

بِسْمِ اللَّهِ الرَّحْمَنِ الرَّحِيمِ



دانشگاه اصفهان  
دانشکده علوم  
گروه زیست شناسی

پایان نامه‌ی کارشناسی ارشد رشته‌ی زیست‌شناسی - علوم سلولی و مولکولی

## **بررسی بیان ژنی $PPAR\gamma 1$ در ضایعات نخاعی موش صحرایی**

استادان راهنما:

دکتر کامران قائدی

دکتر ابوالقاسم اسماعیلی

استاد مشاور:

دکتر سهیلا رهگذر

پژوهشگر:

عصمت محمدی باغملائی

شهریور ماه ۱۳۹۰

کلیه حقوق مادی مترتب بر نتایج مطالعات، ابتکارات  
و نوآوری های ناشی از تحقیق موضوع این پایان نامه  
متعلق به دانشگاه اصفهان است.



دانشگاه اصفهان

دانشکده علوم

گروه زیست شناسی

پایان نامه‌ی کارشناسی ارشد رشته‌ی زیست‌شناسی - علوم سلولی و مولکولی

خانم عصمت محمدی باغملایی

تحت عنوان

بررسی بیان ژنی *PPAR $\gamma$*  در ساینات نخاعی موش صحرایی

در تاریخ ۱۳۹۲-۰۶-۰۹ توسط هیأت داوران زیر بررسی و با درجه عالی به تصویب نهایی رسید

۱- استاد راهنمای پایان نامه دکتر کامران قائدی با مرتبه‌ی علمی استادیار امضاء

۲- استاد راهنمای پایان نامه دکتر ابوالقاسم اسماعیلی با مرتبه‌ی علمی استادیار امضاء

۳- استاد مشاور پایان نامه دکتر سهیلا رهگذر با مرتبه علمی استادیار امضاء

۴- استاد داور داخل گروه دکتر سید جمال مشتاقیان با مرتبه‌ی علمی استادیار امضاء

۵- استاد داور خارج گروه دکتر شاهین اقبال سعید با مرتبه‌ی علمی استادیار امضاء

امضای مدیر گروه

دکتر سید جمال مشتاقیان



سپاس خدایی راست که حق ستایشش بالاتر از حد ستایشگران است و

نعمت‌هایش فوق اندیشه شمارشگران. تلاشگران از ادای حقتش فرو مانند و افکار

بلند به قله عظمتش دست نیابند و ژرف نگران به عمق ذاتش پی نبرند. خدایی که

علم و ایمان را در جوهر ذات ما آمیخت و اسباب اخذ و قبض علوم و حقایق را

مهیا فرمود.

خدایی که در همه حال همراه ماست.

و با سپاس از

تمامی آموزگاران، دبیران و همه آنانی که مرا علم آموختند.

اساتید بزرگوار گروه سلولی به ویژه دکتر اسماعیلی، دکتر رهگذر و دکتر مشتاقیان  
به پاس زحمات بی دریغشان.

دوستانم که با همدلی و همراهی شان سختی ها را بر من آسان کردند.

خانواده بزرگ و عزیزم، بهترین هایی که بر بلندای مهر و شکیب همواره مشوق و  
پشتیبانم بودند.

تقدیم به عزیزتر از جانی که چه نیک در وصفش سروده شد!

