-متالوپروتئازها یک گروه از آنزیم‌های متعلق به خانواده متالوپروتئازها می‌باشند. اخیراً با توجه به کاربرد این آنزیم‌ها در صنعت به‌خصوص در صنایع غذایی، همچنین پزشکی و نیز طراحی داروها بسیار مورد توجه بوده‌اند. الاستاز سودوموناس آئروجینوزا و ترمولیزین حاصل از باسیلوس ترموپروتولیتیکوس جزو این خانواده بوده و دارای مشابهت بالایی در توالی و همچنین همولوژی بالایی دارند. این آنزیم‌ها دارای یک یون روی در جایگاه فعال اند که برای فعالیت ضروری می‌باشد، الاستاز در لوپ اتصالی به کلسیم دارای ۱ یون کلسیم و ترمولیزین دارای ۴ یون کلسیم می‌باشد، به علت وجود این یون‌های کلسیم ترمولیزین پایداری حرارتی بالاتری را دارا می‌باشد، در این تحقیق کلسیم‌های ۱، ۲، و ۴ این آنزیم با لوپ موجود در الاستاز که حاوی کلسیم می‌باشد جایگزین شد و بدین شکل پروتئین کایمر طراحی و سنتز شد. در مطالعات قبلی، ژن این آنزیم از گونه‌ی باکتریایی سودوموناس آئروجینوزا (PTCC 1430) جداسازی، کلون و بیان گردیده بود. در طی آزمایشات نتایج نشان دادند که بیان پروتئین در دمای ۳۰ درجه‌ی سانتی‌گراد، با ۴ ساعت انکوباسیون بعد القاء در غلظت یک میلی‌مولار IPTG افزایش یافته است، در این مرحله به منظور بهینه کردن مدت زمان بیان در فواصل مختلف از باکتری‌های القاء شده نمونه‌برداری شد، سپس بیان پروتئین کایمر درون *E. coli* سویه‌ی BL21 صورت گرفت و در نهایت پس از تأیید بیان پروتئین کایمر توسط SDS-PAGE، عملکرد پروتئین کایمر نیز مورد بررسی قرار گرفت. سپس به تعیین ویژگی‌های الاستاز وحشی و پروتئین کایمر نظیر pH مطلوب، دمای مطلوب، شرایط بیانی مطلوب (میزان بیان در دماها، زمان‌ها) پرداخته شد. اثر دما و pH‌های مختلف بر روی فعالیت پروتئین کایمر، فعالیت بهینه را در ۷۰°C نشان داد که نسبت به الاستاز وحشی که تعیین خصوصیت شده بود، ۱۰ درجه به سمت دماهای بالاتر شیف‌ت پیدا کرده بود و pH اپتیمم برای فعالیت آنزیم ۸.۵ بود که نسبت به نوع وحشی آن تغییر نیافته بود. در نهایت با استفاده از همولوژی مدلینگ مدل الاستاز وحشی، پروتئین کایمر برای استفاده در محاسبات تئوری از قبیل DCCM, RMSD, RMSF و میانکنش‌های الکترواستاتیک ساخته شد.

واژه‌های کلیدی: Zn-متالوپروتئاز، پروتئین کایمر، سینتیک، همولوژی مدلینگ

فهرست مطالب	ت
عنوان	صفحه
چکیده فارسی	ض
چکیده انگلیسی	ط
فصل اول: مقدمه و تئوری	۱
۱-۱ آنزیم‌ها و اهمیت آن‌ها	۲
۱-۱-۱ کاربرد آنزیم‌ها	۲
۲-۱ روش‌های دستیابی به فعالیت آنزیمی با خواص جدید	۳
۳-۱ مهندسی پروتئین	۳
۱-۳-۱ روش‌های به کار رفته به منظور اصلاح ویژگی پروتئین‌ها	۵
۴-۱ عوامل موثر در پایداری پروتئین	۷
۱-۴-۱ افزایش پایداری در مهندسی پروتئین	۸
۲-۴-۱ ارتباط پایداری و فعالیت پروتئین‌ها	۹
۵-۱ تقسیم‌بندی میکروارگانیزم‌ها بر اساس دما	۱۰
۱-۵-۱ ترموفیل‌ها	۱۰
۶-۱ سودوموناس آئروجینوزا	۱۰
۷-۱ پروتئاز	۱۱
۱-۷-۱ متالوپروتئازها	۱۲
۱-۱-۷-۱ طبقه‌بندی متالوپروتئازها	۱۲
۱-۱-۷-۱-۱ متالوپروتئازهای حاوی یون روی (Zn-metalloproteases)	۱۳
۱-۱-۱-۷-۱-۱ ساختار خانواده M4 متالوپروتئازها	۱۵
۲-۱-۱-۷-۱-۱ کاربردهای آنزیم‌های خانواده‌ی M4	۱۶
۲-۱-۱-۷-۱ آنزیم‌های خانواده پروتئازهای ترمولیزین-مانند (TLPs)	۱۶
۱-۲-۱-۷-۱-۱ الاستاز	۱۷

