

چکیده

مهندسی ژنتیک در گیاه با تولید مواد ارزشمند دارویی، هورمونی، واکسن و انواع پروتئینهای شامل آلبومین، ایترافرون، اریتروپوئیتین، ایمونوگلوبولین، **IgA**, **IgG** و آنتی ژنهای ایمنی زا در حال توسعه و تحقیق می باشد[۸]. گیاه تاریخته به منظور تولید واکسن باعث حذف زنجیره سرد در حمل و نقل و تولید راحت می گردد[۱۸]. اخیراً نسل جدیدی از واکسنها بصورت ژن، آنتی ژن و پیتید ایمنی زا ایجاد شده اند که باعث تحریک سیستم ایمنی به کمک سلولهای $CD4^+$ و $CD8^+$ می شوند که بسیار موثر و کم خطر هستند[۱۷]. بیماری هپاتیت C حدود ۱۷۵ میلیون نفر را در جهان مبتلا کرده و نبود واکسن موثر، شیوع بالای سیروس کبدی، عوارض هپاتیت مزمن و گسترش روزافزون، آن را به یک معضل بهداشتی و جهانی تبدیل کرده است[۲۴]. ویروس هپاتیت C دارای RNA تک رشته ای است که پروتئین ساختاری (Core) در آن نقش به سزایی در تولید کپسید، فعالیتهايی بیولوژیک و پاتوژنز دارد و در تهیه واکسن به علت ثبات توالی و عدم جهش از دیگر اجزا ویروس مهم تر است. در این تحقیق می خواهیم آنتی ژنهای ایمنی زای core 174 را جهت تولید پروتئینهای تحریک کننده سیستم ایمنی انسان به گیاه سیب زمینی ترانسفورم کنیم. برای این منظور ژن core174 با کمک پرایمرهای اختصاصی از روی پلاسمید pIVEX2.4 با تکنیک PCR تکثیر شد. پلاسمید pBI121 توسط آنزیمهای برشی **Xba1** و **Sac1** هضم، ژن گزارشگر **GUS** خارج و ژن core174 جایگزین آن شد. وکتور نوترکیب به باکتری **E.coli DH5α** متقل و بعد از تایید صحت کاست بیانی پلاسمید نوترکیب (هضم آنزیمی و PCR) به آگروباکتریم ترانسفورم شد. از طریق آلوده کردن گیاه زخمی به آگروباکتریوم حاوی core174 ترانسفورماتیون به گیاه سیب زمینی انجام گرفت. گیاه تاریخت در محیط کشت حاوی آنتی بیوتیک کاناماکسین باززایی شد و سپس حضور ژن در ژنوم گیاه تاریخت با آنالیز مولکولی به اثبات رسید. آنالیزهای پروتئین با روش‌های SDS-PAGE و برادفورد تولید پروتئین نوترکیب را در گیاه سیب زمینی بیان کردند. نتایج حاصل نشان دادند که پروتئین core174 در گیاه بیان شده است.

کلمات کلیدی: گیاه سیب زمینی، هپاتیت C، آگروباکتریم، Core 174

فهرست مطالب:

۱	فصل اول:
۱	مقدمه
۲	۱-۱- مقدمه
۲	۱-۱-۱- بیوتکنولوژی
۲	۱-۱-۲- بیوتکنولوژی گیاهی
۴	۱-۳-۱- زراعت مولکولی
۴	۱-۴- علم ژنتیک از ابتدا تا کنون
۵	۲-۱- گیاهان
۶	۱-۲-۱- گیاه تاریخته
۶	۲-۲-۱- تاریخچه گیاه تاریخته
۷	۳-۲-۱- کشت بافت
۸	۱-۳-۲-۱- انواع کشت بافت
۸	۱-۴-۲-۱- مراحل تولید گیاه تاریخته
۹	۱-۵-۲-۱- دلایل استفاده از گیاه در مهندسی ژنتیک
۱۰	۱-۳-۱- انتقال ژن به گیاه
۱۱	۱-۳-۱-۱- روش‌های انتقال ژن به گیاه
۱۱	۱-۳-۱-۲- انتقال مستقیم DNA به گیاه
۱۲	۱-۳-۱-۳-۱- انتقال با واسطه یک ناقل
۱۶	۱-۴- ساخت سازه
۱۷	۱-۴-۱- پرومتر
۱۷	۱-۴-۲-۱- ترمینیتور
۱۸	۱-۴-۳-۱- نشانگرها
۱۸	۱-۴-۳-۱-۱- ژنهای گزارشگر
۱۹	۱-۴-۳-۱-۲- نشانگرها گزینشگر
۲۰	۱-۴-۴- بهینه سازی کدون
۲۱	۱-۵- بیان در گیاه تاریخته
۲۲	۱-۵-۱- میزان بیان ژن در گیاه تاریخته

