

الله الرحمن الرحيم

کلیه حقوق مادی مترتب بر نتایج مطالعات، ابتکارات و
نوآوری های ناشی از تحقیق موضوع این پایان نامه
متعلق به دانشگاه رازی است.



پردیس کشاورزی و منابع طبیعی

گروه زراعت و اصلاح نباتات

پایان نامه جهت اخذ درجه کارشناسی ارشد رشته مهندسی کشاورزی

گرایش اصلاح نباتات

عنوان پایان نامه

مطالعه سیتوژنتیکی و بیوشیمیایی بعضی از گونه‌های یولاف (*Avena* sp.)

استادان راهنما:

دکتر صحبت بهرامی نژاد

دکتر علیرضا زبرجدی

استاد مشاور:

مهندس هوشمند صفری

نگارش:

امیر علی مرادی

سپاسگزاری :

سپاس خدای را عزوجل که طاعتش موجب قربت است، از خانواده گرانقدرم به خاطر تمام حمایت‌های مادی و معنوی ایشان در طول تحصیلم سپاسگزاری می‌کنم. همچنین از اساتید راهنمای محترم خود، آقایان **دکتر صحبت بهرام‌نژاد** و **دکتر علیرضا زبرجدی** و استاد مشاورم آقای **مهندس هوشمند صفری** که به مثابه معلمانی دلسوز در این مقطع تحصیلی و انجام این پایان نامه از راهنمایی‌ها و مشاوره‌های ارزنده ایشان همیشه برخوردار بوده‌ام، قدردانی می‌کنم.

از آقایان **دکتر عزت اله فرشادفر** و **دکتر هومن سالاری** به خاطر قبول زحمت داوری و بازخوانی دقیق این پایان نامه و رهنمودها و پیشنهادهای ارزنده‌شان و همچنین از آقای **دکتر محسن سعیدی** مدیریت محترم گروه اصلاح نباتات تصمیمانه قدردانی می‌کنم. نسبت به همکلاسی‌ها و دوستان گرامیم **جهاد سورنی**، **کاوه صادقی**، **محمد حسین رومنا**، **هومن شیروانی**، **سعید شیخه پور**، **بهاره محمودی**، **رقیه چقا کبودی**، **نسرین شفیعی** **هما**، **اعظم نظری**، **دکتر حجت هاشمی نسب** **علی آبادی**، **رضا امیری**، **ابراز تشکر** داشته و از خداوند منان برای ایشان کسب موفقیت و کامیابی را در تمام مراحل زندگی خواستارم.

تقدیم به:

پدر و مادر مهربانم که در تمام طول زندگیم همیشه یار و یاور من بوده اند و از هیچ گونه
کوششی برای پیشرفتم دریغ نداشته اند،

و همچنین برادرانم.

