

بِسْمِ اللَّهِ الرَّحْمَنِ الرَّحِيمِ



وزارت علوم، تحقیقات و فناوری
پژوهشگاه ملی مهندسی ژنتیک و زیست فناوری

پایان نامه کارشناسی ارشد
رشته زیست شناسی سلولی و ملکولی

جداسازی سویه(های) بومی پنی سیلیوم مولد مایکوفنولیک اسید و شناسایی
ژنهای *hmg* و *mdd* دخیل در فرایند تولید آنتی بیوتیک

نگارش

فاطمه محمودیان

استادان راهنما

دکتر سید صفاعلی فاطمی

دکتر باقر یخچالی

اسفند ۱۳۹۰

حق استفاده از مفاد پایان نامه برای پژوهشگاه ملی مهندسی ژنتیک و زیست فناوری محفوظ است.



پژوهشگاه ملی مهندسی ژنتیک و زیست فناوری
رساله جهت دریافت کارشناسی ارشد رشته زیست شناسی سلولی و مولکولی

جداسازی سویه (های) بومی پنی سیلیوم مولد مایکوفنولیک اسید و شناسایی
ژنهای *hmg* و *mdd* دخیل در فرایند تولید آنتی بیوتیک

نگارش:

فاطمه محمودیان

این پایان نامه در تاریخ ۹۰/۱۲/۱ توسط کمیته داوری مورد تایید قرار گرفته و با درجه عالی و نمره
۱۹/۹۰ ارزیابی گردید.

استاد راهنما: جناب آقای دکتر سیدصفا علی فاطمی

استاد راهنما: جناب آقای دکتر باقر بهزادچی

داور: جناب آقای دکتر مصطفی مطلبی

داور: جناب آقای دکتر مهرداد عباسی

مدیر تحصیلات تکمیلی: جناب آقای دکتر فرید حیدری

پژوهشگاه ملی مهندسی ژنتیک و زیست فناوری، گروه زیست فناوری صنعت و محیط زیست

تقدیم به

پدرم که عالمانه به من آموخت تا چگونه در عرصه زندگی، ایستادگی را تجربه نمایم
و به مادرم، دریای بی کران فداکاری و عشق که وجودم برایش همه رنج بود و وجودش
برایم همه مهر

و تقدیم به خانواده عزیزم،

به پاس عاطفه سرشار و گرمای امید بخش وجودشان که در این سردترین روزگاران بهترین
پشتیبان من بودند.

تقدیر و تشکر

وظیفه شاگردی خود میدانم تا مراتب سپاس و قدردانی را از جناب آقای دکتر سید صفاعلی فاطمی و جناب آقای دکتر باقر یخچالی به جا آورم که همچون پدری مهربان، با سعه صدر در تمام مراحل این پایان نامه پشتیبان من بودند و مرا از راهنمایی های ارزنده شان در عرصه علم و اخلاق بهره مند نمودند.

از همراهی و مساعدت کارشناسان محترم آزمایشگاه صنعت و محیط زیست، خانم ها رحیمی و دانش و آقایان قمی و علی اکبری صمیمانه سپاسگذارم.

همچنین از خانم میرقاسمی و آقایان نوری، خداوردی، بهروزی و ضعیفی زاده که در امر انجام و تدوین پایان نامه مرا یاری نمودند تشکر مینمایم.

چکیده :