۲۳	۱-۵-۲- خاموشی ژن در گیاهان تراریخته
۲۴	۱-۵-۳- تولید انواع پروتئین های نوترکیب تولید شده در گیاه
۲۴	۱-۶- اگروباکتریوم
۲۶	۱-۶-۱- تاریخچه کشف پلاسمید Ti
۲۶	۱-۶-۲- پلاسمید Ti
۲۹	۱-۶-۳- ناقلین مبتنی بر آگروباکتریوم
۳۰	۱-۶-۴- انتقال ژن به سلول گیاه با واسطه اگروباکتریوم
۳۱	۱-۷- هپاتیت C
۳۱	۱-۷-۱- ویروس هپاتیت C
۳۶	۱-۷-۲- مزایای واکسن های نوترکیب گیاهی
۳۸	۱-۸- گیاه سیب زمینی
۳۸	۱-۸-۱- دلایل استفاده از سیب زمینی
۳۹	۱-۸-۲- زراعت مولکولی در گیاه سیب زمینی (مزایا و معایب)
۴۰	۱-۸-۳- غده زائی
۴۰	۱-۸-۴- گیاه سیب زمینی و ژنتیک
۴۲	فصل دوم
۴۲	روش کار
۴۳	۲-۱- مواد مورد استفاده
۴۳	۲-۱-۱- مواد و آنزیمهای
۴۳	۲-۱-۲- پلاسمید و باکتری ها
۴۳	۲-۱-۲-۱- پلاسمید pIVEX2.4a
۴۴	۲-۱-۲-۲- پلاسمید pBI 121
۴۶	۲-۳- آنتی بیوتیک های مورد نظر
۴۷	۲-۴- محیط های کشت
۴۷	۲-۴-۱- محیط کشت باکتریایی (LB)
۴۷	۲-۴-۲- محیط های کشت گیاهی
۴۷	۲-۴-۱-۲- تهییه محیط پایه MS
۴۹	۲-۴-۲-۱- محیط غده زائی جامد
۴۹	۲-۴-۱-۲-۳- محیط کشت گیاهان تراریخته

٥٠	- الکترو فورز ۱-۲-۵
٥١	- TBE buffer 10X ۲-۱-۵-۱-۱
٥١	- طرز تهیه ژل آگارز ۲-۱-۵-۲-۲
٥٢	- تهیه محلول بار گذاری (6X loading dye) ۲-۱-۵-۳
٥٢	- تهیه محلول اتیدیوم بروماید ۲-۱-۴-۵
٥٣	- محاسبه غلظت DNA ۲-۱-۷
٥٣	- روشها ۲-۲
٥٣	- استخراج پلاسمید از باکتری به روش mini prepration ۲-۲-۱
٥٦	- تهیه سلول مستعد E.Coli برای دریافت پلاسمید ۲-۲-۲
٥٧	- ترانس فورم پلاسمید به سلول مستعد E.coli ۲-۲-۳
٥٨	- تهیه سلول مستعد اگروباکتریوم برای دریافت پلاسمید ۲-۲-۴
٦٠	- آنتی ژن اینمی زای هپاتیت C (Core 174 aa) ۲-۳-۳
٦٠	- طراحی پرایمر ۲-۳-۱
٦١	- تکثیر قطعه Core 174 به کمک PCR ۲-۳-۲
٦٢	- تشخیص قطعه ۲-۳-۳
٦٢	- کلونینگ در پلاسمید بیانی pBI 121 ۲-۳-۴
٦٢	- استخراج پلاسمید pBI121 ۲-۳-۴-۱
٦٣	- هضم آنزیمی پلاسمید pBI121 و محصول PCR از ژن 174 ۲-۳-۴-۲
٦٣	- جداسازی پلاسمید فاقد ژن GUS از روی ژل آگارز ۲-۳-۴-۳
٦٤	- رسوب گذاری با اتانول ۲-۳-۴-۴
٦٤	- اتصال قطعه Core 174 به pBI121 GUS خطی ۲-۳-۵
٦٥	- ترانسفورم محصول لیگیشن به سلول های مستعد ۲-۳-۶
٦٦	- آزمایشات تاییدی اتصال قطعه Core 174 به ناقل کلونینگ pBI121 GUS ۲-۳-۷
٦٦	- PCR ۲-۳-۷-۱
٦٦	- هضم آنزیمی پلاسمید pBI121 حاوی قطعه Core 174 ۲-۳-۷-۲
٦٦	- PCR با پرایمرهای CAMV355p و NOS-ter ۲-۳-۷-۳
٦٨	- ترانس فورماتیون اگروباکتریوم ۲-۳-۸
٦٨	- ترانس فورماتیون ریز غده سیب زمینی با واسطه اگروباکتریوم ۲-۳-۹
٦٩	- آنالیز مولکولی ژن core 174 در گیاه تراریخته سیب زمینی ۲-۴