۱۹	۱-۱-۲-۱-۱-۷-۱ مکانیسم ترشحاتی و بلوغ الاستاز
۲۱	۲-۱-۲-۱-۱-۷-۱ بررسی توالی نوکلئوتیدی الاستاز
۲۳	۲-۲-۱-۱-۷-۱ ترمولیزین
۲۴	۸-۱ جایگاه فعال الاستاز و ترمولیزین
۲۵	۹-۱ ناحیه hinge و اهمیت آن در فعالیت
۲۷	۱۰-۱ نقش یون کلسیم در پروتئینها
۲۷	۱-۱۰-۱ لوپ اتصال به کلسیم در ترمولیزین
۲۷	۱۱-۱ مقایسه‌ی الاستاز و ترمولیزین
۳۰	۱۲-۱ مکانیسم عمل الاستاز و ترمولیزین
۳۱	۱۳-۱ پروتئین کایمر (هیبرید)
۳۲	۱۴-۱ دینامیک ملکولی پروتئینها
۳۲	۱-۱۴-۱ شبیه‌سازی دینامیک ملکولی
۳۳	۱-۱۴-۱ مرحله‌ی آغاز شبیه‌سازی
۳۳	۲-۱۴-۱ افزایش دمای سیستم
۳۴	۳-۱۴-۱ متعادل‌سازی شبیه‌سازی
۳۴	۴-۱۴-۱ مرحله تولید شبیه‌سازی
۳۴	۵-۱۴-۱ تحلیل نتایج شبیه‌سازی دینامیک ملکولی
۳۵	۲-۱۴-۱ اهمیت دینامیک مولکولی پروتئینها در عملکرد
۳۹	۱۵-۱ هدف از تحقیق
۴۰	فصل دوم: مواد و روشها
۴۱	۱-۲ دستگاه‌های مورد استفاده
۴۱	۲-۲ مواد شیمیایی مورد استفاده
۴۱	۳-۲ فیلترها و کیت‌های مورد استفاده

۴۱	۴-۲ میکروارگانیزم‌های مورد استفاده
۴۱	۵-۲ تخلیص پروتئازها
۴۳	۶-۲ روش‌های الکتروفورزی
۴۳	۱-۶-۲ SDS-PAGE
۴۳	۲-۶-۲ تهیه محلول‌های رنگ آمیزی کوماسی بلو
۴۳	۳-۶-۲ انجام رنگ آمیزی کوماسی بلو
۴۴	۴-۶-۲ الکتروفورز ژل آگارز
۴۴	۵-۶-۲ مراحل انجام زایموگرام
۴۵	۷-۲ انتقال ناقل جدید به میزبان
۴۵	۱-۷-۲ استخراج پلاسمید
۴۵	۲-۷-۲ تعیین توالی نوکلئوتیدی
۴۶	۸-۲ بیان الاستاز
۴۶	۹-۲ تهیه محتوای سلولی از باکتری
۴۶	۱۰-۲ منحنی وابستگی فعالیت به دما
۴۷	۱۰-۱۰-۲ اثر دما روی فعالیت الاستاز و کایمر
۴۷	۱۱-۲ اثر pH روی فعالیت الاستاز و کایمر
۴۷	۱۲-۲ تعیین پارامترهای سینتیکی (K_m , V_{max})
۴۷	۱۳-۲ محاسبات ترمودینامیکی.
۴۸	۱-۱۳-۲ روش‌های محاسباتی
۴۸	۱-۱۳-۲ مدل‌سازی مقایسه‌ای
۴۸	۱-۱۳-۲-۱-۱ انتخاب الگو
۴۹	۲-۱۳-۲ شبیه‌سازی دینامیک مولکولی (MD)
۴۹	۱-۲-۱۳-۲ ابزار محاسبه