نگار من که به مکتب نرفت و خط ننوشت

به غمزه مسئله آموز صد مدرس شد

تقدیم به استاد عزیز و دانشمند خستگی ناپذیر، جناب آقای دکتر قائدی

تقدیم به پدر و مادر عزیزم، آیه‌های روشنی از مهر و تلاش و صبر، و سرمایه‌های

اصلی زندگی من

## چکیده

التهاب و آپوتوز پس از آسیب طناب نخاعی منجر به تخریب برگشت ناپذیر بافت عصبی می شود. از این رو بررسی مولکولی مکانیسم پاسخ به آسیب سیستم عصبی مرکزی، جهت کنترل بعدی مسیرهای مضر به راه افتاده پس از آسیب طناب نخاعی و راه اندازی مسیرهای مفید می تواند سودمند باشد. در این مطالعه حضور و تغییرات بیانی ایزوفرم گامای گیرنده فعال کننده تکثیر پراکسی زومی و ایزوفرم آلفای گیرنده کبدی ایکس ( $LXR\alpha$ ) که اثر مهارکنندگی التهاب دارند و همچنین ژن القا کننده آپوتوز  $Bax$  پس از آسیب طناب نخاعی بررسی شده است. به منظور ایجاد آسیب نخاعی یک برش با مقطع عرضی در طناب نخاعی مهره نهم از بخش قفسه سینه‌ای (T9) موش صحرایی ایجاد شد و با استفاده از تکنیک‌های RT-PCR مرسوم و real-time PCR کمی میزان mRNA این ژن‌ها، شش ساعت، یک روز، سه روز، هفت روز و ده روز پس از آسیب در هشت میلی متر از بافت مرکز ضایعه و هشت میلی متر بالا و پایین آن بررسی شد. نتایج نشان دهنده یک الگوی مکانی و زمانی نسبتاً پیچیده در تغییرات بیانی mRNA گیرنده کبدی ایکس و  $Bax$  بود. اما هیچ گونه بیانی از گیرنده فعال کننده تکثیر پراکسی زومی در مرحله اولیه تحقیق یافت نشد. گیرنده کبدی ایکس با یک اختلاف زمانی الگوی همسانی (موج افزایشی-کاهشی) را در سه ناحیه مختلف بررسی شده نشان داد. افزایش بیان  $LXR\alpha$  پس از آسیب می تواند به علت افزایش واکنش‌های التهابی و هجوم ماکروفاژها به محل آسیب و افزایش فعالیت میکروگلیاها باشد. این افزایش ناگهانی پس از اینکه عوامل تحریک کننده التهاب کاهش یابند سیر نزولی پیدا می کند. در بررسی حاضر افزایش تدریجی بیان  $Bax$  و عدم کاهش آن در محل بالای برش می تواند نشان دهنده فعال بودن رونویسی از این ژن، صرف نظر از چگونگی فعالیت پروتئینی آن باشد. به عبارت دیگر تنها انتقال این پروتئین از سیتوپلاسم به غشای بیرونی میتوکندری عامل آپوتوز نبوده، بلکه افزایش رونویسی از این ژن هم در پایا ساختن مسیر آپوتوز می تواند دخیل باشد. این امر نشان دهنده اهمیت تنظیم آپوتوز حتی در سطح رونویسی است. از طرف دیگر آغاز سیر نزولی بیان ژن  $Bax$  بعد از هفت روز در محل ضایعه می تواند به علت فعال شدن مسیرهای بقای سلولی باشد.

**کلید واژه ها:** ایزوفرم گامای گیرنده فعال کننده تکثیر پراکسی زومی، ایزوفرم آلفای گیرنده کبدی ایکس،  $Bax$ ,

Real-time PCR کمی، آسیب طناب نخاعی



## فهرست مطالب

صفحه

عنوان

### فصل اول: مقدمه

- ۱-۱ آسیب طناب نخاعی (SCI) و اهمیت بررسی آن ..... ۱
- ۱-۱-۱ آسیب اولیه طناب نخاعی ..... ۲
- ۲-۱-۱ آسیب ثانویه طناب نخاعی ..... ۲
- ۲-۱ مدل‌های تجربی آسیب نخاعی ..... ۵
- ۳-۱ انتخاب حیوان آزمایشگاهی مناسب در بررسی‌های آسیب طناب نخاعی ..... ۶
- ۴-۱ تغییرات بیان ژنی بعد از آسیب طناب نخاعی ..... ۷
- ۵-۱ التهاب پس از آسیب طناب نخاعی ..... ۷
- ۱-۵-۱ تنظیم التهاب دستگاه عصبی مرکزی ..... ۷
- ۲-۵-۱ سلول‌های درگیر در التهاب پس از آسیب طناب نخاعی ..... ۹
- ۶-۱ مرگ برنامه‌ریزی شده سلولی (آپوپتوز) ..... ۹
- ۱-۶-۱ مکانیسم‌های آپوپتوز ..... ۱۰
- ۲-۶-۱ مسیر داخلی آپوپتوز ..... ۱۰
- ۳-۶-۱ آپوپتوز پس از آسیب طناب نخاعی ..... ۱۱
- ۷-۱ گیرنده‌های فعال‌کننده تکثیر پراکسی‌زومی ..... ۱۲
- ۱-۷-۱ معرفی کلی ..... ۱۲