مایکوفنولیک اسید، یکی از متابولیت‌های ثانویه است که توسط بعضی از گونه‌های قارچی تولید می‌شود. این دارو که دارای خاصیت آنتی‌بیوتیکی و بازدارنده‌ی سیستم ایمنی می‌باشد توسط چندین سویه پنی‌سیلیوم تولید می‌شوند که در این میان پنی‌سیلیوم بروی کامپکتوم بیشترین تولید را نشان داده است. قارچ‌های تولیدکننده‌ی متابولیت‌های ثانویه، به فراوانی در خاک یافت می‌شوند. حضور قارچ‌های تولیدکننده‌ی این آنتی‌بیوتیک نیز در خاک گلخانه‌ها، جنگل‌های بارانی گرمسیری و زمین‌های کشاورزی و نیز مواد غذایی، میوه و لبنیات فاسد گزارش شده است. در این تحقیق به منظور جداسازی سویه پنی‌سیلیوم بومی مولد مایکوفنولیک اسید، از خاک مناطق مختلف و نیز مواد فاسد ذکر شده نمونه‌برداری انجام شد. پس از کشت نمونه‌ها روی محیط کشت اختصاصی، ۱۴۰ سویه پنی‌سیلیوم جداسازی گردید. تمامی این سویه‌ها در محیط کشت مایع (Czapek-Dox) و به مدت ۱۲ روز در دمای ۲۸ درجه سانتی‌گراد گرماگذاری شدند. سپس از محلول رویی کشت نمونه‌برداری و از نظر تولید این آنتی‌بیوتیک با HPLC آنالیز شدند. ۳ سویه پنی‌سیلیوم بومی تولیدکننده‌ی مایکوفنولیک اسید جداسازی شد و سویه‌ی با بالاترین تولید از نظر مورفولوژیکی (ماکروسکوپی و میکروسکوپی) و ملکولی (توالی- rDNA ۱۸s) شناسایی شد. نتایج نشان داد که این سویه پنی‌سیلیوم گلابروم می‌باشد که تاکنون تولید این آنتی‌بیوتیک توسط آن گزارش نشده است. همچنین حضور دو ژن *hmg* و *mdd* از ژن‌های اصلی مسیر بیوستز این آنتی‌بیوتیک، در سویه تولیدکننده شناسایی شد. برای این کار از پرایمرهای طراحی شده قبل استفاده شد. این پرایمرها پس از انجام هم‌ردیفی چندگانه توالی بر اساس توالی‌های آمینواسیدی کد شده توسط این ژن‌ها در گونه‌های قارچی دیگر، از نواحی حفاظت شده‌ی بین توالی‌ها طراحی شدند. قطعات به دست آمده از این ژن‌ها درون وکتور کلون و تعیین توالی شدند. همچنین برای اثبات بیان این ژن‌ها، ابتدا استخراج RNA و سپس RT-PCR انجام و حضور mRNA این ژن‌ها اثبات شد. قطعات DNA حاصل از RT-PCR کلون و تعیین توالی شدند. در آخر توالی نوکلئوتیدی به دست آمده از ژن و cDNA آنها مقایسه شدند.

کلمات کلیدی: پنی‌سیلیوم، مایکوفنولیک اسید، متابولیت ثانویه، آنتی‌بیوتیک

فهرست مطالب

۲	۱- بخش اول : مقدمه.....
۷	۲- بخش دوم : بررسی منابع.....
۷	۲- ۱- متابولیت های ثانویه.....
۷	۲- ۱- ۱- بیوستنز متابولیت های ثانویه.....
۱۰	۲- ۲- ایزوپرنوئیدها.....
۱۱	۲- ۲- ۱- بیوستنز ایزوپرنوئیدها.....
۱۵	۲- ۳- پلی کتیدها.....
۱۶	۲- ۳- ۱- بیوستنز پلی کتیدها.....
۲۰	۲- ۴- مایکوفنولیک اسید.....
۲۲	۲- ۴- ۱- مکانیسم عمل مایکوفنولیک اسید.....
۲۴	۲- ۴- ۲- بیوستنز مایکوفنولیک اسید.....
۲۷	۲- ۵- پنی سیلیوم ها.....
۳۰	۲- ۶- قارچهای رشته‌ای تولیدکننده متابولیت ثانویه.....
۳۳	۲- ۷- تنظیم بیان خوشه ژنی مربوط به متابولیت ثانویه در قارچ ها.....
۳۵	۲- ۸- معرفی دو آنزیم درگیر در مسیر بیوستنز مایکوفنولیک اسید.....
۳۵	۲- ۸- ۱- آنزیم موالونات دی فسفات دکربوکسیلاز.....
۳۶	۲- ۸- ۲- آنزیم ۳- هیدروکسی ۳- متیل گلو تاریل کوآنزیم آ.....
۳۸	۲- ۹- مهندسی متابولیک.....