چکیده

این تحقیق طی سال‌های ۱۳۹۱-۱۳۹۰ در آزمایشگاه سیتوژنتیک مرکز تحقیقات کشاورزی و منابع طبیعی کرمانشاه روی دو گونه یولاف شامل ۳۰ ژنوتیپ از گونه *sativa* و ۱۰ اکسشن از گونه *sterilis* انجام شد. طرح آزمایشی مورد استفاده برای مطالعه صفات کاربوتیپی طرح کاملاً تصادفی با پنج تکرار بود. تنوع ژنتیکی یولاف با استفاده از نشانگر بیوشیمیایی و صفات کاربوتیپی مورد ارزیابی قرار گرفت. تنوع موجود در ژنوتیپ‌ها با استفاده از صفات سیتوژنتیکی محاسبه گردید. تمام گونه‌های مورد بررسی هگزاپلوئید بودند و تعداد کروموزوم پایه در تمامی گونه‌های مورد مطالعه هفت بود. نتایج تجزیه واریانس نشان داد که در بین ژنوتیپ‌ها از نظر تمامی صفات کروموزومی مورد اندازه‌گیری اختلاف در سطح احتمال ۱٪ وجود دارد. بنابراین برای صفات اندازه‌گیری شده تنوع معنی‌داری بین ژرم پلاسماهای مورد بررسی وجود دارد. تجزیه خوشه‌ای برای ژنوتیپ‌ها صورت گرفت که ژنوتیپ‌ها مورد مطالعه به ۴ دسته تقسیم شدند بطوری که گروه اول شامل ۱۴ ژنوتیپ، گروه دوم شامل هشت ژنوتیپ، گروه سوم شامل ۱۴ ژنوتیپ و گروه چهارم شامل چهار ژنوتیپ بودند. نتایج حاصل از تجزیه به مؤلفه‌های اصلی نشان داد که سه مؤلفه استخراج شده به ترتیب ۶۳/۹۲، ۱۸/۵۰ و ۱۶/۵۴ درصد از کل واریانس بین ژنوتیپ‌ها را نشان می‌دهند. بررسی الگوی باندهای پروتئین‌های برگ، تنوع قابل ملاحظه‌ای در میان ژنوتیپ‌ها نشان داد. باندهای پروتئینی نه تنها از نظر محل قرار گرفتن روی ژل و وزن مولکولی، بلکه از لحاظ تراکم و شدت نیز با یکدیگر اختلاف نشان دادند. در مجموع برای ۴۰ ژنوتیپ مورد مطالعه ۱۸ باند مشاهده گردید. بر اساس ماتریس تشابه جاکارد کمترین تشابه و بیشترین فاصله ژنتیکی بین ژنوتیپ *Islamabad* با ژنوتیپ‌های *Brusher*، *Euro* و *GAMitchell* می‌باشد. همچنین بیشترین تشابه و کمترین فاصله ژنتیکی بین ژنوتیپ *Brusher* با *Euro*، ژنوتیپ *Tarahumara* با ژنوتیپ‌های *NZ2102* و *Wandering*، ژنوتیپ *NZ2102* با *Wandering*، ژنوتیپ *IL92-6745* با *Ravansar1* و ژنوتیپ *Ravansar2* با *Kermanshah2* می‌باشد. بر اساس تجزیه خوشه‌ای ژنوتیپ‌ها در فاصله ۰/۴۵ به ۴ گروه تقسیم شدند بطوری که گروه اول و دوم هر کدام شامل ۳ ژنوتیپ، گروه سوم شامل ۲۷ ژنوتیپ و گروه چهارم شامل ۷ ژنوتیپ بودند. نتایج این تحقیق به طور کلی نشان داد که بین ژنوتیپ‌ها تنوع سیتوژنتیکی و پروتئینی معنی‌داری وجود دارد.

کلمات کلیدی: یولاف، سیتوژنتیک، صفات کاربوتیپی و تنوع پروتئینی

فهرست مطالب

عنوان	صفحه
فصل اول: مقدمه و کلیات	
۱-۱- مقدمه	۲
۲-۱- اهداف تحقیق	۳
۳-۱- یولاف	۴
۴-۱- گیاه شناسی یولاف	۴
۵-۱- اکولوژی یولاف	۴
۶-۱- زراعت یولاف	۴
۷-۱- موارد استفاده از یولاف	۵
۸-۱- سازگاری مناطق پراکنش	۵
۹-۱- تاکسونومی و گونه های یولاف	۵
۱۰-۱- روش های اصلاحی یولاف	۵
۱۱-۱- سیتوژنتیک	۶
۱۲-۱- کاربوتیپ	۶
۱-۱۲-۱- تکامل کاربوتیپی	۷
۲-۱۲-۱-	۸
۳-۱۲-۱- کاربوتیپ نامتقارن	۸
۴-۱۲-۱- مقایسه تقارن کاربوتیپی	۸
۱-۴-۱۲-۱- روش استبینز	۸
۲-۴-۱۲-۱- روش رومرو زارکو	۹
۳-۴-۱۲-۱- ضریب پراکندگی پیرسون	۱۰
۴-۴-۱۲-۱- روش هایزوار	۱۰
۵-۴-۱۲-۱- پارامتر اختلاف طول نسبی کروموزوم (DRL)	۱۰
۱۳-۱- الکتروفورز و SDS-PAGE	۱۱
۱۴-۱- بررسی پروتئین های ذخیره ای	۱۱
فصل دوم: بررسی منابع	
فصل سوم: مواد و روش ها	
۱-۳- محل اجرای آزمایش	۱۸
۲-۳- طرح آزمایشی	۱۸