- ۱-۷-۲ ایزوفرم گامای گیرنده‌های فعال کننده تکثیر پراکسی زومی ..... ۱۳
- ۱-۷-۳ لیگاندهای  $PPAR\gamma$  ..... ۱۴
- ۱-۷-۴ مشخصه‌های ساختاری  $PPAR$  ها ..... ۱۵
- ۱-۷-۵ فعال شدن فرایند رونویسی ژن توسط  $PPAR$  ها ..... ۱۶
- ۱-۷-۶ مکانیسم‌های بیولوژیکی  $PPAR\gamma$  ..... ۱۷
- ۱-۸-۸ گیرنده‌های کبدی ایکس ..... ۱۹
- ۱-۸-۱-۱ معرفی کلی ..... ۱۹
- ۱-۸-۲ ایزوفرم آلفای گیرنده‌های کبدی ایکس ..... ۲۰
- ۱-۸-۳ لیگاندهای  $LXR\alpha$  ..... ۲۰
- ۱-۸-۳-۱ لیگاندهای طبیعی ..... ۲۰
- ۱-۸-۳-۲ لیگاندهای مصنوعی ..... ۲۱
- ۱-۸-۴ مشخصه‌های ساختاری  $LXR$  ها ..... ۲۲
- ۱-۸-۵ فعال شدن فرایند رونویسی ژن توسط  $LXR$  ها ..... ۲۲
- ۱-۸-۶ مکانیسم‌های مهارکننده رونویسی ژن توسط لیگاندهای  $LXR$  ..... ۲۳
- ۱-۸-۷ مکانیسم‌های بیولوژیکی  $LXR$  ..... ۲۳
- ۱-۹-۹ Bax عضوی از خانواده  $Bcl2$  ..... ۲۶
- ۱-۹-۱-۱ معرفی کلی اعضای خانواده  $Bcl-2$  ..... ۲۶

۲۷	۲-۹-۱ طبقه بندی اعضای خانواده Bcl-2.....
۲۹	۳-۹-۱ Bax و نقش آن در آپوپتوز میتوکندریایی.....
۳۰	۱۰-۱ اهداف تحقیق.....
۳۱	۱۱-۱ اهمیت تحقیق.....

### فصل دوم: مواد و روش ها

۳۲	۱-۲ وسایل مورد نیاز.....
۳۲	۱-۱-۲ وسایل مورد نیاز جهت جراحی.....
۳۲	۲-۲ مواد مورد نیاز.....
۳۲	۱-۲-۲ مواد مورد نیاز جهت جراحی.....
۳۳	۲-۲-۲ مواد مورد نیاز جهت تهیه ژل الکتروفورز.....
۳۳	۱-۲-۲-۲ آگارز.....
۳۳	۲-۲-۲-۲ بافر Tris-HCl.....
۳۳	۳-۲-۲-۲ بافر الکتروفورز ۱۰X TAE (Tris-acetate-EDTA).....
۳۴	۴-۲-۲-۲ سایر مواد.....
۳۴	۳-۲-۲-۲ مواد مورد نیاز برای استخراج RNA، تیمار با DNaseI و ساخت cDNA.....
۳۵	۴-۲-۲-۲ مواد مورد نیاز جهت تکنیک RT-PCR و Real Time PCR.....