- ۲- ۹- ۱- نیازمندی های مهندسی متابولیک ۳۹
- ۲- ۹- ۲- ساختار مسیرهای سنتتیک ۴۱
- ۳- بخش سوم : مواد و روشها ۴۴
- ۳- ۱- مواد ۴۴
- ۳- ۱- ۱- مواد شیمیایی ۴۴
- ۳- ۱- ۲- میکروارگانیزمها ۴۵
- ۳- ۱- ۳- پلاسمید ۴۵
- ۳- ۱- ۴- آنتی بیوتیک ها ۴۵
- ۳- ۱- ۵- محلولها ۴۶
- ۳- ۱- ۶- محیط کشت های مورد استفاده ۴۸
- ۳- ۱- ۷- بافر CTAB برای استخراج DNA ژنومی قارچ ۵۲
- ۳- ۱- ۸- کیت های آزمایشگاهی ۵۲
- ۳- ۱- ۹- آنزیمها ۵۳
- ۳- ۱- ۱۰- نشانگرهای وزن مولکولی (DNA Size Markers) ۵۳
- ۳- ۱- ۱۱- مواد واکنش زنجیرهای پلیمرز (PCR) ۵۴
- ۳- ۲- روشها ۵۶
- ۳- ۲- ۱- نمونه برداری از خاک زمین های کشاورزی مناطق مختلف ۵۶
- ۳- ۲- ۲- جداسازی تک اسپور ۵۶
- ۳- ۲- ۳- رنگ آمیزی و مشاهده میکروسکوپی ۵۷
- ۳- ۲- ۴- تهیه ذخیره از نمونه های قارچ ۵۸

- ۳-۲-۵- آماده سازی نمونه ها ۵۹
- ۳-۲-۶- اندازه گیری کمی و کیفی تولید مایکوفنولیک اسید تولید شده ۵۹
- ۳-۲-۷- روش کشت اسلاید ۶۰
- ۳-۲-۸- استخراج DNA ژنومی قارچ به روش CTAB ۶۱
- ۳-۲-۹- الکتروفورز DNA ۶۲
- ۳-۲-۱۰- تعیین غلظت و خلوص DNA ۶۳
- ۳-۲-۱۱- تکثیر اختصاصی مولکول DNA از طریق واکنش زنجیره ای پلی مرز ۶۴
- ۳-۲-۱۲- بازیافت قطعات DNA از ژل آگارز ۶۸
- ۳-۲-۱۳- اتصال قطعات DNA به وکتور PTZ57R/T ۷۰
- ۳-۲-۱۴- تهیه سلولهای مستعد ۷۱
- ۳-۲-۱۵- انتقال پلاسمید به باکتری مستعد شده ۷۲
- ۳-۲-۱۶- کلونی PCR ۷۲
- ۳-۲-۱۷- استخراج DNA پلاسمیدی ۷۳
- ۳-۲-۱۸- استخراج RNA با استفاده از تریزول ۷۵
- ۳-۲-۱۹- RT-PCR ۷۷
- ۳-۲-۲۰- پایگاهها و نرم افزارهای بیوانفورماتیک ۷۸
- ۴- بخش چهارم : نتایج ۸۲
- ۴-۱- کشت نمونه های مختلف ۸۲
- ۴-۲- تولید مایکوفنولیک اسید توسط ایزوله ها ۸۵
- ۴-۲-۱- تهیه نمودار استاندارد مایکوفنولیک اسید ۸۶

