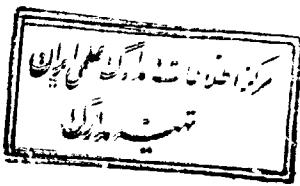


The image displays a massive, intricate piece of Persian calligraphy. The text is written in a bold, flowing style, possibly Nastaliq or a similar script. The characters are primarily black, set against a white background. The inscription consists of several lines of text, with some characters being significantly larger than others, creating a dynamic visual effect. A small, solid black diamond is positioned in the lower right corner of the text area.

21 VFA



۱۳۷۹ / ۹ / ۲۰

دانشگاه علوم پزشکی زاهدان
دانشکده پزشکی

پایان نامه جهت اخذ درجه دکترای تخصصی بیماریهای کودکان

موضوع

ارزش رابطه Mentzer در غربالگری بتا قالاسمی مینور

استاد راهنما

دکتر سید محمد تقی حسینی طباطبائی

فوق تخصص نفرولوژی اطفال

نگارش

دکتر فهیمه حق‌بین
• ۸۸۲۷

زمستان ۷۷
شماره پایان نامه: ۹۴/ت

۳۱۷۴۱

باتشکر و قدردانی فراوان

از انجمن تالاسمی زاهدان که در تهیه اطلاعات این تحقیق نقش اساسی داشته و با آرزوی ریشه‌کنی بیماری تالاسمی، این مجموعه به کلیه افرادیکه در این راه تلاش می‌نمایند تقدیم می‌گردد.

تقدیم به استاد ارجمند

جناب آقای دکتر سید محمد تقی حسینی طباطبائی

که بدون ارشاد و راهنمایی ایشان این تحقیق میسر نبود؛

و با تشکر فراوان از جناب آقای دکتر اسماعیل

صانعی مقدم و جناب آقای دکتر صارم ماکوئی که

همکاری صمیمانه در این زمینه داشتند؛

و با تشکر از آقای دکتر رودباری که در انجام محاسبات

آماری مساعدت فرمودند.

۱	فصل اول
۱	۱-۱) مقدمه
۲	۱-۲) اهداف
۴	فصل دوم
۴	۲-۱) ساختمان هموگلوبین
۵	۲-۲) ژنهای کنترل کننده بیوسنتز هموگلوبین
۸	۲-۳) بیوسنتز زنجیره گلوبین
۱۰	فصل سوم
۱۰	۳-۱) روند خونسازی در جریان رشد و تکامل
۱۲	۳-۲) مکانیسم سوئیچ هموگلوبین
۱۴	فصل چهارم
۱۴	۴-۱) RBC - اندکسها - مورفولوژی گلبول قرمز
۱۵	۴-۲) آنمی‌های هیپوکروم میکروسیتر
۱۶	۴-۲-۱) آنمی فقر آهن
۱۸	۴-۲-۲) آنمی در بیماری مزمن

۱۹	۴-۲-۳) آنمی در بیماریهای مزمن
۲۰	۴-۲-۴) مسمومیت با سرب
۲۲	فصل پنجم
۲۲	۵-۱) تاریخچه تالاسمی
۲۳	۵-۲) شیوع و انتشار جغرافیائی
۲۳	۵-۳) تعریف کلی
۲۴	۵-۴) پاتوفیزیولوژی
۲۸	۵-۴-۱) α تالاسمی
۲۹	۵-۴-۲) β تالاسمی
۳۱	۵-۵) سندروم‌های تالاسمی
۳۲	۵-۵-۱) سندروم‌های α تالاسمی
۳۲	۵-۵-۱-۱) هیدرопیس فتالیس با هموگلوبین بارت
۳۲	۵-۵-۱-۲) HbH بیماری
۳۳	۵-۵-۱-۳) آلفاتالاسمی مینور
۳۳	۵-۵-۱-۴) ناقل خاموش (Silent carrier)

۳۴ β تالاسمی سندروم‌های ۵-۵-۲
۳۴۵-۲-۱) تالاسمی مژور
۳۶۵-۲-۲) تالاسمی انترمیدیا
۳۶۵-۲-۳) بتاتالاسمی هتروزیگوت یا بتاتالاسمی تریت
۳۸۵-۲-۴) بتاتالاسمی همراه با واریانت‌های ساختمانی بتا
۳۸۵-۲-۵) انواع ساختمانی β تالاسمی دارای زنجیره بلند
۳۸۵-۲-۶) تالاسمی هموگلوبین لپور
۳۹فصل ششم
۳۹۶-۱) غربالگری تالاسمی
۳۹۶-۱-۱) تعریف غربالگری
۳۹۶-۱-۲) غربالگری تالاسمی
۴۰۶-۲) تشخیص آزمایشگاهی
۴۲۶-۲-۱) شاخصهای گلبول قرمز
۴۳۶-۲-۲) شمارش گلبول قرمز
۴۴۶-۲-۳) مورفولوژی غیرطبیعی گلبول قرمز