.....	پرایمر اختصاصی ۱-۴-۲-۲	۳۵
.....	RT-PCR مواد لازم برای	۳۵
.....	Real Time PCR کیت	۳۶
.....	Real time PCR تیوب ویژه	۳۷
.....	حیوانات آزمایشگاهی، رژیم غذایی و شرایط نگهداری	۳۷
.....	آماده سازی نمونه‌ها	۳۸
.....	گروه‌بندی	۳۸
.....	جراحی	۳۸
.....	اقدامات انجام شده قبل از جراحی	۳۸
.....	اقدامات انجام شده حین جراحی	۳۸
.....	برداشت نمونه نخاع	۳۹
.....	آماده سازی RNA	۳۹
.....	شرح مراحل استخراج RNA با کیت RNX-Plus	۳۹
.....	تعیین غلظت و کیفیت RNA به روش اسپکتروفتومتری	۴۰
.....	تیماز با کیت <i>DNase I, RNase-free</i>	۴۱
.....	آماده سازی cDNA	۴۲
.....	ساخت cDNA	۴۲

۴۳	۲-۶-۲ تعیین کیفیت ساخت cDNA با انجام واکنش PCR.....
۴۳	۷-۲ ژل الکتروفورز.....
۴۴	۸-۲ تنظیمات و روش انجام واکنش Real Time PCR.....
۴۴	۱-۸-۲ ایجاد سریال رقت به منظور شناسایی رقت بهینه.....
۴۵	۲-۸-۲ واکنش Real Time PCR با استفاده از تمام نمونه‌ها و پرایمرها.....
۴۶	۹-۲ آزمون‌های آماری.....
۴۷	۱۰-۲ تجهیزات و دستگاه‌ها.....

## فصل سوم: نتایج

۴۸	۱-۳ نتایج استخراج RNA.....
۵۰	۲-۳ نتایج سریال رقت برای واکنش Real Time PCR با استفاده از پرایمرهای مربوط به ژن <i>Bax</i> .....
۵۱	۳-۳ نتایج واکنش‌های Real Time PCR.....
۵۱	۱-۳-۳ منحنی‌های Real Time PCR.....
۵۱	۲-۳-۳ Melting curves.....
۵۲	۱-۲-۳-۳ بررسی پرایمرهای <i>PPAR<math>\gamma</math>1</i> .....
۵۳	۲-۲-۳-۳ بررسی پرایمرهای <i>Bax</i> و <i>LXR<math>\alpha</math></i> .....

۳-۳-۳	پروفایل بیانی ژن های $LXR\alpha$ و $Bax$ .....	۵۵
۴-۳-۳	پروفایل بیان ژنی $LXR\alpha$ .....	۵۵
۱-۴-۳-۳	نتایج تغییرات بیان ژن $LXR\alpha$ بالای محل برش نخاع.....	۵۵
۲-۴-۳-۳	نتایج تغییرات بیان ژن $LXR\alpha$ مربوط به محل برش نخاع.....	۵۵
۳-۴-۳-۳	نتایج تغییرات بیان ژن $LXR\alpha$ در پایین محل برش.....	۵۵
۵-۳-۳	پروفایل بیان ژنی $Bax$ .....	۵۷
۱-۵-۳-۳	نتایج تغییرات بیان ژن $Bax$ در بالای محل برش.....	۵۷
۲-۵-۳-۳	نتایج تغییرات بیان ژن $Bax$ مربوط به محل برش نخاع.....	۵۷
۳-۵-۳-۳	نتایج تغییرات بیان ژن $Bax$ در پایین محل برش.....	۵۸

## فصل چهارم: بحث

۱-۴	بحث.....	۶۰
۲-۴	نتیجه‌گیری و تفسیر.....	۶۶
۱-۲-۴	نتایج حاصل از بررسی بیان $LXR\alpha$ .....	۶۶
۲-۲-۴	نتایج حاصل از بررسی بیان $Bax$ .....	۶۶
۳-۴	پیشنهادها.....	۶۷
	منابع و مآخذ.....	۶۹