- ۴-۲-۲- شناسایی مایکوفنولیک اسید در ایزوله‌های پنی سیلیوم ۸۶
- ۴-۲-۳- رسم منحنی استاندارد مایکوفنولیک اسید ۸۹
- ۴-۳- شناسایی مورفولوژیکی قارچ مولد مایکوفنولیک اسید ۹۱
- ۴-۳-۲- خصوصیات میکروسکوپی سویه ۹۳
- ۴-۴- شناسایی مولکولی ۹۴
- ۴-۴-۱- استخراج ژنوم سویه پنی سیلیوم گلابروم ۹۴
- ۴-۴-۲- تکثیر rDNA ۱۸s توسط PCR ۹۵
- ۴-۴-۳- شناسایی ژنهای *mdd* و *hmg* در ژنوم سویه پنی سیلیوم گلابروم ۹۹
- ۴-۴-۴- بررسی بیان ژنهای *mdd* و *hmg* در سویه پنی سیلیوم گلابروم ۱۰۳
- ۵- نتیجه گیری نهایی ۱۰۸
- ۶- پیشنهادات ۱۰۹
- ۷- منابع ۱۱۰

فهرست جدول ها

- جدول ۳-۱- مشخصات باکتری اشریشیاکلی سویه DH₅A ۴۵
- جدول ۳-۲- خصوصیات پلاسمید استفاده شده ۴۵
- جدول ۳-۳- آنتی بیوتیک های مورد استفاده ۴۵
- جدول ۳-۴- محلولهای مورد نیاز برای استخراج DNA پلاسمیدی در مقیاس کم به روش لیز قلیایی ۴۶
- جدول ۳-۵- مواد تشکیل دهنده TAE 50X ۴۷
- جدول ۳-۶- ترکیبات محیط کشت LB ۴۸
- جدول ۳-۷- ترکیبات محیط کشت مایع CZAPEK-DOX(Cz) برای تولید مایکوفنولیک اسید ۵۰
- جدول ۳-۸- ترکیبات محیط کشت CYA ۵۱
- جدول ۳-۹- ترکیبات محیط کشت MEA ۵۱
- جدول ۳-۱۰- ترکیبات و غلظت آنها در بافر CTAB ۵۲
- جدول ۳-۱۱- فهرست آغازگرهای مورد استفاده در این تحقیق ۵۵
- جدول ۳-۱۲- مواد مورد نیاز PCR مربوط به تکثیر توالی ۱۸S rRNA ۶۵
- جدول ۳-۱۳- برنامه PCR استفاده شده برای تکثیر توالی ۱۸S rRNA ۶۶
- جدول ۳-۱۴- مواد مورد نیاز PCR برای تکثیر دو ژن MDD و HMG ۶۷
- جدول ۳-۱۵- برنامه PCR استفاده شده برای تکثیر ژن MDD ۶۷
- جدول ۳-۱۶- برنامه PCR استفاده شده برای تکثیر ژن HMG ۶۸
- جدول ۳-۱۷- مقادیر مواد مورد نیاز برای واکنش LIGATION ۷۰

- جدول ۳-۱۸- مواد مورد نیاز در تهیه cDNA ۷۸
- جدول ۳-۱۹- برنامه مورد استفاده در RT-PCR ۷۸
- جدول ۳-۲۰- انواع مختلف برنامه های BLAST ۷۹
- جدول ۴-۱- محل‌های نمونه برداری خاک و تعداد سویه های پنی سیلیوم جدا شده و تولید کننده ی ۸۳MPA ۸۳
- جدول ۴-۲- غلظت مایکوفنولیک اسید تولید شده توسط ایزوله ها ۹۱