۴۹	۲-۱۳-۲ روش محاسبه
۵۰	۲-۱۳-۳ تحلیل اطلاعات
۵۰	۲-۱۳-۳ حرکت‌ها و نوسانات درون ملکولی
۵۰	۲-۱۳-۳ محاسبات انرژی
۵۱	۲-۱۳-۳ تعیین هیدروفوبیسیته سطحی پروتئین به روش تئوری
۵۱	۲-۱۳-۴ بررسی هیدروپاتی
۵۱	۲-۱۳-۵ مقایسه توالی‌های آمینواسیدی الاستاز با ترمولیزین
۵۲	فصل سوم: نتایج
۵۳	۳-۱ طراحی و سنتز ژن کایمر
۵۵	۳-۲ جاگذاری ژن کایمر در وکتور بیانی
۵۵	۳-۲-۱ Colony-PCR
۵۵	۳-۲-۲ تأیید صحت ژن کایمر سنتز شده با استفاده از Sequencing
۵۷	۳-۳ بیان الاستاز وحشی و پروتئین کایمر
۵۹	۳-۳-۱ ژلاتین زایموگرام
۶۰	۳-۴ تخلیص الاستاز وحشی و پروتئین کایمر
۶۰	۳-۴-۱ کروماتوگرافی تمایلی
۶۲	۳-۴-۲ کروماتوگرافی تعویض یونی
۶۳	۳-۴-۳ ژل فیلتراسیون
۶۳	۳-۴-۳ G50
۶۴	۳-۴-۳ G75
۶۵	۳-۴-۳ HIC (کروماتوگرافی میانکنش آبگریز)
۶۵	۳-۵ مطالعات سینتیکی
۶۵	۳-۵-۱ اثر دما روی فعالیت آنزیم وحشی و الاستاز کایمر

- ۶۸ ۲-۵-۳ اثر pH روی فعالیت آنزیم وحشی و پروتئین کایمر
- ۶۸ ۳-۵-۳ منحنی آرنیوس و انرژی فعال سازی آنزیم وحشی و پروتئین کایمر
- ۷۰ ۴-۵-۳ پارامترهای سینتیکی آنزیم وحشی و پروتئین کایمر (تعیین خصوصیات کاتالیتیک)
- ۷۳ ۶-۳ آنالیز توالی
- ۷۳ ۱-۶-۳ مدل سازی مولکولی
- ۷۳ ۲-۶-۳ مدل سازی مقایسه‌ای
- ۷۴ ۳-۶-۳ بررسی و تست صحت (اعتبار) مدل
- ۷۴ ۴-۶-۳ بهینه سازی ساختار مدل با استفاده از شبیه سازی دینامیک مولکولی
- ۷۴ ۱-۴-۶-۳ پایداری شبیه سازی دینامیک مولکولی
- ۷۷ ۵-۶-۳ مقایسه‌ی RMSF الاستاز وحشی و پروتئین کایمر
- ۷۷ ۱-۵-۶-۳ انعطاف پذیری ساختاری (RMSF)
- ۷۸ ۲-۵-۶-۳ مقایسه‌ی RMSF اسیدهای آمینه‌ی اصلی در جایگاه فعال
- ۸۰ ۳-۵-۶-۳ مقایسه‌ی RMSF اسیدهای آمینه‌ی در اطراف جایگاه فعال
- ۸۲ ۴-۵-۶-۳ مقایسه‌ی RMSF در ناحیه‌ی لولا
- ۸۲ ۶-۶-۳ مقایسه‌ی DCCM آنزیم وحشی و پروتئین کایمر
- ۸۳ ۷-۶-۳ مقایسه‌ی ساختاری آنزیم وحشی و پروتئین کایمر
- ۸۳ ۱-۷-۳ جایگاه فعال در الاستاز
- ۸۴ ۲-۷-۳ آنالیز ناحیه‌ی لولا (hinge)
- ۸۵ ۸-۳ پل های نمکی
- ۸۶ ۹-۳ پیوندهای هیدروژنی در الاستاز وحشی و پروتئین کایمر
- ۸۸ **فصل چهارم: بحث**
- ۸۹ ۱-۴ طراحی آنزیم کایمر و خصوصیات ساختمانی آن
- ۹۰ ۲-۴ بیان ژن الاستاز وحشی و کایمر، بلوغ آنزیم (maturation) در *E. coli* و تخلیص آنزیم ها

۹۱	۳-۴ وابستگی فعالیت به دما
۹۱	۱-۳-۴ دمای بهینه و فعالیت در دماهای بالا
۹۱	۲-۳-۴ فعالیت در دماهای پایین و انرژی فعال سازی
۹۲	۴-۴ وابستگی فعالیت به pH
۹۳	۵-۴ مقایسه Km آنزیم وحشی و پروتئین کایمر
۹۳	۶-۴ اثر کلسیم