## فهرست شکل‌ها

صفحه	عنوان
۱۱	شکل ۱-۱ نحوه تشکیل و فعالیت آپوپتوزوم.....
۱۵	شکل ۲-۱ ساختار سه مورد از لیگاندهای مصنوعی $PPAR\gamma$ .....
۱۶	شکل ۳-۱ ساختار پروتئینی $PPAR\gamma$ انسانی و دامنه‌های آن.....
۲۱	شکل ۴-۱ فعال‌کننده‌های طبیعی و مصنوعی $LXR$ .....
۲۸	شکل ۵-۱ اهمیت دامنه‌های $BH$ .....
۲۸	شکل ۶-۱ تقسیم بندی شماتیک برخی از اعضای خانواده $Bcl-2$ .....
۳۶	شکل ۱-۲ ساختار مولکولی SYBR Green.....
۴۱	شکل ۲-۲ تناسب بکار رفته به منظور محاسبه حجم $1\mu g$ RNA.....
۴۹	شکل ۱-۳ باندهای rRNA بر روی ژل آگارز.....
۵۰	شکل ۲-۳ سریال رقت cDNA با استفاده از پرایمرهای $Bax$ .....
۵۱	شکل ۳-۳ نمایش منحنی‌های Real Time PCR مربوط به $LXR\alpha$ ، $Bax$ و $Tub\beta 5$ .....
۵۲	شکل ۴-۳ منحنی ذوب مربوط به سریال رقت برای بررسی $PPAR\gamma 1$ .....
۵۳	شکل ۵-۳ منحنی ذوب مربوط به سریال رقت و نمونه اصلی برای بررسی $PPAR\gamma 1$ .....
۵۳	شکل ۶-۳ منحنی نشان دهنده $Ct$ مربوط به رقت‌های ۰/۱، ۰/۰۱، ۰/۰۰۱، غلظت اولیه و نمونه $NTC$ .....
۵۴	شکل ۷-۳ نمودار منحنی ذوب مربوط به ژن $LXR\alpha$ .....
۵۴	شکل ۸-۳ نمودار منحنی ذوب مربوط به ژن $Bax$ .....

- شکل ۳-۹ نمودار منحنی ذوب ژن خانه گردان *Tubβ5* ..... ۵۴
- شکل ۳-۱۰ پروفایل بیان ژن *LXRα* مربوط به ناحیه بالای محل برش ..... ۵۶
- شکل ۳-۱۱ پروفایل ژن *LXRα* مربوط به محل برش ..... ۵۶
- شکل ۳-۱۲ پروفایل بیان ژن *LXRα* مربوط به پایین محل برش ..... ۵۷
- شکل ۳-۱۳ پروفایل ژن *Bax* مربوط به ناحیه بالای محل برش ..... ۵۸
- شکل ۳-۱۴ پروفایل بیان ژن *Bax* مربوط به محل برش ..... ۵۸
- شکل ۳-۱۵ پروفایل بیان ژن *Bax* مربوط به پایین محل برش نخاع ..... ۵۹



## فهرست جدول‌ها

عنوان	صفحه
جدول ۱-۲ مواد و مقادیر مورد نیاز برای بافر الکتروفورز 10X	۳۴
جدول ۲-۲ کیت‌های استفاده شده جهت استخراج RNA، تیمار با <i>DNaseI</i> و سنتز cDNA	۳۴
جدول ۳-۲ پرایمرهای طراحی شده	۳۵
جدول ۴-۲ مواد و مقادیر مورد نیاز برای واکنش PCR (CinnaGen kit)	۳۶
جدول ۵-۲ مشخصات حیوان آزمایشگاهی استفاده شده	۳۷
جدول ۶-۲ مواد و مقادیر لازم جهت <i>DNaseI</i> Treatment	۴۱
جدول ۷-۲ برنامه PCR	۴۳
جدول ۸-۲ میزان مواد مصرفی برای یک واکنش real-time	۴۵
جدول ۹-۲ برنامه Real time PCR برای تمام ژن‌ها	۴۶
جدول ۱۰-۲ دستگاه‌های مورد نیاز	۴۷
جدول ۱-۳ میزان جذب نوری و غلظت RNA یک سری از نمونه‌ها	۴۹