۴۴	۶-۲-۴) آزمایش شکنندگی گلبول قرمز
۴۵	۶-۲-۵) سنجش HbA_1
۴۷	۶-۲-۶) الکتروفورز هموگلوبین
۴۸	۶-۲-۷) روش‌های تکمیلی جهت تشخیص نهائی
۵۰	۶-۲-۸) سنتز زنجیره گلوبین
۵۱	فصل هفتم
۵۱	۷-۱) فرمولهای افتراق جهت تشخیص تالاسمی هتروژیگوت از فقر آهن
۵۴	فصل هشتم
۵۴	۸-۱) متدولوژی و روش بررسی و مواد لازم
۵۵	۸-۲) بحث و نتیجه‌گیری
۶۲	فصل نهم
۶۳	۹-۱) شناسائی منطقه مورد بررسی
۶۴	خلاصه
۶۵	خلاصه لاتین
۶۵	کتابنامه

فصل اول

(۱-۱) مقدمه:

تالاسمی شایعترین اختلال ژنتیکی هموگلوبین است که در حال حاضر در کشور یونان بیش از بیست هزار بیمار مبتلا به بتالتالاسمی مأذور بسر می‌برند و سالانه نیز بیش از هزار نفر براین تعداد افزوده می‌شوند. هرچند با فراهم نمودن امکانات درمانی مناسب می‌توان بر طول عمر این بیماران افزود و موجب بهبود کیفیت حیات آنان شد ولی این افزایش روزافزون بتدریج باعث محدود شدن امکانات درمانی موجود می‌شود؛ و با تمام تلاش و کوششی که در این زمینه انجام می‌گیرد نتیجه مطلوب حاصل نخواهد شد. بنابراین کنترل و پیشگیری از این بیماری مزمن باید یکی از اولویتهای بهداشتی کشور محاسب شود. یک برنامه پیشگیری صحیح در واقع غریال و شناسائی ناقلین بیماری است. در کنار آن و حتی قبل از آن لازم است تا آموزش‌های همگانی موردنیاز پیرامون بیماری و دلایل لزوم اجرای برنامه پیشگیری در اختیار مردم قرار گیرد؛ زیرا اجرای یک برنامه پیشگیری موفق در سطح ملی بدون همکاری و همیاری داوطلبانه مردم ممکن نخواهد بود. برنامه‌های پیشگیری در یونان، قبرس و سارдинیا ثابت کردند که کنترل تالاسمی مأذور توسط غربالگری هتروزیگوتها و تشخیص قبل از تولد امکانپذیر است. جهت آزمایش قبل از تولد باید ژنتوتیپهای احتمالی تعیین شود و اینکار جز با تعیین افراد ناقل ممکن نیست.

فصل اول

۲

(۱-۲) اهداف:

با توجه به اینکه استان سیستان و بلوچستان یکی از استانهایی است که شیوع باتالاسمی در این منطقه زیاد است و تاکنون هیچگونه تحقیقی در زمینه کشف ناقلین باتالاسمی صورت نگرفته بود بر آن شدیدم تا در جهت پیشگیری و کنترل بیماری، غربالگری باتالاسمی را در این منطقه با استفاده از کشف ناقلین باتالاسمی آغاز کنیم.

بطورکلی در این استان ۱۰۷۴ بیمار مبتلا به تالاسمی مأذور وجود دارد که تعداد آنان به

تفکیک شهر بشرح زیر می باشد:

زاهدان	۴۱۵ نفر
زابل	۱۴۳ نفر
ایرانشهر	۲۴۳ نفر
سرابان	۵۸ نفر
چابهار	۸۷ نفر
خاش	۷۵ نفر
نیکشهر	۵۳ نفر

که از این تعداد ۵۶٪ پسر و ۴۴٪ دختر می باشند و حدود ۵/۵۰٪ آنها در سن کمتر از ۵ سال و ۳/۴۰٪ بین ۵ تا ۱۰ سال و ۹/۲٪ آنان در سن بالاتر از ۱۰ سال هستند.
(۳۹)

فصل اول

۳

در ۴۳٪ بیماران این منطقه گرفتاری فامینی وجود دارد که در ۳۴٪ موارد کمتر از ۳ بیمار در فامیل و در ۶/۸٪ بیشتر از ۳ نفر در فامیل وجود دارد. در بین افراد مبتلا ۱/۷٪ بلوچ (۴۵) و ۴/۳۴٪ فارس و ۳/۹٪ دورگه می‌باشند.

