

الله
اَللّٰهُمَّ اسْمُكَ رَحْمَةً
بِحُسْنَيْنِ

تاییدیه اعضای هیات داوران حاضر در جلسه دفاع از
پایان نامه کارشناسی ارشد

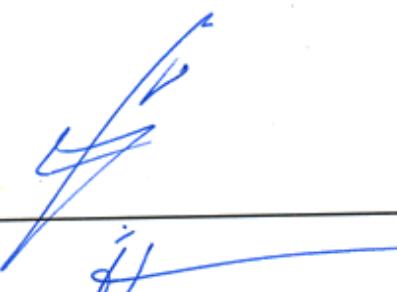


خانم عطیه غمناک رشته بیوتکنولوژی پزشکی پایان نامه کارشناسی ارشد خود را با عنوان «بررسی بیان miR-21 در سلولهای بنیادی سرطان سینه در انسان» در تاریخ ۱۳۹۱/۴/۱۰ ارائه کردند.

بدینوسیله اعضای هیات داوران نسخه نهایی این پایان نامه را از نظر فرم و محتوا تایید کرده و پذیرش آنرا برای تکمیل درجه کارشناسی ارشد پیشنهاد می کنند.

نام و نام خانوادگی و امضاء اعضای هیأت داوران:

دکتر مهدی فروزنده مقدم (استاد راهنما)


دکتر شیرین شهبازی (استاد ناظر)

دکتر مجید صادقی زاده (استاد ناظر)


دکتر محمد جواد رسایی (استاد ناظر و نماینده تحصیلات تکمیلی)

آیین نامه حق مالکیت مادی و معنوی در مورد نتایج پژوهش‌های علمی

دانشگاه تربیت مدرس

مقدمه: با عنایت به سیاست‌های پژوهشی و فناوری دانشگاه در راستای تحقق عدالت و کرامت انسانها که لازمه شکوفایی علمی و فنی است و رعایت حقوق مادی و معنوی دانشگاه و پژوهشگران، لازم است اعضای هیأت علمی، دانشجویان، دانش آموختگان و دیگر همکاران طرح، در مورد نتایج پژوهش‌های علمی که تحت عنوانین پایان‌نامه، رساله و طرحهای تحقیقاتی با هماهنگی دانشگاه انجام شده است، موارد زیر را رعایت نمایند:

ماده ۱- حق نشر و تکثیر پایان نامه/ رساله و درآمدهای حاصل از آنها متعلق به دانشگاه می‌باشد ولی حقوق معنوی پدید آورندگان محفوظ خواهد بود.

ماده ۲- انتشار مقاله یا مقالات مستخرج از پایان‌نامه/ رساله به صورت چاپ در نشریات علمی و یا ارائه در مجتمع علمی باید به نام دانشگاه بوده و با تایید استاد راهنمای اصلی، یکی از اساتید راهنماء، مشاور و یا دانشجوی مسئول مکاتبات مقاله باشد. ولی مسئولیت علمی مقاله مستخرج از پایان نامه و رساله به عهده اساتید راهنماء و دانشجو می‌باشد.

تبصره: در مقالاتی که پس از دانش آموختگی بصورت ترکیبی از اطلاعات جدید و نتایج حاصل از پایان‌نامه/ رساله نیز منتشر می‌شود نیز باید نام دانشگاه درج شود.

ماده ۳- انتشار کتاب و یا نرم افزار و یا آثار ویژه (اثری هنری مانند فیلم، عکس، نقاشی و نمایشنامه) حاصل از نتایج پایان‌نامه/ رساله و تمامی طرحهای تحقیقاتی کلیه واحدهای دانشگاه اعم از دانشکده ها، مرکز تحقیقاتی، پژوهشکده ها، پارک علم و فناوری و دیگر واحدهای باید با مجوز کتبی صادره از معاونت پژوهشی دانشگاه و براساس آئین نامه‌های مصوب انجام شود.