۶۹ استخراج DNA از گیاهان ترازیخت	۱-۴-۲
۷۱ تکثیر ژن 174 در گیاه ترازیخته سیب زمینی	۲-۴-۲
۷۲ آنالیز پروتئین 174 core تولید شده در سیب زمینی ترازیخت	۵-۲
۷۲ استخراج کل پروتئین های محلول بافت گیاه	۱-۵-۲
۷۲ الکتروفورز پروتئین ها در ژل اکریل آمید	۲-۵-۲
۷۴ مواد لازم برای ژل اکریل آمید	۱-۲-۵-۲
۷۵ روش انجام الکتروفورز	۲-۲-۵-۲
۷۶ رنگ آمیزی با کوماسی آبی R-250	۳-۲-۵-۲
۷۶ مواد لازم برای رنگ آمیزی با کوماسی آبی	۱-۳-۲-۵-۲
۷۷ روش رنگ آمیزی ژل	۲-۳-۲-۵-۲
۷۷ رنگ آمیزی با کوماسی G-250 کلوئیدی	۴-۲-۵-۲
۷۸ مواد لازم برای رنگ آمیزی با کوماسی کلوئیدی	۱-۴-۲-۵-۲
۷۸ روش رنگ آمیزی ژل	۲-۴-۲-۵-۲
۷۹ نکات مربوط به رنگ آمیزی	۳-۴-۲-۵-۲
۷۹ اندازه گیری مقدار پروتئین	۳-۵-۲
۸۰ روش برادرافورد	۴-۵-۲
۸۳ فصل سوم	
۸۳ نتایج	
۸۴ ۱- کشت بافت	۱-۳
۸۵ ۲- نتایج ساخت سازه	۲-۳
۸۵ ۱-۱-۲-۳- رقیق کردن پرایمرها و سنجش خلوص آنها	
۸۶ ۲-۲-۳- تکثیر ژن Core 174	
۸۶ ۳-۲-۳- کلونینگ در پلاسمید بیانی pBI121	
۸۸ ۴-۲-۳- ترازیختی سلولهای E.Coli	
۸۸ ۵-۲-۳- آزمایشات تاییدی حضور قطعه Core 174 در ناقل کلونینگ pBI121	
۸۸ ۱-۵-۲-۳- PCR کلندی	
۸۹ ۲-۵-۲-۳- استخراج پلاسمید	
۹۰ ۳-۵-۲-۳- هضم آنزیمی پلاسمید pBI121 حاوی قطعه Core 174	
۹۰ ۴-۵-۲-۳- PCR با پرایمرهای CAMV355p و Nos terminator	

۶-۲-۳- تراریختی اگروباکتریوم LBA4404 توسط پلاسمید نوترکیب pBI121	۹۱
۳-۳- نتایج تراریختی	۹۲
۱-۳-۳- تراریختی گیاه سیب زمینی توسط اگروباکتریوم نوترکیب	۹۳
۲-۳-۳- گیاه تراریخته	۹۴
۴- آنالیز های مولکولی گیاه تراریخته	۹۶
۴-۱- نتایج حاصل از استخراج DNA از گیاه	۹۶
۴-۲- PCR بر روی ژنوم گیاه تراریخته	۹۶
۵- آنالیزهای پروتئینی	۹۷
۵-۱- استخراج پروتئینهای سلولی	۹۷
۵-۲- الکتروفورز پروتئین های سلولی در ژل آکریل آمید	۹۸
۵-۳- اندازه گیری غلظت پروتئین	۹۹
فصل چهارم	۱۰۱
بحث و پیشنهادات	۱۰۱
فهرست منابع استفاده شده در این تحقیق	۱۱۳

فهرست اشکال:

شکل ۱-۱- تصویر اگروباکتریوم	۲۴
شکل ۲-۱- تصویر بیماری گال طوقه حاصل از اگروباکتریوم	۲۵
شکل ۳-۱- تصویر پلاسمید Ti	۲۶
شکل ۴-۱- نحوه انتقال T-DNA از اگروباکتریوم به ژنوم گیاه	۲۸
شکل ۵-۱- سیستم ناقل دو گانه	۲۹
شکل ۶-۱- ویروس هپاتیت C و مدل ساختار ژنوم ویروس	۳۴
شکل ۷-۱- تصویر مکان غده زایی در گیاه سیب زمینی	۴۰
شکل ۸-۱- ساختمان α -2.4 pIVEX	۴۳
شکل ۹-۱- ساختمان pBI121	۴۵
شکل ۱۰-۱- پلاسمید pBI121 نوترکیب	۶۰
شکل ۱۱-۱- پلاسمید pBI121 نوترکیب با نمایش سایزهای مختلف قطعات	۶۷
شکل ۱۲-۱- گیاه سیب زمینی در محیط جامد و مایع	۸۴
شکل ۱۳-۱- تصویر غده سیب زمینی در محیط جامد غده زایی	۸۵
شکل ۱۴-۱- ژل پلی اکریلامید ۱۵٪ برای مشاهده پرایمرها	۸۵
شکل ۱۵-۱- محصول PCR از ژن Core 174	۸۶
شکل ۱۶-۱- پلاسمید pBI121 استخراج شده	۸۶
شکل ۱۷-۱- طراحی پلاسمید pBI121 به صورت شماتیک	۸۷
شکل ۱۸-۱- هضم آنزیمی پلاسمید pBI121	۸۷
شکل ۱۹-۱- هضم آنزیمی با آنزیم های برشی XbaI و SacI به طور جداگانه و ایجاد پلاسمید خطی	۸۸
شکل ۲۰-۱- نمایش کلنی ها E.Coli ترانسفورم شده با پلاسمید pBI121+Core 174	۸۸
شکل ۲۱-۱- PCR از کلنی های رشد یافته در محیط حاوی آنتی بیوتیک کانامایسین	۸۹
شکل ۲۲-۱- PCR از پلاسمید نوترکیب حاوی قطعه Core 174	۸۹
شکل ۲۳-۱- هضم آنزیمی پلاسمید نوترکیب حاوی قطعه Core 174	۹۰
شکل ۲۴-۱- مشاهده قطعات کاست بیانی پلاسمید pBI121	۹۱
شکل ۲۵-۱- پلاسمید pBI121+Core 174 ترانس فورم شده به اگروباکتریوم	۹۱
شکل ۲۶-۱- تک کلینیهای رشد یافته اگروباکتریوم در محیط حاوی آنتی بیوتیک کانامایسین	۹۲