فهرست جدول‌ها

۱۴	جدول ۱-۱ انواع پیتیدازها در دودمان MA
۱۴	جدول ۲-۱ عناصری ساختاری دوم در متالوپروتنازها
۲۷	جدول ۳-۱ اسیدهای آمینه ی متصل به کلسیم در ترمولیزین
۲۹	جدول ۴-۱ مقایسه ی بعضی از اسیدهای آمینه در الاستاز و ترمولیزین
۷۰	جدول ۱-۳ مقایسه انرژی فعال سازی و تغییرات انتالپی فعال سازی آنزیم‌های وحشی و کایمر در دمای 25°C
۷۲	جدول ۲-۳ پارامترهای سینتیکی
۷۴	جدول ۳-۳ بررسی صحت (اعتبار) مدل پروتئین کایمر ساخته شده
۸۲	جدول ۴-۳ مقایسه ی DCCM آنزیم وحشی و پروتئین کایمر در دماهای ۲۵ و ۶۰ درجه سانتی گراد
۸۳	جدول ۵-۳ فواصل جایگاه کاتالیتیک در جایگاه فعال الاستاز وحشی و پروتئین کایمر
۸۵	جدول ۶-۳ پل‌های نمکی در پروتئین کایمر و الاستاز وحشی
۸۶	جدول ۷-۳ تعداد کل پیوندهای هیدروژنی در الاستاز وحشی و پروتئین کایمر
۸۶	جدول ۸-۳ پیوندهای هیدروژنی جایگاه فعال در الاستاز وحشی و پروتئین کایمر
۸۷	جدول ۹-۳ پیوندهای هیدروژنی لوپ متصل به کلسیم در الاستاز وحشی و پروتئین کایمر

فهرست شکل‌ها

- شکل ۱-۱ مراحل کلی انجام جهش‌زایی هدف‌دار ۶
- شکل ۲-۱ خانواده Zn متالوپروتئازها ۱۳
- شکل ۳-۱ ساختار ترمولیزین ۱۵
- شکل ۴-۱ الگوی فولدینگ موتیف HEXXH ۱۶
- شکل ۵-۱ مقایسه‌ی محل اتصال کلسیم در اعضای خانواده‌ی ترمولیزین ۱۷
- شکل ۶-۱ ساختار جایگاه فعال (۱) و لوپ اتصال به کلسیم (۲) در الاستاز ۱۸
- شکل ۷-۱ ساختار ثانویه‌ی الاستاز (از DSSP) ۱۸
- شکل ۸-۱ مکانیسم ترشح الاستاز در سودوموناس آئروجینوزا ۱۹
- شکل ۹-۱ توالی‌های درگیر در فرایند بلوغ الاستاز ۱۹
- شکل ۱۰-۱ پری‌پروالاستاز (۵۳.۶ kDa) ۲۰
- شکل ۱۱-۱ ترشح پروتئین از مسیر نوع ۲ ۲۰
- شکل ۱۲-۱ تشکیل پیوند دی‌سولفیدی جهت بلوغ الاستاز ۲۱
- شکل ۱۳-۱ توالی نوکلئوتیدی ژن *lasB* و توالی DNA مجاور ۲۲
- شکل ۱۴-۱ ساختار ثانویه‌ی ترمولیزین (از DSSP) ۲۳
- شکل ۱۵-۱ ساختار β گسترده در ترمولیزین ۲۳
- شکل ۱۶-۱ ریشه‌های واقع در جایگاه فعال ترمولیزین ۲۴
- شکل ۱۷-۱ جایگاه فعال الاستاز ۲۴
- شکل ۱۸-۱ Alignment ساختاری تعدادی از Zn-متالوپروتئازها ۲۵
- شکل ۱۹-۱ مقایسه‌ی جایگاه فعال بین الاستاز و ترمولیزین ۲۵
- شکل ۲۰-۱ مکانیسم ارائه شده برای تغییرات ساختاری در هنگام فرآیند کاتالیز ۲۶