ماده ۴- ثبت اختصار و تدوین دانش فنی و یا ارائه یافته ها در جشنواره های ملی، منطقه ای و بین‌المللی که حاصل نتایج مستخرج از پایان‌نامه/ رساله و تمامی طرحهای تحقیقاتی دانشگاه باید با هماهنگی استاد راهنمای یا مجری طرح از طریق معاونت پژوهشی دانشگاه انجام گیرد.

ماده ۵- این آیین نامه در ۵ ماده و یک تبصره در تاریخ ۱۴۰۷/۴/۲۳ در شورای پژوهشی و در تاریخ ۱۴۰۷/۴/۲۳ در هیأت رئیسه دانشگاه به تایید رسید و در جلسه مورخ ۱۵/۷/۸۷ شورای دانشگاه به تصویب رسیده و از تاریخ تصویب در شورای دانشگاه لازم الاجرا است.

«اینجانب عطیه غمناک دانشجوی رشته بیوتکنولوژی پزشکی ورودی سال تحصیلی ۱۳۸۸ مقطع کارشناسی ارشد دانشکده علوم پزشکی متعهد می‌شوم کلیه نکات متدرج در آیین نامه حق مالکیت مادی و معنوی در مورد نتایج پژوهش های علمی دانشگاه تربیت مدرس را در انتشار یافته های علمی مستخرج از پایان نامه / رساله تحصیلی خود رعایت نمایم. در صورت تخلف از مقاد آیین نامه فوق الاشعار به دانشگاه وکالت و نمایندگی می دهم که از طرف اینجانب نسبت به لغو امتیاز اختصار بنام بنده و یا هرگونه امتیاز دیگر و تغییر آن به نام دانشگاه اقدام نماید. ضمناً نسبت به جبران فوری ضرر و زیان حاصله برآورد دانشگاه اقدام خواهم نمود و بدینوسیله حق هرگونه اعتراض را از خود سلب نمودم.».

امض
تاریخ
۱۴۰۱/۴/۳۱

آئین نامه پایان نامه (رساله) های دانشجویان دانشگاه تربیت مدرس

نظر به اینکه چاپ و انتشار پایان نامه (رساله) های تحصیلی دانشجویان دانشگاه تربیت مدرس، میین بخشی از فعالیت های علمی پژوهشی دانشگاه است. بنابراین به منظور آگاهی و رعایت حقوق دانشگاه، دانش آموختگان این دانشگاه نسبت به رعایت موارد ذیل معهود می شوند:

ماده ۱ : در صورت اقدام به چاپ پایان نامه (رساله) ی خود، مراتب را قبلًا به طور کتبی به دفتر "دفتر نشر آثار علمی" دانشگاه اطلاع دهد.

ماده ۲ : در صفحه سوم کتاب (پس از برگ شناسنامه)، عبارت ذیل را چاپ کند:
"کتاب حاضر، حاصل پایان نامه کارشناسی ارشد نگارنده در رشته بیوتکنولوژی پزشکی است که در سال ۱۳۹۱ در دانشکده علوم پزشکی دانشگاه تربیت مدرس به راهنمایی دکتر مهدی فروزنده مقدم، از آن دفاع شده است.

ماده ۳ : به منظور جبران بخشی از هزینه های انتشارات دانشگاه، تعداد یک درصد شمارگان کتاب (در هر نوبت چاپ) را به "دفتر نشر آثار علمی" دانشگاه اهدا کند. دانشگاه می تواند مازاد نیاز خود را به نفع مرکز نشر در معرض فروش قرار دهد.

ماده ۴ : در صورت عدم رعایت ماده ۳، ۵۰٪ بیهای شمارگان چاپ شده را به عنوان خسارت به دانشگاه تربیت مدرس، تادیه کند.

ماده ۵ : دانشجو تعهد و قبول می کند در صورت خودداری از پرداخت های بهای خسارت، دانشگاه مذکور را از طریق مراجع قضایی مطالبه و وصول کند، به علاوه به دانشگاه حق می دهد به منظور استیفای حقوق خود، از طریق دادگاه، معادل وجه مذکور در ماده ۴ را از محل توقيف کتابهای عرضه شده نگارنده برای فروش، تامین نماید.