- شکل ۳-۱۶- PCR از pBI121 استخراج شده از اگروباکتریوم ۹۲
شکل ۳-۱۷- دیسک های آلووده شده با اگروباگتریوم ۹۲
شکل ۳-۱۸- دیسک های جوانه زده ۹۴
شکل ۳-۱۹- رشد گیاهان تراریخت بر روی محیط انتخابی ۹۴
شکل ۳-۲۰- گیاه کنترل زرد شده در محیط انتخابی حاوی ۱۰۰ کانامایسین mg/l ۹۵
شکل ۳-۲۱- ژنوم استخراج شده از برگ گیاه ۹۶
شکل ۳-۲۲- PCR از ژن 174 core در ژنوم گیاهی ۹۷
شکل ۳-۲۳- ژل پلی آکریل امید ۱۲٪ برای مشاهده پروتئین ها در گیاه تراریخت و شاهد ۹۸

فهرست جداول:

جدول ۱-۲- حلالها و استوک های و میزان آنتی بیوتیک های لازم برای باکتری	۴۶
جدول ۲-۲- مواد لازم برای محیط LB	۴۷
جدول ۲-۳- استوک مواد ماکرو نوترینت محیط MS	۴۷
جدول ۲-۴- طرز تهیه استوک x ۲۰ مواد میکرو نوترینت محیط MS	۴۸
جدول ۲-۵- استوک آهن محیط MS	۴۸
جدول ۲-۶- استوک ویتامین های محیط MS	۴۸
جدول ۲-۷- مقدار سوکرورز واگار لازم برای ۱ لیتر محیط MS	۴۹
جدول ۲-۸- مواد محیط MLS برای گیاهان تراریخته	۵۰
جدول ۲-۹- مواد میکرونوترینت محیط MLS	۵۰
جدول ۲-۱۰- مواد بافر TBE buffer	۵۱
جدول ۲-۱۱- مقادیر لازم برای تهیه اگارز براساس طول DNA	۵۱
جدول ۲-۱۲- مواد lounding buffer	۵۲
جدول ۲-۱۳- مواد لازم برای بافر GET	۵۴
جدول ۲-۱۴- مواد لازم برای Lysis Solution	۵۴
جدول ۲-۱۵- مواد لازم برای Potassium solution	۵۵
جدول ۲-۱۶- مواد بافر TE	۵۶
جدول ۲-۱۷- مواد بافر FB	۵۷
جدول ۲-۱۹- ساختمان پرایمرهای اختصاصی Core 174	۶۰
جدول ۲-۲۰- مواد لازم برای PCR	۶۱
جدول ۲-۲۱- برنامه PCR برای تکثیر (ژن)DNA Core 174	۶۲
جدول ۲-۲۲- مواد لازم برای هضم دو آنزیمی SacI و XbaI	۶۲
جدول ۲-۲۳- مواد لازم برای لیگیشن	۶۵
جدول ۲-۲۴- PCR با پرایمر های CAMV355p و NOS-ter و تعیین سایز قطعات آن	۶۷
جدول ۲-۲۵- مواد لازم برای تهیه بافر CTAB	۷۰
جدول ۲-۲۶- محلول استخراج پروتئین از غده سیب زمینی	۷۲
جدول ۲-۲۷- مواد لازم برای تهیه ژل پلی آکریل آمید	۷۵

جدول ۲-۲- نسبتهاي بكار رفته در سنجش غلظت پروتين به روش برادفورد	٨٢
جدول ۱-۳- پيش بيني سايز باندهای بدست آمده از PCR با پرایمرهای 35S و 174a با Nos	٩٠
جدول ۲-۳- ميزان غلظت BSA و رقت هاي آن و هم چنین جذب نوري آنها	٩٩
جدول ۳-۳- نمودار استاندارد برادفورد	٩٩
جدول ۱-۴- آنتي باديهاي تشخيص دهنده و درمانی ساخته شده در گياهان	١٠٤

فصل اول:

مقدمہ

۱-۱- مقدمه

۱-۱-۱- بیوتکنولوژی

بیوتکنولوژی محصول تعامل بین علم بیولوژی و تکنولوژی است که در واقع کاربرد علم و مهندسی در استفاده مستقیم و غیرمستقیم از موجودات زنده و یا اجزا و تولیدات آنها می باشد[۲]. تکنولوژی که DNA نوترکیب را از یک ارگانیزم به حیوان یا گیاه منتقل می کند بیوتکنولوژی نامیده می شود و به نام های دیگری مانند مهندسی ژنتیک، مهندسی زیستی و یا تغییرات ژنتیکی نیز شناخته شده است[۲]. اکنون مهندسی ژنتیک علمی است که امکان دستکاری دقیق زنها را فراهم می کند و همچنین قدرت شکستن سد ژنتیکی طبیعی موجود میان انسان، حیوان و گیاه را دارد[۲۸]. دانش ما از ساختمان و بیان ژنوم گیاه از طریق استفاده از DNA نوترکیب و تکنیکهای کلون کردن ژن حاصل می شود با استفاده از این تکنولوژی امکان جداسازی قطعه ای از DNA و بررسی خصوصیات آن وجود دارد و با کلون کردن توالیهای DNA در سلولهای باکتریایی این توالیها به مقادیر زیاد برای تجزیه و تحلیل تکثیر می گردند تکنولوژی DNA نوترکیب، علاوه بر فراهم آوردن اطلاعات پایه در ارتباط با ساختار و بیان ژن، موقعیت، فرصت و تبادل دستکاری مواد ژنتیکی در بین موجودات مختلف را فراهم می کند[۲].