گروه انتخابی برای غربالگری بتاتالاسمی از بین پسران جوان سال آخر دبیرستان انتخاب شدند که چند علت داشت:

اولاً مسئله تداخل فقر آهن تا حدامکان کمتر انجام می‌گیرد، ثانیاً خون‌گیری از پسران با مشکل زیادی روبرو نمی‌شود، ثالثاً اطلاع از ناقل بودن آنها مشکل اجتماعی زیادی در زندگی آنان ایجاد نخواهد کرد، واژ طرفی در گروه سنی درست قبل از ازدواج قرار دارند و دانش و آگاهی از بیماری در انتخاب همسر آینده به آنان کمک خواهد کرد.

هرچند منطقی نخواهد بود که دو نفر به علت ناقل بودن الزاماً نتوانند با هم ازدواج کنند و در عمل نیز شاید با مشکل روبرو باشیم، لذا این مسئله لزوم تشخیص قبل از تولد در ایران را مطرح می‌سازد. غربالگری بتاتالاسمی با استفاده از انجام انداکسهای گلبلوی و اندازه‌گیری هموگلوبین A_2 و بررسی آهن و TIBC صورت می‌گیرد. روش کار در این طرح بعداً مفصلأً توضیح داده خواهد شد. امید است که این طرح بتواند گامی در جهت ریشه‌کنی تالاسمی در این منطقه باشد.

فصل دوم

۲-۱) ساختمان هموگلوبین:

هموگلوبین کرومپروتئین آهن داری است که ناقل اکسیژن در بدن انسان می باشد. این پروتئین در بالغین از چهار زنجیره که دو به دو شبیه به هم هستند با فرمول $\alpha_2\beta_2$ تشکیل شده است. هر یک از زنجیره‌ها دارای گروه پروستیکی بنام هِم است که در وسط آن یک یون دو ظرفیتی آهن قرار گرفته است. هِم توسط اتصالات قوی و ضعیف با زنجیره گلوبین ارتباط دارد. هر زنجیره قادر است با یک مولکول اکسیژن اتصال برگشت پذیر برقرار کند. بنابراین یک مولکول هموگلوبین در هنگام اشباع کامل دارای چهار مولکول اکسیژن است. میل ترکیبی اکسیژن با هر یک از زنجیره‌ها برابر نیست. اتصال اولین اکسیژن به هموگلوبین مشکل است ولی بتدربیج در نتیجه همین اتصال، اتصال اکسیژنهای بعدی آسان و آسانتر می شود. رها شدن اکسیژن نیز به همین ترتیب است. یعنی اولین اکسیژن به سختی جدا می شود و لی جداسدن اکسیژنهای بعدی آسانتر انجام می شود. علت تفاوت‌های فوق ایجاد و قطع تعدادی پل نمکی است. بطورکلی هر چه تعداد پل نمکی در مولکول هموگلوبین بیشتر باشد، میل ترکیبی آن به اکسیژن کمتر بوده و رهاسازی آن آسانتر صورت می گیرد و بالعکس.^(۱)

۹۵٪ هموگلوبین بدن بالغین از نوع A₁ است ولی هموگلوبینهای دیگری نیز وجود

درند که ساختمان کلی آنها مشابه هموگلوبین A_1 است ولی نوع زنجیره‌های بتای آن متفاوت است. این هموگلوبینها شامل $(\alpha_2\beta_2)$ و $(\alpha_2\gamma_2)$ F و متهموگلوبین (که آهن زنجیره بتای آن تبدیل به نوع سه ظرفیتی یا فریک شده است) می‌باشند. مقدار ناچیزی نیز هموگلوبین گلیکوزیلت (HbA_{1C}) وجود دارد که زنجیره β به یک قند متصل شده است. هموگلوبین مانند هر ملکول دیگری در بدن انسان ممکن است دچار اختلال گردد. این اختلال ممکن است کمی یا کافی باشد. در اختلالات کیفی که بطور کلی هموگلوبینوپاتیها خوانده می‌شوند، ساختار هموگلوبین طبیعی نیست؛ مانند کم خونی داسی شکل و متهموگلوبینی. ولی در بیماریهایی که هموگلوبینوز خوانده می‌شوند و اختلال کمی وجود دارد یک یا دو زنجیره کم ساخته می‌شوند یا اصلاً ساخته نمی‌شوند که این بیماریها در مجموع سندرمهای تالاسمی را تشکیل می‌دهند.