فهرست شکل ها

- شکل ۱-۲- ساختار بیوشیمیایی بعضی از متابولیت های ثانویه ۹
- شکل ۲-۲- رده های متفاوت ایزوپرنوئیدها و پیش سازهای آنها ۱۱
- شکل ۳-۲- مسیر MEP در بیوسنتز ایزوپرنوئیدها ۱۳
- شکل ۴-۲- مسیر موالونات در بیوسنتز ایزوپرنوئیدها ۱۵
- شکل ۵-۲- مراحل اصلی بیوسنتز پلی کتید های قارچی ۱۷
- شکل ۶-۲- نمونه هایی از انواع پلی کتید سنتازهای قارچی ۱۸
- شکل ۷-۲- نمونه هایی از خوشه های ژنی دخیل در بیوسنتز پلی کتیدها ۱۹
- شکل ۸-۲- خوشه ژنی مربوط به بیوسنتز تتراکتید مایکوفنولیک اسید ۲۰
- شکل ۹-۲- ساختار شیمیایی مایکوفنولیک اسید ۲۰
- شکل ۱۰-۲- مسیرهای بیوسنتز نوکلئوتید گوانین و اثر مایکوفنولیک اسید روی آنزیم اینوزین مونوفسفات دهیدروژناز ۲۴
- شکل ۱۱-۲- ژن کد کننده آنزیم پلی کتید سنتاز در پنی سیلیوم بروی کامپکتوم ۲۵
- شکل ۱۲-۲- پروتئین محصول ژن MPAA، دارای فعالیت پرنیل ترانسفرازی ۲۶
- شکل ۱۳-۲- مسیر بیوسنتز مایکوفنولیک اسید در پنی سیلیوم بروی کامپکتوم ۲۷
- شکل ۱۴-۲- ساختار میکروسکوپی جنس پنی سیلیوم ۳۰
- شکل ۱۵-۲- مدل پیشنهادی برای کنترل وابسته به کروماتین در خوشه های ژنی مربوط به متابولیت های ثانویه ۳۴

- شکل ۲-۱۶- واکنش تبدیل موالونات دی فسفات به ایزوپنتیل دی فسفات ۳۶
- شکل ۲-۱۷- واکنش تبدیل ۳- هیدروکسی ۳- متیل گلوئاریل کوآنزیم آ به موالونات ۳۷
- شکل ۳-۱- نشانگرهای وزن مولکولی ۵۳
- شکل ۳-۲- تصویر لام شمارش نئوبار (هموسیتومتر) زیر میکروسکوپ ۵۸
- شکل ۳-۳- روش کشت اسلاید ۶۱
- شکل ۴-۱- تصویر ساختار پنی سیلیوم های جدا شده با استفاده از میکروسکوپ نوری ۸۲
- شکل ۴-۲- کشت خالص پنی سیلیوم جدا شده روی پلیت PDA پس از اسپورزایی ۸۳
- شکل ۴-۳- کروماتوگرام مربوط به استاندارد مایکوفنولیک اسید با غلظت ۴۰۰ میکروگرم بر میلی لیتر ... ۸۶
- شکل ۴-۴- کروماتوگرام مربوط به سویه پنی سیلیوم شماره ۱ ۸۷
- شکل ۴-۵- کروماتوگرام مربوط به سویه پنی سیلیوم شماره ۲ ۸۷
- شکل ۴-۶- کروماتوگرام مربوط به سویه پنی سیلیوم شماره ۳ ۸۸
- شکل ۴-۷- کروماتوگرام مربوط به سویه شماره ۱ پس از افزودن محلول استاندارد ۸۹
- شکل ۴-۸- نمودار استاندارد مایکوفنولیک اسید ۹۰
- شکل ۴-۹- مورفولوژی سویه پنی سیلیوم شماره ۱ روی محیط کشت CYA ۹۲
- شکل ۴-۱۰- مورفولوژی سویه پنی سیلیوم شماره ۱ روی محیط کشت MEA ۹۲
- شکل ۴-۱۱- ساختار میکروسکوپی سویه پنی سیلیوم شماره ۱ ۹۳
- شکل ۴-۱۲- استخراج DNA ژنومی سویه پنی سیلیوم گلابروم ۹۴
- شکل ۴-۱۳- تکثیر توالی ۱۸S rDNA سویه پنی سیلیوم گلابروم ۹۵