۱۸	۳-۳-ژنوتیپ‌های بررسی شده.....
۱۹	۳-۴-مراحل تحقیق.....
۱۹	۳-۴-۱- جوانه دار کردن بذور.....
۱۹	۳-۴-۲- القاء پیش تیمار شیمیایی.....
۱۹	۳-۴-۳- شستشوی بعد از پیش تیمار.....
۱۹	۳-۴-۴- عمل تثبیت.....
۲۰	۳-۴-۵- شستشوی بعد از تثبیت.....
۲۰	۳-۴-۶- نگهداری.....
۲۰	۳-۴-۷- هیدرولیز.....
۲۰	۳-۴-۸- رنگ آمیزی.....
۲۱	۳-۴-۹- تهیه لام میکروسکوپی.....
۲۱	۳-۵-۵- عکس برداری و اندازه‌گیری کروموزوم‌ها.....
۲۱	۳-۵-۱- تجزیه و تحلیل کاربوتیپ‌ها.....
۲۴	۳-۶-۶- محلول‌های مورد نیاز.....
۲۴	۳-۶-۱- محلول α - برومونفتالین.....
۲۴	۳-۶-۲- لویتسکی.....
۲۴	۳-۶-۳- محلول NaOH ۱ نرمال.....
۲۴	۳-۶-۴- هماتوکسیلین.....
۲۵	۳-۷-۷- روش کار.....
۲۶	۳-۷-۱- روش تهیه نمونه.....
۲۶	۳-۷-۱-۱- روش عصاره‌گیری.....
۲۶	۳-۷-۱-۲- روش تهیه بافرهای استخراج.....
۲۷	۳-۷-۲- رنگ آمیزی ژل پلی آکریلامید.....
۲۷	۳-۷-۲-۱- رنگ آمیزی با کوماسی بلو R250.....
۲۷	۳-۷-۲-۲- روش رنگ آمیزی.....
۲۸	۳-۸-۸- بررسی پروتئوم.....
۲۸	۳-۸-۱- محلول‌های مورد نیاز برای SDS-PAGE.....
۲۸	۳-۸-۱-۱- محلول ۳۰ درصد اکریلامید + ۰/۸ درصد بیس اکریلامید.....
۲۸	۳-۸-۱-۲- بافر 4X (تحتانی) محلول ۱/۵ مولار تریس بازی (۸/۸ pH) + ۰/۴ درصد SDS (بافر 4X
۲۸	ژل تحتانی) 4Tris.HCl/SDS, pH8.8.....

۳-۱-۸-۳	(بافر 4X ژل فوقانی) محلول ۰/۵ مولار تریس بازی (pH ۶/۸) + ۰/۴ درصد SDS (بافر 4X
۲۸	ژل فوقانی) 4Tris.HCl/SDS pH 6.8
۲۸	۴-۱-۸-۳- بافر الکتروود یا بافر تانک (۱۰۰۰ میلی لیتر).
۲۹	۵-۱-۸-۳- بافر نمونه (2X)
۲۹	۶-۱-۸-۳- پرسولفات آمونیوم ۱۰ درصد (APS)
۲۹	۷-۱-۸-۳- محلول ایزوبوتانل اشباع شده با آب مقطر.
۲۹	۲-۸-۳- روش تهیه ژل تحتانی.
۳۰	۳-۸-۳- روش تهیه ژل فوقانی.
۳۱	۹-۳- نرم افزارهای مورد استفاده.