## فصل اول

### مقدمه

#### ۱-۱ آسیب طناب نخاعی (SCI) و اهمیت بررسی آن

آسیب طناب نخاعی نه تنها زندگی بیماران بلکه اعضای خانواده و جامعه را با وارد آوردن فشارهای فیزیکی، اقتصادی، روانی و اجتماعی تحت تاثیر قرار می‌دهد (Carlson and Gorden, 2002). تقریباً دو و نیم میلیون نفر در سراسر جهان با این معضل درگیر هستند به طوری که سالانه ۱۳۰۰۰۰ مورد آسیب دیده جدید گزارش می‌شوند (Oyinbo, 2011). در اغلب کشورها، SCI حاد سالانه ۲۰ تا ۴۰ فرد در هر میلیون نفر جمعیت را درگیر می‌کند (Xiao et al, 2005). تقریباً نیمی از این بیماران مردان جوان هستند که در سال‌های آغازین پر بار زندگی قرار دارند. هزینه‌های اولیه بستری شدن و معالجات پزشکی گران هستند. از این رو پیشرفت درمان‌های موثر برای آسیب طناب نخاعی بسیار سودمند است. انگیزه اصلی تحقیقات آسیب طناب نخاعی تکوین مداخله‌های جدید درمانی به منظور جلوگیری یا کاهش ناتوانایی است (Taoka and Okajima, 1998). از دست رفتن عملکرد حسی، حرکتی و خودمختار پس از SCI در نتیجه دو واقعه پاتوفیزیولوژیکی عمده است: آسیب اولیه و وقایع آسیب ثانویه که توسط آسیب اولیه به راه افتاده است. آسیب اولیه حاد است و عمدتاً به علت ضربه مکانیکی مثل نیروهای فشاری و

---

<sup>1</sup> Spinal Cord Injury

جا به جا شدگی مهره‌هاست که عروق خونی را تخریب کرده و به طور مستقیم به نوروها و گلیاها آسیب می‌رساند. آسیب ثانویه یک پاسخ مخرب است که شامل ادم، ایسکمی، التهاب، بهم خوردن توازن یونی (مثل افزایش کلسیم درون سلولی)، سمیت ناشی از تحریک بیش از حد عصبی، فعال شدن کاسپاز، فقدان متابولیسم انرژی، تجمع نوروترانسمیتر، و آپوپتوز است (Kim et al, 2009).

### ۱-۱-۱ آسیب اولیه طناب نخاعی:

آسیب اولیه بافت نخاعی به علت ضربه مکانیکی مستقیم و تخریب غشای سلول‌های اندوتلیالی و نورونی است (Genovese et al, 2008). آسیب طناب نخاعی به طور معمول از طریق شکست استخوان، جا به جایی دیسک نخاع و رباط به شکل‌های بهم فشردگی یا له‌شدگی، پارگی، ضربه سوراخ کننده یا خرد شدن القا می‌شود و عروق خونی، آکسون‌ها، نوروها، اولیگودندروسیت‌ها و سلول‌های پیش‌ساز جایگاه آسیب را تحت تاثیر قرار می‌دهد (Chang et al, 2009). خون‌ریزی، فقدان گردش مویرگی، و تنگی عروق درون نخاع طی چند دقیقه منجر به گسترش جراحت از مرکز ضایعه می‌شوند. نخاع به سرعت در فضای ثابت کانال نخاعی متورم می‌شود، و زمانی که فشار درونی بر فشار خونی وریدی غلبه یافت، آسیب ابتدایی توسط انفارکتوس وریدی بدتر می‌شود. بعد از ایجاد ضربه بر طناب نخاعی جوندگان، جریان خون طناب نخاعی کاهش می‌یابد. کاهش زیاد فشار خونی سیستمیک که توسط شوک عصبی ایجاد شده است منجر به افزایش آسیب می‌شود (Becker et al, 2003). علاوه بر این، حفره‌ها و کیست‌های ایجاد شده در اثر جراحت، گسیختگی فیبرهای آکسونی را کم و زیاد می‌کند، با این حال ماده سفید پیرامونی غالباً تحلیل می‌رود (Thuret et al, 2006). سایر تغییرات سلولی، بیوشیمیایی و فیزیکی شامل شوک نخاعی، ایسکمی، تخریب غشای پلاسمایی، اختلال در هوموستازی یونی، و تجمع نوروترانسمیترها هستند (Oyinbo, 2011).