امروزه بیوتکنولوژی مدرن، منابع بزرگی جهت مصارف پزشکی، تولید غذا، دارو و کشاورزی را به ارمغان آورده است و به دنبال استفاده گسترده تر از تنوع ژنتیکی می باشد. در سال های اول دهه ۷۰ پیشرفت‌های مهندسی ژنتیک و کاربردش در بیولوژی گیاهی منجر به تکامل صنعت بیوتکنولوژی در کشاورزی شده است [۱۰]. گیاهان چندین هزار سال است که به عنوان غذا و دارو مورد مصرف انسان قرار می گیرند ولی در چند دهه اخیر استفاده از گیاهان به عنوان بیوراکتورهای تولید پروتئین های داروئی هترولوج مثل پروتئین انسانی ترویج یافته است[۴۵].

۱-۲- بیوتکنولوژی گیاهی

بیوتکنولوژی گیاهی در سال ۱۹۸۳ با تولید اولین گیاه تاریخته توتون که یک ژن برگرفته از یک باکتری را بیان می کرد، متولد شد. از آن پس شاهد ظهور گیاهان تاریخته گوناگون و با توانایی

متفاوت بوده‌ایم. اولین گیاهان تاریخته فقط به بیان یک ژن که اغلب نشانگر بودند، می‌پرداختند ولی نسل دوم این گیاهان بیان ژن‌هایی با صفات ساده زراعی مانند تحمل به علف‌کش‌ها و آفات را رمز می‌کردند و نسل سوم گیاهان تاریخته، صفات چند ژنی مانند مسیرهای پیچیده متابولیک را بیان می‌کردند. در زیست فناوری گیاهی کار بر روی صفاتی که برای کشت و کار کشاورزان مناسب بودند به مرور کنار گذاشته شده و تولید محصولاتی با کیفیت و ارزش بالاتر برای مصرف‌کنندگان از اولویت بیشتری برخوردار گردیده است.

بیوتکنولوژی گیاهی دو دیدگاه کاملاً متضاد را پدید آورده است: نخست کسانی که تصور می‌کنند این موضوع قابلیت ایجاد انقلاب سبز بعدی را دارد و دوم آنها ای که مهندسی ژنتیک را به شدت خطرناک می‌دانند. البته برای بررسی مزايا و خطرات مهندسی ژنتیک به اطلاعات دقیق نیاز است و در این زمینه باید بر مبنای حقایق و واقعیت‌های موجود به مردم و جامعه اطلاع رسانی نمود.

نقشه شروع درک مفهوم بیوتکنولوژی گیاهی در متن تاریخچه اصلاح گیاهان قرار گرفته و برای این منظور باید مروری کلی بر ژنتیک کلاسیک و اصلاح سنتی گیاهان داشته باشیم که در حقیقت پایه و اساس بیوتکنولوژی گیاهی نوین می‌باشند. بیوتکنولوژی گیاهی شامل موضوعات بین رشته‌ای سنتی و نوین گوناگونی می‌باشد که در کنار یکدیگر با فراهم کردن ابزارهای مولکولی، بیوشیمیابی، فیزیولوژیکی و بیوفیزیکی، باعث سرعت بخشیدن به اصلاح سنتی و تولید گیاهانی می‌شوند که دارای خصوصیاتی چون افزایش محصول در قالب یک برنامه پایدار هستند [۴۶].

اصلاح گونه‌های کشاورزی باعث افزایش تولید محصولات از طریق مقاومت به آفات و بیماریها و علفهای هرز و تنشهای محیطی غیر زنده می‌گردد و در ضمن باعث بهبود کیفیت و افزایش ارزش غذایی آنها نیز می‌گردد و تولید غذا را تا ۲۵ درصد در کشورهای در حال توسعه افزایش می‌دهد. بنابراین بیوتکنولوژی تکنیک جدید بشر برای مقابله با مشکلات و معضلات تامین غذا و حفظ محیط زیست در آینده است. کشت بافت گیاهی و تکنولوژی DNA نوترکیب از جمله واکسنها، هورمونهای انسانی و آنژیمهای جنبه‌های مهم بیوتکنولوژی گیاهی را تشکیل می‌دهند [۲].

۱-۳-۱- زراعت مولکولی

گیاهان تاریخته به عنوان بیوراکتور برای تولید مواد بیوشیمیایی و دارویی استفاده می‌شوند^[۴۷]. بیوتکنولوژی تولیدکننده پروتئین نوترکیب در سلولها و ارگانیزم‌های زنده را زراعت مولکولی^۱ و یا بیوفارمینگ می‌نامند که در آن از گیاهان به عنوان سیستم‌های میزبان بیان پروتئین استفاده می‌شود^[۱۴].

بیوتکنولوژی مدرن مولکولی باعث تولید پروتئین‌های نوترکیب در گیاهان با هزینه کمتر، میزان بیشتر و فعالتر از نظر بیولوژیکی و ایمنی بالاتر می‌شود.

تکنیک دیگر بیوفارماسوتیکال^۲ است که در سال ۱۹۸۰ برای اولین بار از آن استفاده شده است و به داروهایی که از طریق مولکولار فارمینگ در سلولهای زنده تولید می‌شوند اطلاق می‌گردد^{[۱۹] و [۳۱] و [۳۲] و [۳۳]}.