فصل چهارم: نتایج و بحث

۳۳	۱-۴- نتایج و بحث.
۳۳	۱-۱-۴- تجزیه و تحلیل کاربوتیپ ژنوتیپها و اکسشنهای دو گونه جنس <i>Avena</i> .
۳۳	۲-۴- نتایج گونه <i>Avena sativa</i> .
۳۳	۱-۲-۴- نتایج رقم 4ZOP95.
۳۵	۲-۲-۴- نتایج رقم Brusher.
۳۷	۳-۲-۴- نتایج رقم Euro.
۳۹	۴-۲-۴- نتایج رقم GA Mitchell.
۴۲	۵-۲-۴- نتایج رقم Mortlock.
۴۴	۶-۲-۴- نتایج رقم Potoroo.
۴۶	۷-۲-۴- نتایج رقم Quall.
۴۸	۸-۲-۴- نتایج رقم Tarahumara.
۵۰	۹-۲-۴- نتایج رقم NZ2101.
۵۲	۱۰-۲-۴- نتایج رقم 94046-57.
۵۴	۱۱-۲-۴- نتایج رقم Ak-5.
۵۶	۱۲-۲-۴- نتایج رقم kingfisher.
۵۸	۱۳-۲-۴- نتایج رقم L2Gorskij.
۶۰	۱۴-۲-۴- نتایج رقم ND873364.
۶۲	۱۵-۲-۴- نتایج رقم NZ2742.
۶۴	۱۶-۲-۴- نتایج رقم Perston.
۶۶	۱۷-۲-۴- نتایج رقم Possum.
۶۸	۱۸-۲-۴- نتایج رقم UC145.

۷۰UFRGS 940257-1	نتایج رقم	۱۹-۲-۴
۷۲1ZOP95	نتایج رقم	۲۰-۲-۴
۷۴X1	نتایج رقم	۲۱-۲-۴
۴۶X2	نتایج رقم	۲۲-۲-۴
۷۸CN12497	نتایج رقم	۲۳-۲-۴
۸۰Daly up	نتایج رقم	۲۴-۲-۴
۸۲Echidna	نتایج رقم	۲۵-۲-۴
۸۴Glider	نتایج رقم	۲۶-۲-۴
۸۶IL92-6745	نتایج رقم	۲۷-۲-۴
۸۸Grise D□Hiver	نتایج رقم	۲۸-۲-۴
۹۰Solva	نتایج رقم	۲۹-۲-۴
۹۲Wandering	نتایج رقم	۳۰-۲-۴
۹۴Avenasterilis	نتایج گونه	۳-۴
۹۴Kermanshah1	نتایج اکسشن	۱-۳-۴
۹۶Islamabad	نتایج اکسشن	۲-۳-۴
۹۸Gahvareh	نتایج اکسشن	۳-۳-۴
۱۰۰Ravansar1	نتایج اکسشن	۴-۳-۴
۱۰۲Kangavar	نتایج اکسشن	۵-۳-۴
۱۰۴Ravansar2	نتایج اکسشن	۶-۳-۴
۱۰۶Kermanshah2	نتایج اکسشن	۷-۳-۴
۱۰۸Kermanshah3	نتایج اکسشن	۸-۳-۴
۱۱۰Sanandaj	نتایج اکسشن	۹-۳-۴
۱۱۲Sarpol	نتایج اکسشن	۱۰-۳-۴
۱۱۴Avena	مقایسه کاربوتیپ ژنوتیپها و اکسشنهاگونههای مورد مطالعه در جنس	۴-۴
۱۲۲Avena	تجزیه واریانس و مقایسه میانگینها برای جنس	۵-۴
۱۲۶Avena	گروه بندی ژنوتیپها بر اساس صفات کاربوتیپی برای جنس	۶-۴
۱۲۶	تجزیه خوشه ای	۱-۶-۴
۱۲۷Avena	تجزیه به مؤلفه‌های اصلی برای جنس	۷-۴
۱۳۱	نتایج حاصل از الگوی بانندی پروتئین	۸-۴
۱۳۳	بررسی ماتریس تشابه جاکارد	۹-۴
۱۳۵	تجزیه خوشه‌ای	۱۰-۴