- شکل ۱-۲۱ تغییر زاویه در ناحیه‌ی hinge در الاستاز ۲۶
- شکل ۱-۲۲ مراحل مکانیسم کاتالیتیک الاستاز و ترمولیزین ۳۰
- شکل ۱-۲۳ مراحل شبیه سازی دینامیک ملکولی ۳۲
- شکل ۳-۱ تطبیق توالی ترمولیزین و الاستاز و superposition ساختارها ۵۴
- شکل ۳-۲ توالی ساختار دوم در پروتئین کایمر ۵۴
- شکل ۳-۳ آنالیز محصولات Colony-PCR با استفاده از الکتروفورز ژل آگارز به منظور غربال کلون‌های BL21 ۵۵
- شکل ۳-۴ توالی نوکلئوتیدی و آمینواسیدی الاستاز کایمر ۵۶
- شکل ۳-۵ مقایسه‌ی فاز رسوب (Inclusion body) (۲) و محلول پروتئین (۱) ۵۷
- شکل ۳-۶ پروتئین Soluble (◆) و Inclusion body (■) ۵۸
- شکل ۳-۷ بیان پروتئین کایمر ۵۸
- شکل ۳-۸ بیان پروالاستاز ۵۸
- شکل ۳-۹ اثر زمان‌های مختلف در بیان پروالاستاز ۵۹
- شکل ۳-۱۰ زایموگرام الاستاز وحشی ۵۹
- شکل ۳-۱۱ زایموگرام پروتئین کایمر ۶۰
- شکل ۳-۱۲ پروالاستاز به دست آمده توسط ستون مربوطه ۶۱
- شکل ۳-۱۳ پروتئین کایمر به دست آمده توسط ستون مربوطه ۶۱
- شکل ۳-۱۴ کروماتوگرام مربوط به ستون Q-Sepharose (HP) ۶۲
- شکل ۳-۱۵ الاستاز به دست آمده توسط ستون مربوطه ۶۳
- شکل ۳-۱۶ کروماتوگرام الاستاز وحشی مربوط به ستون G50 ۶۴
- شکل ۳-۱۷ کروماتوگرام الاستاز وحشی مربوط به ستون G75 ۶۴
- شکل ۳-۱۸ کروماتوگرام ستون HIC (کروماتوگرافی میانکنش آبرگیز) ۶۵

- شکل ۳-۱۹ اثر حرارت روی فعالیت الاستاز وحشی (●) و پروتئین کایمر (▲) در عدم حضور کلسیم ۶۶
- شکل ۳-۲۰ اثر حرارت روی فعالیت الاستاز وحشی (●) و پروتئین کایمر (▲) در غلظت ۵ میلی‌مولار کلسیم ۶۷
- شکل ۳-۲۱ اثر حرارت روی فعالیت الاستاز وحشی (●) و پروتئین کایمر (▲) در غلظت ۱۰ میلی‌مولار کلسیم ۶۷
- شکل ۳-۲۲ اثر pH روی فعالیت الاستاز وحشی و پروتئین کایمر ۶۸
- شکل ۳-۲۳ منحنی آرنیوس واکنش پروتئولیز الاستاز وحشی (O) پروتئین کایمر (Δ) در عدم حضور کلرید کلسیم ۶۹
- شکل ۳-۲۴ منحنی آرنیوس واکنش پروتئولیز الاستاز وحشی (◆) و کایمر (■) در غلظت ۵ میلی‌مولار کلرید کلسیم ۶۹
- شکل ۳-۲۵ منحنی آرنیوس واکنش پروتئولیز الاستاز وحشی (◆) و کایمر (■) در غلظت ۱۰ میلی‌مولار کلرید کلسیم ۷۰
- شکل ۳-۲۶ منحنی لاین ویور-برک برای به دست آوردن پارامترهای سینتیکی الاستاز وحشی ۷۱
- شکل ۳-۲۷ منحنی مکائلیس-متون فعالیت پروتئاز الاستاز وحشی در غلظت‌های مختلف کازئین ۷۱
- شکل ۳-۲۸ منحنی لاین ویور-برک الاستاز کایمر با سوبسترای کازئین ۷۲
- شکل ۳-۲۹ منحنی مکائلیس-متون فعالیت پروتئاز پروتئین کایمر در غلظت‌های مختلف کازئین ۷۲
- شکل ۳-۳۰ RMSD الاستاز وحشی و پروتئین کایمر در دمای ۶۰ درجه‌ی سانتی‌گراد ۷۵
- شکل ۳-۳۱ RMSD الاستاز وحشی و پروتئین کایمر در دمای ۲۵ درجه‌ی سانتی‌گراد ۷۶
- شکل ۳-۳۲ RMSF الاستاز وحشی و پروتئین کایمر در دمای ۲۵ درجه‌ی سانتی‌گراد ۷۷
- شکل ۳-۳۳ RMSF الاستاز وحشی و پروتئین کایمر در دمای ۶۰ درجه‌ی سانتی‌گراد ۷۷
- شکل ۳-۳۴ RMSF اسیدهای آمینه‌ی در جایگاه فعال الاستاز و پروتئین کایمر در دمای ۲۵ درجه‌ی سانتی‌گراد ۷۸
- شکل ۳-۳۵ RMSF اسیدهای آمینه‌ی در جایگاه فعال الاستاز و پروتئین کایمر در دمای ۶۰ درجه‌ی سانتی‌گراد ۷۸
- شکل ۳-۳۶ مقایسه‌ی RMSF اسیدهای آمینه‌ی اصلی جایگاه فعال الاستاز و پروتئین کایمر ۷۹
- شکل ۳-۳۷ مقایسه‌ی RMSF اسید آمینه‌ی اطراف جایگاه فعال الاستاز و پروتئین کایمر ۸۰
- شکل ۳-۳۸ مقایسه‌ی RMSF ناحیه‌ی لولا در الاستاز وحشی و پروتئین کایمر ۸۲
- شکل ۳-۳۹ ناحیه‌ی لولا در الاستاز و ترمولیزین و پروتئین کایمر ۸۵