### ۱-۱-۲ آسیب ثانویه طناب نخاعی:

تئوری آسیب ثانویه برای اولین بار در سال ۱۹۱۱ توسط Allen مطرح شد، آلن نشان داد که myelotomy<sup>۱</sup> و حذف نشت خون در نخاع پس از ضربه منجر به بهبود عملکرد عصبی در سگ‌ها می‌شود و استدلال ایشان حضور "یک عامل بیوشیمیایی" زیان‌آور در بافت مرده در حال خون‌ریزی بود که منجر به آسیب بیشتر طناب نخاعی می‌شد (Carlson and Gorden, 2002).

آسیب ثانویه‌ای که از چند دقیقه پس از جراحی شروع شده و به مدت چند روز، چند هفته یا بیشتر ادامه می‌یابد؛ علت نقص‌های عصبی است. این فاز یک فرایند خود تخریبی شامل تغییرات فیزیولوژیکی، بیولوژیکی و متابولیکی است (Xiao et al, 2005) و توسط تعداد زیادی از آبشارهای سلولی، مولکولی و بیوشیمیایی ایجاد می‌شود (Genovese et al, 2008). بافت طناب نخاعی تخریب شده و سلول‌های نکروتیک سیتوکین‌های القا کننده التهاب و سایر مواد شیمیایی سمی را رها می‌کنند. این تغییرات منجر به مرگ سلولی بیشتر در طناب نخاعی می‌شود. مشخصه آسیب ثانویه SCI افزایش التهاب بافتی، تخریب میلین و مرگ سلول گلیالی در مرکز آسیب و مناطق مجاور است. لوکوسیت‌ها از طریق حذف بقایای سلول‌های مرده و ترشح سیتوکین‌هایی که منجر به ورود تعداد لوکوسیت بیشتری به محل آسیب می‌شوند، منجر به القای ترمیم بافت شده و آنژیوژنز، رشد سلولی و تولید مجدد بافت همبند را به پیش می‌برند (Chang et al, 2009). آبشار ثانویه منجر به مرگ پیش رونده آکسون‌ها و سلول‌هایی می‌شود که به طور بالقوه زیست پذیرند و فرایندهای ترمیمی درون‌زا را تخریب می‌کند (Onifer et al, 2007). این الگوی تخریب شامل چندین مکانیسم است: هیپوکسی، سمیت حاصل از تحریک بیش از حد عصبی، تشکیل رادیکال‌های آزاد، رهاسازی پروتئازها، پاسخ التهابی ایجاد شده در اثر فعال شدن میکروگلیاهای مستقر در سیستم عصب مرکزی و هجوم ماکروفاژهای پیرامونی (Hausmann, 2003).

تغییرات بیماری‌زا از قبیل ادم، ایسکمی، کلسیم بیش از حد درون سلولی، پراکسیداسیون لیپیدی، انسداد گردش مویرگی و آپوپتوز در تخریب پیش‌رونده بافت پیرامون مرکز نکروتیک سهم هستند (Liu et al, 2011). ایسکمی ایجاد شده پس از آسیب حاد به ماده سفید اطراف گسترش می‌یابد و منجر به نکروز بیشتر آکسونی و نورونی می‌شود. فقدان گردش مویرگی، عروق خونی گسیخته شده و آکسون‌ها و سلول‌های تخریب شده غلظت‌های برون سلولی اسید آمینه‌های نوروترانسمیتر تحریکی را افزایش داده منجر به آغاز سمیت حاصل از تحریک بیش از حد عصب

<sup>۱</sup> جدا کردن رشته‌های عصبی در نخاع