۱۳۸ ۱۱-۴ - نتیجه گیری کلی

۱۳۹ ۱۲-۴ - پیشنهادات

۱۴۰ منابع

فهرست جداول

صفحه	جدول
۹	جدول ۱-۱- جدول دو طرفه استبینز برای دسته‌بندی کاربوتیپ‌ها.....
۱۸	جدول ۱-۳- فهرست ۴۰ ژنوتیپ انتخاب شده از بانک ژن پردیس کشاورزی و منابع طبیعی دانشگاه رازی
۲۲	جدول ۲-۳- پارامترهای محاسبه شده برای کاربوتیپ های مورد مطالعه.....
۲۳	جدول ۳-۳- دسته بندی کروموزوم‌های هر کاربوتیپ بر اساس روش Levan.....
۳۰	جدول ۴-۳- مقادیر مواد مورد نیاز برای تهیه ژل جدا کننده با درصد معلوم.....
۳۱	جدول ۵-۳- مقادیر مواد مورد نیاز برای تهیه ژل متراکم کننده (فوقانی) با درصد معلوم.....
۳۴	جدول ۱-۴- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ 4ZOP95.....
۳۶	جدول ۲-۴- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ Brusher.....
۳۸	جدول ۳-۴- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ Euro.....
۴۱	جدول ۴-۴- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ GA Mitchell.....
۴۳	جدول ۵-۴- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ Mortlock.....
۴۵	جدول ۶-۴- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ Potoroo.....
۴۷	جدول ۷-۴- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ Quall.....
۴۹	جدول ۸-۴- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ Tarahumara.....
۵۱	جدول ۹-۴- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ NZ2101.....
۵۳	جدول ۱۰-۴- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ 94046-57.....
۵۵	جدول ۱۱-۴- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ Ak-5.....
۵۷	جدول ۱۲-۴- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ Kingfisher.....
۵۹	جدول ۱۳-۴- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ L□Gorskij.....
۶۱	جدول ۱۴-۴- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ ND873364.....
۶۳	جدول ۱۵-۴- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ NZ2742.....
۶۵	جدول ۱۶-۴- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ Perston.....
۶۷	جدول ۱۷-۴- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ Possum.....
۶۹	جدول ۱۸-۴- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ UC145.....
۷۱	جدول ۱۹-۴- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ UFRGS 940257-1.....
۷۳	جدول ۲۰-۴- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ 1ZOP95.....
۷۵	جدول ۲۱-۴- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ X1.....
۷۷	جدول ۲۲-۴- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ X2.....
۷۹	جدول ۲۳-۴- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ CN12497.....

- جدول ۴-۲۴- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ Daly up ۸۱
- جدول ۴-۲۵- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ Echidna ۸۳
- جدول ۴-۲۶- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ Glider ۸۵
- جدول ۴-۲۷- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ IL92-6745 ۸۷
- جدول ۴-۲۸- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ Grise D□Hiver ۸۹
- جدول ۴-۲۹- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ Solva ۹۱
- جدول ۴-۳۰- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای ژنوتیپ Wandering ۹۳
- جدول ۴-۳۱- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای اکشن Kermanshah1 ۹۵
- جدول ۴-۳۲- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای اکشن Islamabad ۹۷
- جدول ۴-۳۳- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای اکشن Gahvareh ۹۹
- جدول ۴-۳۴- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای اکشن Ravansar1 ۱۰۱
- جدول ۴-۳۵- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای اکشن Kangavar ۱۰۳
- جدول ۴-۳۶- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای اکشن Ravansar2 ۱۰۵
- جدول ۴-۳۷- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای اکشن Kermanshah2 ۱۰۷
- جدول ۴-۳۸- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای اکشن Kermanshah3 ۱۰۹
- جدول ۴-۳۹- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای اکشن Sanandaj ۱۱۱
- جدول ۴-۴۰- پارامترهای سیتوژنتیکی محاسبه شده برای اکشن Sarpol ۱۱۳
- جدول ۴-۴۱- خصوصیات کاریوتیپی ژنوتیپ‌های مورد بررسی برای جنس *Avena* ۱۱۹
- جدول ۴-۴۲- پارامترهای تقارن (تکامل) کاریوتیپی ژنوتیپ‌های مورد بررسی برای جنس *Avena* ۱۲۰
- جدول ۴-۴۳- میانگین مربعات تجزیه واریانس صفات کاریوتیپی در ژنوتیپ‌های جنس *Avena* ۱۲۳
- جدول ۴-۴۴- مقایسه میانگین صفات کاریوتیپی در ژنوتیپ‌های جنس *Avena* به روش دانکن در سطح ۰.۵٪ ۱۲۵
- جدول ۴-۴۵- مقادیر ویژه، درصد واریانس، درصد واریانس جمعی و ضرایب بردارهای ویژه سه‌عامل اصلی حاصل از تجزیه به مؤلفه‌های اصلی ۱۲۹
- جدول ۴-۴۶- ماتریس تشابه جاکارد ۱۳۴