س

۹۳

شکل ۱-۴ اثر حرارت روی فعالیت الاستاز وحشی در غلظت‌های مختلف کلسیم

۹۴

شکل ۲-۴ اثر حرارت روی فعالیت پروتئین کایمر (Δ، ▲) در غلظت‌های مختلف کلسیم

pdfMachine - is a pdf writer that produces quality PDF files with ease!

Get yours now!

"Thank you very much! I can use Acrobat Distiller or the Acrobat PDFWriter but I consider your product a lot easier to use and much preferable to Adobe's" A.Sarras - USA

۱-۱ آنزیم‌ها و اهمیت آن‌ها

اگر واکنشی از جنبه‌ی ترمودینامیکی انجام‌پذیر باشد حداقل یک آنزیم در طبیعت برای آن وجود دارد که قادر به کاتالیز آن واکنش است. منابع تولیدکننده آنزیم‌ها بسیار متعدد هستند. اما میکروارگانیسم‌ها از مهمترین و عمده‌ترین آن‌ها می‌باشند. با پیدایش فناوری DNA نو ترکیب و نیازهای جدید، میکروارگانیسم‌ها به‌عنوان منابع آنزیمی اهمیت بیشتری یافتند. جستجو و یافتن کاتالیزورهای زیستی هم با اهداف علمی و هم با جنبه‌ها و اهداف کاربردی صورت می‌گیرد. در هر دو حالت میکروارگانیسم‌ها برتری دارند. این میکروارگانیسم‌ها متعلق به سه قلمرو *Bacteria*, *Archaea* و *Eukaryotes* می‌باشند. بیشتر آنزیم‌های میکروبی قابل تجاری شدن در تعداد معدودی از جنس‌های قارچی و باکتریایی یافت می‌شوند و در سطوح خاصی از موقعیت‌های رده‌بندی تجمع یافته‌اند. به طور عمده شناخته شده‌ترین آن‌ها متعلق به جنس‌های باکتریایی *Pseudomonas*, *Bacillus* و قارچ‌های آسکومیست شامل جنس‌های *Fusarium*, *Aspergillus* و *Trichoderma* هستند.

۱-۱-۱ کاربرد آنزیم‌ها

آنزیم‌ها در پزشکی و صنعت کاربرد فراوانی دارند. کاربرد آنزیم‌ها در پزشکی در زمینه‌ی تشخیص بیماری و درمان آن‌ها است. آنزیم‌های مورد استفاده در پزشکی به‌طور عمده از بافت‌های جانوری و باکتریایی استخراج می‌شوند که ممکن است داخل سلولی، یا خارج سلولی باشند. بیشتر آنزیم‌های مورد استفاده در صنعت منبع میکروبی داشته و معمولاً خارج سلولی هستند. در زیر تنها چند آنزیم که در پزشکی و صنعت کاربرد دارند ذکر می‌شود [۱، ۲]:

- ۱- پروتئاز: از جمله در ساخت پنیر، ترد کردن گوشت و هضم غذا در حیوان و انسان می‌شود.
- ۲- آمیلاز: از جمله در تولید شربت‌های دارای فروکتوز بالا و صنایع تخمیری استفاده می‌شود.
- ۳- پنی‌سیلین آسیلاز: در تولید پنی‌سیلین‌های نیمه سنتزی استفاده می‌شود.
- ۴- آرژیناز: در تعیین سطح آرژنین در پلاسما و ادرار از این آنزیم استفاده می‌گردد.

۲-۱ روش‌های دستیابی به فعالیت آنزیمی با خواص جدید

- بدست آوردن فعالیت‌های غیرمعمول و جدید از آنزیم‌های موجود در محیط‌های مختلف.
- تغییر محیط واکنش با تغییر شرایط واکنش.
- استفاده از تکنیک‌های مهندسی ژنتیک مثل مهندسی پروتئین و directed evolution.

افزایش اطلاعات درباره‌ی توالی ژن‌های جدید جدا شده از ارگانیسم‌های طبیعی و مقایسه آنزیم‌های همولوگ با الگوی تاخوردگی و عمل مشابه اما خواص و ویژگی‌های متفاوت، امکان آگاهی از اساس ملکولی و آمینواسیدهای درگیر در هر خصوصیت را فراهم می‌کند [۳].