۱-۴- علم ژنتیک از ابتدا تاکنون

در سال ۱۹۰۰ میلادی کشف مجدد قوانین ارائه شده از سوی مندل، توسط درویس، شرمک و کورنر باعث شد که نظریات او مورد توجه و قبول قرار گرفته و مندل به عنوان پدر علم ژنتیک شناخته شود. در سال ۱۹۵۳ با کشف ساختمان سه بعدی ژنها (DNA) از سوی واتسن و کریک، رشته‌ای جدید در علم زیست‌شناسی به وجود آمد که زیست‌شناسی مولکولی نام گرفت. و در خلال سالهای ۱۹۷۱ و ۱۹۷۳ دو رشته زیست‌شناسی مولکولی و ژنتیک که اولی به بررسی ساختمان و مکانیسم عمل ژنها و دومی به بررسی بیماری‌های ژنتیک و پیدا کردن درمانی برای آنها می‌پرداخت، ادغام شدند و مهندسی ژنتیک را به وجود آورده‌ند که توانست رشته‌های مختلفی اعم از پزشکی، صنعت، کشاورزی و علوم پایه را تحت الشعاع قرار دهد. از کاربردهای مهندسی ژنتیک می‌توان موارد زیر را بر شمرد:

1 Molecular Farming
2 Biopharmaceutical

- در زمینه علوم پایه، بررسی هایی مانند مکانیزم های همانندسازی DNA و بیان ژنها در پروکاریوتها، یوکاریوتها و ویروسها و همچنین چگونگی ساخته شدن و تغییرات پروتئینهای داخلی سلول و همچنین مکانیزم ایجاد سرطان از جمله کاربردهای مهندسی ژنتیک است.
- در زمینه کشاورزی، اصلاح نژادی حیوانات و نباتات که باعث افزایش کیفیت و کمیت فرآورده های غذایی حاصل شده از آنان گردیده است.
- در زمینه کاربردهای انسانی، تشخیص بیماریهای ارثی، تولید انسولین انسانی، تولید هورمون رشد انسان، تهیه داروها و هورمونها با درجه خلوص بالا ... را می توان نام برد و از جدیدترین دستاوردهای مهندسی ژنتیک، هزینه های پایین درمان بیماری های ژنتیکی با ایجاد تغییرات در سلول تخم می باشد.

این علم نیاز به پشتونه قوی علومی همچون بیولوژی سلولی ملکولی، بیوشیمی، فیزیولوژی و آمار و احتمالات دارد. هم چنین باید قوانین بین المللی سخت و محکمی برای این رشته علمی تبیین کرد زیرا ژنتیک در حالی که علم بسیار مفیدی برای انسان است، می تواند در صورت استفاده های غیرمنطقی از آن، نسل بشر را گرفتار عواقب وحشتناک کند[۱۵].

۲-۱- گیاهان

گیاهان رکن اصلی حیات بر روی زمین می باشند. زیرا که ۹۰ درصد انرژی و ۸۰ درصد پروتئین مورد نیاز انسان را تامین می کنند. بقیه انرژی مورد نیاز از حیوانات تامین می شود که آنها نیز غذای خود را از گیاهان دریافت می کنند.

از سه هزار گونه گیاهی که توسط انسان به عنوان غذا استفاده می شود فقط ۲۰ گونه زراعی بخش عمده انرژی مورد نیاز دنیا را تامین می کند و ۵۰ درصد این نیاز توسط ۸ گونه از غلات تامین می گردد. مواد معدنی و ویتامین ها توسط ۳۰ گونه از میوه جات و سبزیجات تامین می شود. افزایش روز افزون جمعیت باعث ایجاد نگرانی های زیادی در رابطه با تامین غذا شده است.

۱-۲-۱- گیاه تاریخته

ارگانیزم هایی که یک ژن یا DNA خارجی به صورت پایدار وارد ژномشان شده است که یک پروتئین نوترکیب را بیان کنند، تاریخته^۱ نامیده می شوند. به منظور تولید پروتئینهای نو ترکیب از سیستمهای بیانی مختلفی استفاده می شود که می توان به پروکاریوتها (باکتریها)، یوکاریوتها (مخمرها)، کشت سلولهای پستانداران، سلولهای حشرات، ویروسها، حیوانات و گیاهان تاریخته اشاره کرد که هر سیستم مزایا، معایب و محدودیتهای خاص خود را دارد. اگر این ارگانیزم میزبان، یک سیستم گیاهی باشد آن را گیاه تاریخته گویند[۱۶]. گیاهان زراعی تاریخته، گیاهانی شبیه به همتای طبیعی خود هستند، با این تفاوت که با استفاده از دستکاری ژنتیکی، در یک یا چند صفت ویژه نسبت به نوع طبیعی خود برتری دارند. کشت این گیاهان منافعی را برای تولیدکنندگان (کشاورزان) و مصرفکنندگان دربر دارد. تاکنون محصولات تاریخته در گیاهان مختلفی در جهان تولید شده‌اند[۱۷].

بیوراکتورها یک قدم کلیدی در تولید تجاری متابولیتهای ثانویه توسط بیوتکنولوژی هستند. روش‌های اصلاحی در گیاهان دارویی بطور کلی به دو دسته سنتی (انتخاب توده ای، دورگه گیری و زراعت متابولیتی) و مدرن (تغییر در ساختار ژنتیکی) طبقه بندی می شوند. استفاده از هندسی ژنتیک متابولیتهای ثانویه شامل ایجاد جهش، انتقال ژن (استفاده از باکتری اگروبакتریوم و تفنج ژنی)، دستکاری تنظیم کننده های نسخه برداری ژنها و کشتهای درون شیشه ای می باشد که نتیجه این تکنیکها، ایجاد گیاهی تاریخته و پدیده زراعت مولکولی گیاهان دارویی خواهد بود.