- شکل ۴-۱۴- درخت فیلوژنی مربوط به توالی ۱۸S RDNA سویه شماره ۱ در مقایسه با تعدادی از سویه های پنی سیلیوم ۹۷
- شکل ۴-۱۵- توالی نوکلئوتیدی ۱۸S RDNA سویه پنی سیلیوم گلابروم ۹۹
- شکل ۴-۱۶- تکثیر قطعه ی داخلی ژنهای *HMG* و *MDD* توسط PCR ۱۰۰
- شکل ۴-۱۷- توالی نوکلئوتیدی قطعه DNA به دست آمده از ژن *HMG* مربوط به سویه پنی سیلیوم گلابروم ۱۰۱
- شکل ۴-۱۸- توالی نوکلئوتیدی قطعه DNA به دست آمده از ژن *MDD* مربوط به سویه پنی سیلیوم گلابروم ۱۰۲
- شکل ۴-۱۹- استخراج RNA کل سلول از سویه پنی سیلیوم گلابروم ۱۰۳
- شکل ۴-۲۰- توالی نوکلئوتیدی CDNA قطعه ی ژن *HMG* مربوط به سویه پنی سیلیوم گلابروم ۱۰۴
- شکل ۴-۲۱- توالی نوکلئوتیدی CDNA قطعه ی ژن *MDD* مربوط به سویه پنی سیلیوم گلابروم ۱۰۵
- شکل ۴-۲۲- درخت فیلوژنی مقایسه توالی ژن *HMG* سویه پنی سیلیوم گلابروم با دیگر گونه های قارچی ۱۰۶
- شکل ۴-۲۳- درخت فیلوژنی مقایسه توالی ژن *MDD* سویه پنی سیلیوم گلابروم با دیگر گونه های قارچی ۱۰۶

بخش اول

مقدمه

۱ - بخش اول : مقدمه

مایکوفنولیک اسید^۱ (۶-۴-هیدروکسی-۶-متوکسی-۷-متیل-۳-اکسوفتالانیل) ۴-متیل-۴-هگزینیک اسید) در سال ۱۸۹۶ به فرم کریستال جداسازی شد و اولین متابولیت ثانویه‌ای است که خاصیت آنتی‌بیوتیکی آن علیه باکتری‌های گرم مثبت از جمله عامل بیماری سیاه‌زخم مشخص شده است (Vinokurova et al., 2005). مایکوفنولیک اسید یک داروی سرکوب‌کننده سیستم ایمنی است که برای جلوگیری از رد پیوند در پیوند اعضا استفاده می‌شود (Overy and Frisvad, 2005). هم‌اکنون دو مشتق دارویی از آن با نام‌های مایکوفنولات مفیتیل^۲ (MMF) با نام تجاری CellCept® و مایکوفنولات سدیم^۳ با نام تجاری Myfortic به بازار عرضه می‌شود (Torsten et al., 2011). این آنتی‌بیوتیک و مشتقات آن دارای ویژگی‌های زیستی وسیعی از جمله فعالیت ضدقارچی، ضدویروسی، ضدتوموری، ضدالتهابی، آنتی‌سوریاسیس و بازدارنده‌ی سیستم ایمنی می‌باشند.

مایکوفنولیک اسید و مایکوفنولات مفیتیل در سال ۱۹۹۵ به عنوان داروی متوقف‌کننده‌ی سیستم ایمنی برای تجویز پس از اعمال جراحی پیوند اعضا و به منظور ممانعت از پس‌زدن عضو پیوندی توسط بدن انسان توسط FDA تایید شد و تنها در فاصله‌ی سالهای ۱۹۹۵-۱۹۹۸ برای درمان بیش از ۵۰۰۰ بیمار پس از پیوند کلیه مورد استفاده قرار گرفت. همچنین در سال ۲۰۰۵ مایکوفنولات سدیم نیز توسط FDA تایید شد.