۳-۱ مهندسی پروتئین

مهندسی پروتئین تولید، فعالیت و ساختار آن را بررسی می‌کند. طراحی و مهندسی پروتئین بر اساس مجموعه‌ای از قوانین بنیادی است که خود شکل دهنده‌ی پایه‌های اولیه‌ی زیست‌فناوری^۱ است. کاربرد این شاخه از علم شامل ایجاد موتیف‌های ساختاری، از قبیل دسته‌های ماریپچ آلفا یا زیپ لوسین، تولید پروتئین برای مصارف درمانی و نیز تولید گسترده‌ی پروتئین‌ها برای مصرف صنعتی است. مطالعه‌ی اسیدهای آمینه که بالقوه نقش عملکردی یا ساختاری ایجاد می‌کنند، حذف یا جایگزینی‌های اسید-های آمینه به منظور تعیین نقش محدودیت‌های ایجاد شده توسط آن‌ها، بررسی نیروهای آبگریز، نیروهای الکترواستاتیک، جایابی پیوندهای هیدروژنی، پل‌های نمکی، پیوندهای دی‌سولفیدی و بررسی نقش آب و فلزات از جمله رهیافت‌هایی است که مهندسی پروتئین برای رسیدن به زمینه‌های تخصصی از آن‌ها بهره می‌گیرند یکی از اهداف بلند مدت این تلاش‌ها، تعیین قوانین بنیادی به-منظور طراحی پروتئین در شرایط *de novo* است. طراحی و ساخت یک پروتئین، با ساختار و عملکردی مطلوب، از اهداف مهندسی پروتئین می‌باشد. به طور کلی زمینه‌های فعالیت مهندسی پروتئین را می‌توان به صورت زیر برشمرد [۳-۴]:

- ۱- تشخیص ماکرومولکول‌ها، به‌ویژه چگونگی تشخیص پروتئین‌ها توسط یکدیگر، یا تعیین لیگاند‌های متصل به آن‌ها. می‌توان از مهندسی پروتئین به‌منظور تشخیص ماکرومولکول‌ها برای طراحی پروتئین‌هایی که هدف‌های ویژه‌ای را تعقیب می‌کنند، استفاده شود.

۲- ارسال دارو به بافت هدف. در اینجا سعی می‌شود بخش اعظم دارو تنها به هدف مورد نظر برسد و بدین ترتیب از آثار زیانبار دارو کاسته شود. برای رسیدن به این هدف می‌توان آنزیم‌هایی طراحی کرد که "پیش دارو" را به شکل فعال آن تبدیل کنند. بدین ترتیب دارو به احتمال بیشتری به مکان مورد نظر خواهد رسید.

۳- جایگزینی زیستی. یعنی پاکسازی محیط از ترکیبات خطرناک، در حقیقت با طراحی پروتئین‌هایی که به مواد شیمیایی ویژه‌ای متصل می‌شوند، می‌توان مسیری امن و ارزان را برای پاکسازی بدست آورد.

۴- کاتالیزورهای زیستی مهندسی شده. در اینجا آنزیم‌های مهندسی شده‌ای طراحی می‌شوند که قادرند فرآیندهای شیمیایی مورد نظر را از نقطه نظر کاربردی امکان‌پذیر و یا مطلوب سازند.

در واقع هدف نهایی در این زمینه، ارائه‌ی چارچوبی برای یافتن رابطه‌ی حاکم بین ساختار سه بعدی یک پروتئین و عملکرد آن است.

یکی از روش‌های بررسی و شناسایی نحوه‌ی عملکرد پروتئین‌ها، استفاده از روش‌های جهش‌زایی است. البته اطلاعات ناقصی که در ارتباط با نیروهای عمل‌کننده‌ی درون پروتئین‌ها و نیز نیروهای بین پروتئین و لیگاند وجود دارد، استفاده از روش‌های جهش‌زایی (هدف‌دار) را مشکل کرده است.