فهرست شکل

شکل	صفحه
شکل ۱-۴ - سیتوتیپ رقم 4ZOP95	۳۴
شکل ۲-۴ - آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ 4ZOP95	۳۵
شکل ۳-۴ - سیتوتیپ رقم Brusher	۳۶
شکل ۴-۴ - آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ Brusher	۳۷
شکل ۵-۴ - سیتوتیپ رقم Euro	۳۹
شکل ۶-۴ - آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ Euro	۴۰
شکل ۷-۴ - سیتوتیپ رقم GAMitchell	۴۱
شکل ۸-۴ - آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ GA Mitchell	۴۱
شکل ۹-۴ - سیتوتیپ رقم Mortlock	۴۲
شکل ۱۰-۴ - آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ Mortlock	۴۳
شکل ۱۱-۴ - سیتوتیپ رقم Potoroo	۴۴
شکل ۱۲-۴ - آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ Potoroo	۴۵
شکل ۱۳-۴ - سیتوتیپ رقم Quall	۴۶
شکل ۱۴-۴ - آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ Quall	۴۷
شکل ۱۵-۴ - سیتوتیپ رقم Tarahumara	۴۸
شکل ۱۶-۴ - آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ Tarahumara	۴۹
شکل ۱۷-۴ - سیتوتیپ رقم NZ2101	۵۰
شکل ۱۸-۴ - آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ NZ2101	۵۱
شکل ۱۹-۴ - سیتوتیپ رقم 94046-57	۵۲
شکل ۲۰-۴ - آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ 94046-57	۵۳
شکل ۲۱-۴ - سیتوتیپ رقم Ak-5	۵۴
شکل ۲۲-۴ - آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ Ak-5	۵۵
شکل ۲۳-۴ - سیتوتیپ رقم Kingfisher	۵۶
شکل ۲۴-۴ - آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ Kingfisher	۵۷
شکل ۲۵-۴ - سیتوتیپ رقم L□Gorskij	۵۸
شکل ۲۶-۴ - آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ L□Gorskij	۵۹
شکل ۲۷-۴ - سیتوتیپ رقم ND873364	۶۰

- شکل ۴-۲۸- آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ ND873364 ۶۱
- شکل ۴-۲۹- سیتوتیپ رقم NZ2742 ۶۲
- شکل ۴-۳۰- آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ NZ2742 ۶۳
- شکل ۴-۳۱- سیتوتیپ رقم Perston ۶۴
- شکل ۴-۳۲- آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ Perston ۶۵
- شکل ۴-۳۳- سیتوتیپ رقم Possum ۶۶
- شکل ۴-۳۴- آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ Possum ۶۷
- شکل ۴-۳۵- سیتوتیپ رقم UC145 ۶۸
- شکل ۴-۳۶- آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ UC145 ۶۹
- شکل ۴-۳۷- سیتوتیپ رقم UFRGS 940257-1 ۷۰
- شکل ۴-۳۸- آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ UFRGS 940257-1 ۷۱
- شکل ۴-۳۹- سیتوتیپ رقم 1ZOP95 ۷۲
- شکل ۴-۴۰- آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ 1ZOP95 ۷۳
- شکل ۴-۴۱- سیتوتیپ رقم X1 ۷۴
- شکل ۴-۴۲- آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ X1 ۷۵
- شکل ۴-۴۳- سیتوتیپ رقم X2 ۷۶
- شکل ۴-۴۴- آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ X2 ۷۷
- شکل ۴-۴۵- سیتوتیپ رقم CN12497 ۷۸
- شکل ۴-۴۶- آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ CN12497 ۷۹
- شکل ۴-۴۷- سیتوتیپ رقم Daly up ۸۰
- شکل ۴-۴۸- آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ Daly up ۸۱
- شکل ۴-۴۹- سیتوتیپ رقم Echidna ۸۲
- شکل ۴-۵۰- آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ Echidna ۸۳
- شکل ۴-۵۱- سیتوتیپ رقم Glider ۸۴
- شکل ۴-۵۲- آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ Glider ۸۵
- شکل ۴-۵۳- سیتوتیپ رقم IL92-6745 ۸۶
- شکل ۴-۵۴- آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ IL92-6745 ۸۷
- شکل ۴-۵۵- سیتوتیپ رقم Grise D□Hiver ۸۸
- شکل ۴-۵۶- آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ Grise D□Hiver ۸۹
- شکل ۴-۵۷- سیتوتیپ رقم Solva ۹۰
- شکل ۴-۵۸- آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ Solva ۹۱