مایکوفنولیک اسید اثر اختصاصی روی لنفوسیت‌های B و T دارد ولی اثر سمی خفیفی روی سایر سلول‌های انسانی دارد. به همین دلیل می‌تواند بهترین داروی جایگزین داروهای بازدارنده سیستم ایمنی از قبیل سیکلوسپورین‌ها باشد (Xua and Yang, 2007). این آنتی‌بیوتیک اولین بار از محیط کشت مایع گونه‌های پنی‌سیلیوم جداسازی گردید.

علیرغم اهمیت این دارو و کاربردهای رو به افزایش آن، اطلاعات کمی راجع به آنزیم‌های درگیر در مسیر بیوسنتز مایکوفنولیک اسید در قارچ‌های تولیدکننده‌ی آن موجود است. این آنتی‌بیوتیک توسط چندین گونه از جنس پنی‌سیلیوم تولید می‌شود که در این میان پنی‌سیلیوم بروی کامپکتوم توانایی تولید بالاتری را

^۱ - Mycophenolic acid

^۲ - Mycophenolate mofetil

^۳ - Mycophenolate sodium

نشان داده است. جنس پنی سیلیومها شامل گروه پراکنده‌ای از قارچ‌هاست که در خاک یافت می‌شوند و انواع متنوعی از مواد آلی را تجزیه می‌کنند. این جنس دارای حدود ۲۵۰ گونه است (Seifert et al., 2011) که از این تعداد حدود ۸۰ گونه دارای مرحله جنسی یا تلئومورفیک شناخته شده هستند (Webster and Weber, 2007). پنی سیلیومها معتدل‌دوست و جزء آسکومیست‌ها می‌باشند. گونه‌های پنی سیلیوم از تولیدکننده‌های مهم متابولیت‌های ثانویه مثل مواد دارویی هستند (Otero and Nielsen , 2010).

گزارش شده است که سویه‌های تولیدکننده‌ی مایکوفنولیک اسید بیشتر از خاک گلخانه‌ها، جنگل‌های بارانی، خاک چمن‌کاری شده و زمین‌های کشاورزی زیر کشت درخت سیب و یونجه و شبدر جدا شده است. همچنین قارچ‌های تولیدکننده‌ی مایکوفنولیک اسید از مواد غذایی، میوه و لبنیات فاسد نیز جدا شده‌اند (N. G. Vinokurova and M. U. Arinbasarov, 2005).

شناسایی ساختار مایکوفنولیک اسید با فرمول شیمیایی $C_{17}H_{20}O_6$ در سال ۱۹۵۷ توسط Birch و همکارانش مشخص کرد که متعلق به گروهی از ترکیبات به نام مروترپنوئیدها می‌باشد. این ترکیبات دارای یک پلی کتید متصل به یکی از واسطه‌های مسیر موالونات به نام فارنسیل‌دی‌فسفات هستند. در نتیجه دو مسیر مجزا، مسیر بیوستنز ایزوپرنوئیدی و مسیر بیوستنز پلی‌کتیدی در تولید این ماده دخیل می‌باشند.

در سال ۲۰۰۸ نیلسن^۴ و تورستن^۵ توانستند خوشه‌ی ژنی مربوط به سنتز بخش پلی‌کتیدی مایکوفنولیک اسید و ژن‌های درون آن را شناسایی نمایند (Nielsen and Torsten, 2008).

در سال ۱۳۸۹ نیز مدل شبکه متابولیکی شامل ۷۳ واکنش بیوشیمیایی برای بیوستنز این آنتی بیوتیک توسط دکتر فاطمی و همکاران در پژوهشگاه ملی مهندسی ژنتیک و زیست فناوری ارائه و کمی سازی شد (اردستانی، ۱۳۸۹). همچنین تاکنون ژنهای کدکننده‌ی آنزیم‌های اسکوالن سنتاز و ۳-هیدروکسی ۳-متیل‌گلووتاریل کوآنزیم‌آ ردوکتاز و نیز آنزیم‌های موالونات دی فسفات دکربوکسیلاز، ایزوپنتنیل پیروفسفات ایزومراز و فارنسیل دی فسفات سنتاز، توسط همین گروه در پژوهشگاه ملی مهندسی ژنتیک و زیست

^۴ - Nielsen

^۵ - Torsten

فناوری، در قارچ پنی سیلیوم بروی کامپکتوم شناسایی و تعیین توالی شدند (لطفی نیا، ۱۳۸۹؛ محمدیان، ۱۳۸۹).