۱-۲-۲- تاریخچه گیاه تاریخته

رابطه بین سلامت انسان و گیاهان در سال ۱۸۹۷ یعنی زمانی که فردریک بایر آسپرین را به جهان عرضه کرد شناخته شد. در قرن بیستم صنعت داروسازی پا به عرصه وجود گذاشت و داروهای سنتیک به جای داروهای طبیعی وارد بازار شدند، ولی هنوز $1/4$ داروها از دانه، ریشه، برگ و عصاره گیاهان تهیه می شوند[۱۹ و ۲۰]. در سال ۱۹۷۸ اولین بار مهندسی ژنتیک بر روی گیاه، برای تولید دارو

صورت پذیرفت[۲۰] و اولین گیاه تاریخته در سال ۱۹۸۳ گزارش شد و سه سال بعد اولین پروتئین داروئی یعنی هورمون رشد انسانی در گیاه تباکو ساخته شد. از سال ۱۹۸۶ تا ۱۹۹۹ بسیاری از داروهای نوترکیب در گیاه تولید شدند. از مسائل مهم در تولید داروها و واکسن‌های نوترکیب در گیاهان، فعالیت بیولوژیک آنها برای مصرف شان می‌باشد و سرانجام در سال ۱۹۹۰ اولین گیاه که آنتیزن فعال از نظر بیولوژیکی را بیان کرد، تباکو بود که پروتئین سطحی باکتری به نام استرپتوكوس موتناس را بیان کرد. همچنین اولین واکسن فعال از نظر بیولوژیکی، در سال ۱۹۹۵ در گیاه بیان شد[۲۰ و ۲۱]. گیاهان تاریخته پس از تولید در شرایط آزمایشگاهی، به طور تجاری در زمینهای کشاورزی کشت داده شدند بطوریکه در سال ۲۰۰۵ گیاهان تاریخته (GM)^۱ ۲۲۰ میلیون هکتار از زمین‌های کشاورزی را دربر گرفته بودند[۲۱]. در گیاهان تاریخته حدود ۱۰۰ نوع پروتئین نوترکیب بیان شده است که برخی از آنها آماده واردشدن به بازار هستند.

واکسن‌ها و داروهای نوترکیب قبل از عرضه به بازار باید تحت آزمایشات کلینیکی قرار بگیرند.

اولین پروتئین نوترکیب در گیاه که به بازار عرضه شد اویدین^۲ بود که در ذرت بیان شده بود[۲۲].

۳-۲-۱- کشت بافت

با تکنیک کشت بافت می‌توان از یک سلول به گیاه کامل دست یافت. استفاده از این تکنیک به همراه موتاسیون باعث سرعت بخشیدن به تکثیر انبوه، تولید گیاهان عاری از بیماری، انجام کار در تمام طول سال و کاهش هزینه خواهد شد.

تکثیر گیاهان در شرایط آزمایشگاهی، روشی بسیار مفید جهت تولید داروهای گیاهی باکیفیت است. روش‌های مختلفی برای تکثیر در آزمایشگاه وجود دارد که از جمله آنها، ریزازدیادی است. با این روش برای ایجاد کلون‌های گیاهی از تیره لاله در مدت ۱۲۰ روز بیش از ۴۰۰ گیاه کوچک همگن گرفته شد که ۹۰ درصد آنها به رشد معمولی خود ادامه دادند[۲۳].

1-genetically modified

2-Avidin

۱-۲-۳-۱- انواع کشت بافت

- کشت گیاه کامل: یک بذر که در شرایط آزمایشگاهی کشت شود و یک گیاهچه و در نهایت یک گیاه کامل تولید کند.
- کشت جنین: در این نوع کشت، جنین جدا شده و پس از حذف پوسته بذر، کشت می‌شود.
- کشت اندام گیاهی: در این کشت، انواع مختلفی مثل کشت مریستم، کشت ریشه، کشت نوک ساقه قابل تشخیص هستند.
- کشت کالوس: اگر یک بافت تمایز یافته جدا شود و در شرایط آزمایشگاهی تولید یک توده سلولی تمایز نیافته به نام کالوس نماید، این پدیده را کشت کالوس می‌نامند.
- کشت سلول: کشت سلولهای منفرد که به کمک آنزیمهای روش‌های مکانیکی از یک بافت گیاهی یا سوسپانسیون سلولی بدست می‌آیند.
- کشت پروتوپلاست: این کشت در اثر هضم آنزیمی دیواره سلولی بوجود آمده است [۶].

۱-۲-۴- مراحل تولید گیاه تاریخته

۱. انتخاب ژن کد کننده یک پروتئین آنتی ژنی، که از انسان، حیوان، میکروب و یا یک ژن سنتز شده گرفته شده است.
۲. تکثیر ژن مورد نظر
۳. آماده سازی ناقل، که ژن مورد نظر به همراه کاست بیانی مخصوص گیاه برای بیان ژن در آن ناقل کلون شده باشد.
۴. ترانسفورم پلاسمید نوترکیب حاوی ژن در باکتری *E.coli*
۵. تائید حضور ژن با استفاده از هضم توسط از آنزیمهای محدودالاثر و PCR
۶. ترانسفورم پلاسمید نوترکیب تائید شده به باکتری آگر باکتریوم تومه فاسینس
۷. ترانس فورماتیون گیاه با واسطه آگر باکتریوم و انتخاب لاین های از گیاهان تاریخته با بالاترین و مطلوبترین بیان
۸. ارزیابی آنتی ژنیستیکی و میزان بیان پروتئین نوترکیب در گیاه تاریخته
۹. جداسازی پروتئین نوترکیب و مصرف آن

۱-۲-۵- دلایل استفاده از گیاه در مهندسی ژنتیک

مهندسی ژنتیک حدود ۲۰ سال است که بر روی سیستم میکروبی و حیوانی مرکز شده است اما اکنون گیاه و کشت سلول گیاه به دلیل دارا بودن مزایای ویژه برای تولید پروتئین داروئی و متابولیستهای ثانویه در میزان بالا مطرح میباشد.