- شکل ۴-۵۹- سیتوتیپ رقم Wandering ۹۲
- شکل ۴-۶۰- آیدیوگرام کاریوتیپ ژنوتیپ Wandering ۹۳
- شکل ۴-۶۱- سیتوتیپ اکسشن Kermanshah1 ۹۴
- شکل ۴-۶۲- آیدیوگرام کاریوتیپ اکسشن Kermanshah1 ۹۵
- شکل ۴-۶۳- سیتوتیپ اکسشن Islamabad ۹۶
- شکل ۴-۶۴- آیدیوگرام کاریوتیپ اکسشن Islamabad ۹۷
- شکل ۴-۶۵- سیتوتیپ اکسشن Gahvareh ۹۸
- شکل ۴-۶۶- آیدیوگرام کاریوتیپ اکسشن Gahvareh ۹۹
- شکل ۴-۶۷- سیتوتیپ اکسشن Ravansar1 ۱۰۰
- شکل ۴-۶۸- آیدیوگرام کاریوتیپ اکسشن Ravansar1 ۱۰۱
- شکل ۴-۶۹- سیتوتیپ اکسشن Kangavar ۱۰۲
- شکل ۴-۷۰- آیدیوگرام کاریوتیپ اکسشن Kangavar ۱۰۳
- شکل ۴-۷۱- سیتوتیپ اکسشن Ravansar2 ۱۰۴
- شکل ۴-۷۲- آیدیوگرام کاریوتیپ اکسشن Ravansar2 ۱۰۵
- شکل ۴-۷۳- سیتوتیپ اکسشن Kermanshah2 ۱۰۶
- شکل ۴-۷۴- آیدیوگرام کاریوتیپ اکسشن Kermanshah2 ۱۰۷
- شکل ۴-۷۵- سیتوتیپ اکسشن Kermanshah3 ۱۰۸
- شکل ۴-۷۶- آیدیوگرام کاریوتیپ اکسشن Kermanshah3 ۱۰۹
- شکل ۴-۷۷- سیتوتیپ اکسشن Sanandaj ۱۱۰
- شکل ۴-۷۸- آیدیوگرام کاریوتیپ اکسشن Sanandaj ۱۱۱
- شکل ۴-۷۹- سیتوتیپ اکسشن Sarpol ۱۱۲
- شکل ۴-۸۰- آیدیوگرام کاریوتیپ اکسشن Sarpol ۱۱۳
- شکل ۴-۸۱- پراکنش و گروه‌بندی ژنوتیپ‌ها و گونه‌ها با استفاده از روش Ward بر اساس مقادیر A1 و A2 ۱۲۱

- شکل ۴-۸۲- روند مشابه DRL و A₂ بعنوان دو شاخص نامتقارن بودن بین کروموزومی در ژنوتیپ‌های مورد بررسی ۱۲۱
- شکل ۴-۸۳- روند مخالف TF% و A₁ بعنوان دو شاخص نامتقارن بودن درون کروموزومی در ژنوتیپ‌های مورد بررسی ۱۲۲
- شکل ۴-۸۴- نمودار خوشه‌ای حاصل از تجزیه کلاس‌نر صفات کاریوتیپی ژنوتیپ‌ها به روش Ward ۱۲۷
- شکل ۴-۸۴- سهم هر یک از صفات کاریوتیپی مورد مطالعه در تشکیل مؤلفه اصلی اول، دوم و سوم ۱۳۰
- شکل ۴-۸۵- نمودار پراکنشی و گروه بندی با روش Ward برای ژنوتیپ‌ها بر اساس مؤلفه اول و سوم حاصل از تجزیه به مؤلفه‌های اصلی ۱۳۰
- شکل ۴-۸۶ تصویر الگوی الکتروفورز پروتئین‌های ذخیره‌ای برگ ۱۳۱
- شکل ۴-۸۷ تصویر الگوی الکتروفورز پروتئین‌های ذخیره‌ای برگ یولاف ۱۳۲
- شکل ۴-۸۸ تصویر الگوی الکتروفورز پروتئین‌های ذخیره‌ای برگ یولاف ۱۳۲
- شکل ۴-۸۹ کلاستر حاصل از بررسی الکتروفورز پروتئین‌های برگ در ژنوتیپ‌های مطالعه شده یولاف به روش ان تی یو ۱۳۶
- شکل ۴-۹۰ نمودار پراکنش ژنوتیپ‌ها بر اساس مختصات اول و دوم حاصل از تجزیه به مختصات اصلی ۱۳۷