در مهندسی پروتئین بررسی تغییرات ایجاد شده یکی از اهداف مهم برای درک عملکرد و ساختار پروتئین به شمار می‌رود. در واقع باید اطمینان یافت که تغییر ایجاد شده در پروتئین، ناشی از همان جهشی است که ایجاد شده و فعالیت‌های خاج از کنترل، سبب ایجاد تغییر در پروتئین نشده است. تنها در این صورت می‌توان تغییرات مشاهده شده در ساختار یا عملکرد پروتئین را به تغییرات القا شده مرتبط کرد. یکی از روش‌هایی که دقت روش جهش‌زایی را تعیین می‌کند، استفاده از روش طیف‌سنجی جرمی و روش پراش الکترون است. در واقع این روش یونیزاسیون موجب تولید مجموعه‌ای از یون‌های پروتئینی باردار می‌شود که تنها در یک بار با هم اختلاف دارند. بنابراین یکی از کاربردهای مهم مهندسی پروتئین، درک ساختار، عملکرد و چگونگی تا خوردن پروتئین است. مهندسی پروتئین در زمینه‌ی صنعتی نیز گسترش زیادی یافته است. از این جمله می‌توان به طراحی و تولید آنزیم‌های پایدار و کارآمد در مقیاس صنعتی اشاره کرد. آنزیم‌های مهندسی شده در صنعت بسیار مورد توجه‌اند، زیرا با استفاده از فناوری مذکور آنزیم‌هایی با کارایی بالا بدست می‌آیند که دارای خصوصیات مطلوبی از قبیل پایداری حرارتی، پایداری pH، کارایی کاتالیتیکی، ویژگی برای محصول و سوبسترا می‌باشند [۳ و ۴]. در فرآیندهای صنعتی چندین مزیت دیگر هم برای آنزیم‌های مهندسی شده وجود دارد. به‌عنوان نمونه آنزیم‌های پایدار این امکان را فراهم می‌سازند که واکنش‌ها در دماهای بالاتری صورت

پذیرند که این خود موجب افزایش سرعت و راندمان واکنش، در مقایسه با دماهای پایین می‌گردد. همچنین این روش دانش ما را در ارتباط با ساختمان پروتئین‌ها افزایش می‌دهد [۳،۴].

مهندسی پروتئین نتیجه جهش در یک یا تعداد بیشتری نوکلئوتید ویژه در یک ژن می‌باشد که در آن کدها بین دو پروتئین وحشی (wild type) و تغییر یافته مقایسه می‌شود. تغییرات هدفمند یک آمینواسید در مقابل پروتئین طبیعی خودش، جهش‌زایی هدفمند (site-directed mutagenesis) نامیده می‌شود. برای این کار نیاز به ژن مورد نظر و اطلاعات ساختار سوم پروتئین یا پروتئین‌های همولوگ آن و طی مراحل زیر است:

- ۱- تخلیص پروتئین مورد نظر جهت بررسی همولوژی و تعیین ترادف با استفاده از اسپکتروسکوپی جرمی.
- ۲- جداسازی و تعیین ترادف ژن مورد نظر و بیان پروتئین نو ترکیب آن.
- ۳- کریستالیزاسیون پروتئین مورد نظر و آنالیز پروتئین مورد نظر توسط تفرق اشعه ایکس.
- ۴- بررسی ساختار سه‌بعدی جهت مطالعه فعالیت و توضیح مکانیسم عمل آنزیم‌ها.
- ۵- انتخاب آمینواسیدهای اساسی در عملکرد پروتئین جهت بهبود کارکرد پروتئین از طریق جهش‌زایی هدفمند.
- ۶- انجام موتاسیون‌های نقطه‌ای هدفمند بر سطح DNA، کلونینگ و بیان محصول نو ترکیب ژن‌های جهش یافته.
- ۷- بررسی خصوصیات محصولات پروتئینی جهش یافته در مقایسه با پروتئین طبیعی.

۱-۳-۱ روش‌های بکار رفته به منظور اصلاح ویژگی پروتئین‌ها

پروتئین‌ها به دلیل کاربرد وسیع، امروزه در سطح صنعتی تولید می‌شوند. ولی فقط تعداد کمی از آن‌ها قادر به انجام واکنش در شرایط مورد نیاز از قبیل مقاومت به حلال‌های آلی، حرارت، محیط اسیدی و بازی و غیره هستند. تلاش‌های زیادی برای ایجاد تغییر در عملکرد پروتئین‌ها به منظور رسیدن به شرایط مطلوب نظیر پایداری حرارتی، پایداری به pH، ویژگی‌های کینیتیکی، پایداری در حلال‌های آلی، تغییر وابستگی به کوفاکتور و سوبستراهای مختلف انجام می‌شود. یکی از راه‌ها برای برآوردن این نیازها، جدا کردن پروتئین‌های جدید از ارگانیزم‌های مقاوم (برای مثال به وسیله غربال کردن نمونه‌های خاک یا شرایط محیطی دشوار) و بهینه کردن شرایط واکنش پروتئین وحشی می‌باشد. جهت فایق آمدن بر این محدودیت‌ها، امروزه به طور گسترده‌ای از روش‌های