۲-۲) ژنهای کنترل کننده بیوسنتز هموگلوبین:

ساختمان لوكوس ژن گلوبین: علاوه بر ژنهای کنترل کننده زنجیره‌های آلفا و غیر آلفایی، دسته‌های شبه ژنی اضافی با همولوژی ساختمانی مشابه ژنهای گلوبینی حقیقی وجود دارد که بین دستجات ژنی بتا و یا آلفا قرار دارند و این ساختمانها بنام ژنهای کاذب (Pseudogenes) خوانده می‌شوند. جایگاه ژن زنجیره‌های گلوبین آلفا و زتا روی بازوی کوتاه کروموزوم ۱۶ در داخل باند P13.3 قرار دارند و شامل دو ژن آلفا (α_2 و α_1)، یک ژن

فصل دوم

۶

شبیه آلفای جنینی (ζ_2)، سه ژن کاذب (α_1 و α_2 و α_3) و یک ژن با عمل نامعین (θ_1) که به

ترتیب قرار گرفته‌اند می‌باشند (شکل ۱-۲)

ژن θ_1 عضو جدید خانواده آلفا‌گلوبین است. هرچند هیچ گلوبینی در ارتباط با آن هنوز مشخص نشده است. این ژن فونکسیونال است ولی غیر ممکن است که سازنده هموگلوبین باشد.^(۱۶) یک ژن کاذب برای خانواده رو "O" ($\varepsilon\tau$) در RNAهای سیتوپلاسمی کوچک معین شده که پایین تراز ژن α_1 قرار دارد. یک کپی پروسه شده ناقص از خانواده ژن θ_1 روی کروموزوم ۲۲ پیدا شده است.^(۳)

این ناحیه کروموزوم محتوى سگمانهای تکرار شونده مشترک متعدد از DNA تحت عنوان نواحی خیلی متغیر (HV s) است که بترتیب در انتهای سه کمپلکس (α -globulin 3'HV) قرار دارند. در حالت حذف هتروزیگوت یا هموزیگوت ژن θ_1 رشد غیر طبیعی اصلاً وجود ندارد و این ژن از نظر رونویسی در سلولهای اریتروئیدی فعالیت دارد. احتمالاً ژن تا-۱ حدود ۲۸۰-۲۶۰ میلیون سال قبل از ژنهای آلفا‌گلوبین شروع به جداسازی کرده است.^(۴)

حذف لوکوس ژن زتا با زندگی جنینی منافات دارد و منجر به سقط‌خودبخودی جنینی سریع می‌شود. حذف یک لوکوس α یا بیشتر از یکی منجر به انواع مختلف α تالاسمی می‌شود.^(۵)

فصل دوم

۷

ژنهای زنجیره‌های بتا، گاما، دلتا، اپسیلون (مجموعه زنجیره‌های غیرآلfaئی) بر روی بازوی کوتاه کروموزوم ۱۱ قرار دارند. همانطور که در شکل ۲-۱ نشان داده شده بطور طبیعی ۲ لوکوس ژن جهت تعیین ساختمان زنجیره‌گاما بنام α , β , γ , یک لوکوس برای زنجیره γ و یک لوکوس برای زنجیره β وجود دارد. در این ناحیه مابین ژنهای ۳-گلوبین و α , β , γ یک ژن کاذب بنام ϵ و یکی دیگر بنام δ در وضعیت 5 نسبت به ϵ قرار دارد.^(۵) زنجیره γ , در وضعیت ۱۳۶ محتوی اسیدآمینه آلانین است و زنجیره β , در وضعیت ۱۳۶ محتوی اسیدآمینه گلیسین است. در جایگاه ۷۵ زنجیره γ , در موارد کمی (۱۸٪) اسیدآمینه ترهاؤنین قرار دارد و لذا زیر واحد را A_γT می‌نامند. قبلًا" به این نوع گفتند. در بقیه موارد در جایگاه ۷۵ زنجیره β , γ و ϵ اسیدآمینه HbF-Sardinia می‌گفتند. در این قرار دارد.^(۶) HbF-Sardinia می‌تواند توسط ایزوالکتریک فوکوسینگ روش ایزولوشن قرار دارد.^(۷) slab مطالعات توسط روش DNA ریکامبیننت و انزیم‌اندونوکلئاز دانش ما را راجع به ساختمان لوکوس ژن ۳-گلوبین به مقدار زیادی توسعه داده است.

لوکوس ژن بتا حاوی ۱۹۰۰ نوکلئوتید در طول خود می‌باشد. در سمت ۵' ناحیه کدکننده یک ناحیه طویل کناری (flanking) وجود دارد. ناحیه کدکننده توسط ۲ سگمان فاصله‌انداز طویل یا Intron جدا می‌شوند که یکسری ردیفهای نوکلئوتیدی هستند که