گیاهان راکتورهای زیستی هستند که می‌توان از آنها برای تولید پروتئین‌های نوترکیب در مقیاس وسیع استفاده کرد. فاکتورهای مطلوب استفاده از سیستم‌های گیاهی برای تولید پروتئین‌های نوترکیب در مقایسه با سایر سیستم‌ها به شرح زیر می‌باشد:

- **سالم بودن فرآورده‌های حاصل:** گیاهان تاریخته میزبان پاتوژن‌های انسانی نیستند. از این رو فرآورده‌های آلووده به پاتوژن‌های انسانی مانند ویروس هپاتیت، ویروس HIV، عوامل سرطانزا و پاتوژنهای میکروبی مثل اندوتوكسین‌ها تولید نمی‌کنند [۲۵].

- **کاهش هزینه تولید:** هزینه کار با گیاه و بیان پروتئین در آن به میزان ۲-۱۰ درصد کمتر از هزینه کار با سیستم‌های فرمانتاسیون میکروبی و ۱٪ سیستم‌های پستانداران است و در ضمن برداشت گیاهان نیاز به افراد ماهر ندارد. در حالیکه سیستم‌های فرمانتور میکروبی، حشرات یا دامی هزینه بالائی برای نگهداری دارند و با مشکلاتی مثل عدم ایمنی برای محیط زیست روبرو هستند [۲۶].

- **تولید به میزان زیاد با استفاده از سیستم کشاورزی**

- **تولید پروتئین‌های نوترکیب محلول و فعال از نظر بیولوژیکی در سیستم گیاهی:** در سیستم‌های میکروبی، تولید پروتئین نوترکیب در فرمانتور با ناپایداری پروتئین نوترکیب وغیر فعال بودن آن از نظر بیولوژیکی مواجه می‌باشد.

- **ایجاد تغییرات پس از رونویسی در پروتئین نو ترکیب:** این تغییرات شامل تاخوردگی صحیح پروتئین، گلیکوزیلاسیون، امیداسیون، فسفریلاسیون، یا اضافه کردن اسیدهای چرب و باندهای دی سولفیدی به پروتئین می‌باشد.

- افزایش پایداری پروتئین نو ترکیب: پروتئینهای نو ترکیبی که برای مسیر ترشحی هدف دار می شوند به دلیل ترشح به محیط خارج سلولی، مانع از تجزیه آنها در برابر پروتئازها می شود و باعث افزایش پایداری و بیان پروتئین ها می شود.
- توانایی پردازش پس از ترجمه پروتئین های نو ترکیب: سلولهای گیاهی برخلاف سلولهای پروکاریوتی قادر به تاکردن و سرهم کردن درست آنتی بادیها و پروتئینها هستند [۲۵].
- آسان بودن ترانس فورماتیون
- حذف فرایند تخلیص: در تهیه واکسنها خوراکی نیازی به استخراج پروتئین نو ترکیب از بافت گیاهی نمی باشد.
- آسان بودن افزایش مقیاس (scale-up): برای بالا بردن میزان بیان یک پروتئین در گیاهان تاریخته نسبت به حیوان تاریخته تا ۱۰ برابر، زمان کوتاه تر لازم است
- کاهش هزینه های انبارداری و حمل و نقل پروتئین های نو ترکیب: پروتئین نو ترکیب موجود در جبوهات در دمای اتاق برای سالها بدون از دست دادن فعالیت بیولوژیکی ذخیره می شود.
- سهولت استخراج پروتئین نو ترکیب: در صورت بیان پروتئین نو ترکیب در بافت های خاص مثل غده، دانه، برگ و اندام کهای خاص گیاهی استخراج به آسانی انجام می گیرد.
- اجتناب از مسائل اخلاقی مرتبط با حیوانات تاریخته: امروزه برای عموم دستکاری ژنتیکی گیاهان نسبت به انتقال ژن به حیوانات و انسان قابل پذیرش تراست. در حال حاضر بشر تمایلی به استفاده غذاهای مشتق شده از بیوتکنولوژی ندارند در حالیکه داروهای مشتق شده از بیوتکنولوژی را بیشتر مردم قبول دارند [۳۴ و ۳۵ و ۳۶ و ۳۷ و ۳۸ و ۳۹ و ۴۰ و ۴۱ و ۴۲ و ۴۳ و ۴۴ و ۴۵ و ۲۲ و ۲۵ و ۱۰ و ۲۵].

۳-۱- انتقال ژن به گیاه

هدف از انتقال ژن به گیاه ایجاد تنوع ژنتیکی در جوامع گیاهی، انتخاب گیاه برتر از نظر ژنهای کنترل کننده صفات مطلوب و هم چنین حفظ تنوع گیاهی است. ابداع تکنیکهای انتقال ژن به گیاه بسیار سریع بوده و مبنی بر روش های متنوعی است.