فصل اول

مقدمه و کلیات

۱-۱) مقدمه

یولاف با نام علمی (*Avena sativa* L.) گیاهی از خانواده گندمیان (*Poaceae*) سازگار با مناطقی با شرایط آب و هوایی سرد و معتدل است (همت زاده و همکاران، ۱۳۸۲) جنس *Avena* L. یکی از قدیمی ترین غلات است که شامل دیپلوئید، تتراپلوئید و هگزاپلوئید است گونه‌های با تعداد کروموزوم پایه $x=7$ می‌باشد (بداوا و همکاران^۱، ۲۰۰۵) یک ساله که مهم‌ترین گونه زراعی آن *A. sativa* می‌باشد. یولاف نسبت به دیگر غلات دارای درصد بالایی از پروتئین است و از لحاظ کیفی دارای بهترین پروفیل اسید آمینه در بین غلات می‌باشد درصد پایین پروتئین‌های گلوپلین و پرولامین و بالا بودن درصد پروتئین گلویین احتمالاً دلیل بهتر بودن کیفیت پروتئین این غله نسبت به دیگر غلات است (آقائی و همکاران، ۱۳۸۴). این گیاه در درجه اول جهت تولید علوفه و پرورش دام بلاخص اسب کشت می‌شود (همت زاده و همکاران، ۱۳۸۲). از یولاف وحشی به طور گسترده‌ای در افزایش بسیاری از صفات یولاف زراعی از جمله در صد پروتئین استفاده شده است (رضائی، ۱۳۶۸).

از آنجایی که اصلاح نبات بر پایه ایجاد تنوع با گزینش انواع مطلوب تا رسیدن به هدف نهایی استوار است داشتن تنوع و دامنه وسیعی از ذخایر توارثی در اصلاح نباتات ضروری است (اهدایی، ۱۳۷۳). هدف پرورش دهندگان همیشه جمع آوری و ایجاد تنوع ژنتیکی در محصولات کشاورزی و ایجاد توسعه با استفاده از ارقام مناسب برای کشت آب و هوایی مناطق مختلف است (ناواز و همکاران^۲، ۲۰۰۴) تنوع مبنای همه گزینش‌ها در اصلاح نباتات است انتخاب ژنوتیپی نیز نیازمند تنوع می‌باشد و با بالا رفتن تنوع ژنتیکی در یک جامعه حدود انتخاب وسیع‌تر می‌شود (عبدمیشانی و شاه نجات بوشهری، ۱۳۷۷).

در بیان اهمیت مطالعات کاربوتیپی یادآوری این نکته لازم است که مورفولوژی کروموزوم می‌تواند به عنوان یکی از مفیدترین معیارها جهت بررسی روابط تاکسونومیکی باشد (استینز^۳، ۱۹۷۱). در تحقیقات به نژادی انجام مطالعات سیتوژنتیکی از اقدامات اولیه است زیرا که شناخت تعداد کروموزوم‌ها در انتخاب روش‌های به نژادی موثر است تعیین سطح پلوئیدی نیز که از مطالعات کروموزومی بدست می‌آید در انجام دورگه‌گیری اهمیت زیادی دارد. تنوع زیاد در کروموزوم‌ها، ثابت بودن تعداد کروموزوم‌ها در افراد یک گونه و تنوع تعداد، اندازه و ساختمان کروموزوم‌ها در گونه‌های متفاوت شاخص‌های مفیدی برای اهداف

1. Bdaeva et al.
2. Nawaz et al.
3. Stebbins