همچنین با استفاده از نتایج حاصل از بررسی مراحل کنترل کننده مسیر متابولیکی مایکوفنولیک اسید، گلوگاه‌های احتمالی آن مشخص شده است (اردستانی، ۱۳۸۹). دو آنزیم مهم که جزء این گلوگاه‌ها هستند و نقش کلیدی در بیوسنتز دارند، مولونات دی فسفات دکربوکسیلاز (EC:4.1.1.33) و ۳- هیدروکسی ۳- متیل گلو تاریل کوآنزیم آ (EC:1.1.1.34) می‌باشند.

از آنجا که تاکنون سویه تولید کننده ی مایکوفنولیک اسید بومی ایران جداسازی نشده است و از طرفی هزینه بالایی جهت واردات سالیانه ی این دارو صرف می شود، لذا دستیابی به سویه تولید کننده بالای این آنتی بیوتیک و طراحی یک سیستم زیستی کارآمد و سپس بکارگیری آن در فرآیند تخمیر تحت شرایط بهینه تولید، ضروری به نظر می رسد.

بخشی از ژن‌های گفته شده در بالا در این تحقیق در سویه بومی جدا سازی و تعیین توالی شدند. با شناسایی بالادست و پایین دست این قطعه، می‌توان به توالی کل این ژن‌ها و ساختار آن‌ها دست یافت. سپس با روش مهندسی متابولیک و دستکاری بخش تنظیمی آنها، به تولید بالاتر این آنتی‌بیوتیک در این سویه دست یافت.

این پایان‌نامه دارای پنج بخش می‌باشد. در بخش بررسی منابع به معرفی اجمالی متابولیت‌های ثانویه، ایزوپرنوئیدها، پلی‌کتیدها و مایکوفنولیک اسید و بیوسنتز آنها و نیز معرفی جنس پنی سیلیوم‌ها پرداخته و در ادامه در مورد محل‌های جداسازی سویه‌های پنی سیلیوم تولید کننده ی متابولیت‌های ثانویه و مایکوفنولیک اسید، توضیحاتی داده شده است. همچنین دو آنزیم مهم مسیر بیوسنتز مایکوفنولیک اسید، مولونات دی فسفات دکربوکسیلاز و ۳- هیدروکسی ۳- متیل گلو تاریل کوآنزیم آ، معرفی گردیده‌اند.

در بخش مواد و روش‌ها، به کلیه مواد، روش‌های آزمایشگاهی و پرایمرهای طراحی شده و مورد استفاده در این تحقیق اشاره شده است.

در بخش نتایج، به ارائه نتایج حاصل از جداسازی سویه‌های پنی سیلیوم از نمونه‌های مختلف و کشت آنها و نیز تعداد سویه‌های مولد این آنتی‌بیوتیک و مقدار تولید هر یک پرداخته شده است. در ادامه حضور ژن-

های *mdd* و *hmg* و نیز *mRNA* می مربوط به این دو ژن در سویه مولد با بالاترین میزان تولید تایید گردید.

در بخش بحث و پیشنهادات، به تحلیل نتایج حاصل مقایسه با نتایج تحقیقات قبل پرداخته شده است و نیز به پیشنهاداتی در ادامه‌ی این تحقیق اشاره شده است.

برخی از اطلاعات تکمیلی نظیر نمودارهای کروماتوگرام و نتایج هم‌ردیفی توالی‌ها در بخش پیوست آمده است.