ماده ۶ : اینجانب عطیه غمناک دانشجوی رشته بیوتکنولوژی پزشکی مقطع کارشناسی ارشد تعهد فوق و ضمانت اجرایی آن را قبول کرده، به آن ملتزم می شوم.

نام و نام خانوادگی عطیه عیناک
تاریخ و امضا
عیناک
۱۳۹۱، ۱۴۱۲



پایان نامه

دوره کارشناسی ارشد در رشته بیوتکنولوژی پزشکی

عنوان

بررسی بیان miR-21 در سلول‌های بنیادی سرطان سینه در انسان

نگارش

عطیه غمناک

استاد راهنما

دکتر مهدی فروزنده مقدم

تابستان ۱۳۹۱

تقدیم به :

پدر و مادر عزیز و بزرگوارم و همسر مهربان و صبورم.

تشکر و قدردانی

تشکر می‌کنم از استاد ارجمند جناب آقای دکتر مهدی فروزنده مقدم و همه‌ی دوستانی که به نوعی مرا در این پژوهه همراهی و یاری کردند.

تشکر ویژه از سرکار خانم دکتر ماریا هاشمیان خسروشاهی که لطف بسیاری دریغشان باعث پیشرفت کار من در این مطالعه گردید.

چکیده

سلول‌های آغازگر سرطان سینه اخیراً با فنوتیپ $CD44^+CD24^-$ مشخص شده‌اند که منحصراً فعالیت تومورزایی را حفظ کرده و خواص شبه سلول بنیادی را نشان می‌دهند. این سلول‌ها زیرمجموعه‌ی کوچکی از سلول‌های توموری را تشکیل می‌دهند و مسئول آغاز تومور، پیشرفت و عود آن هستند. علاوه بر این نسبت به درمان‌های رایج سرطان مانند شیمی‌درمانی و رادیودرمانی مقاوند. اگر بتوان ویژگی این سلول‌ها را به طور کامل مشخص کرد، شاید بشود راه‌های درمانی دائمی برای سرطان پیدا کرد. به همین منظور تلاش می‌شود که مارکرهای بیشتری برای سلول‌های بنیادی سرطانی یافت شود. در این مطالعه بیان miR-21 در این سلول‌ها بررسی می‌شود که تنظیم‌کننده‌ی اصلی متاستاز است و بیان آن در بسیاری از سرطان‌ها از جمله سرطان سینه افزایش می‌یابد.

ابتدا سلول‌های $CD44^+CD24^-$ از توده‌ی توموری سرطان سینه توسط روش‌های FACS و MACS جدا شدند. سپس در محیط اختصاصی بدون سرم و پلیت‌های کشت سلولی غیرچسبنده کشت داده شدند و هر هفته پاساژ داده شدند تا ماموسفیرها تشکیل شوند. بعد از تشکیل، RNA کل و miRNA این سلول‌ها استخراج شد تا از روی آن‌ها cDNA استخراج شود. بررسی بیان ژن‌های survivin و oct-4 و real-time PCR تأیید بیشتری بر این بود که این سلول‌ها خاصیت سلول‌های بنیادی سرطانی را دارند. سپس بیان miR-21 در آن‌ها سنجیده شد.

با توجه به بررسی‌های انجام شده مشخص شده که سلول‌های $CD44^+CD24^-$ جدا شده از تومور می‌توانند تا ۳ هفته در شرایط اختصاصی رشد صعودی داشته باشند. وقتی میزان بیان ژن‌های survivin و oct-4 در آن‌ها سنجیده شد، مشخص شد که بیان این ژن‌ها در این سلول‌ها نسبت به گروه‌های کنترل افزایش چشم‌گیری داشته است. سپس توسط real-time PCR بیان miR-21 سنجیده شد که نسبت به گروه‌های کنترل بیشتر بود. با توجه به این نتایج شاید بتوان در آینده این مولکول را به عنوان مارکری برای سلول‌های بنیادی سرطان سینه در انسان معرفی کرد.

کلمات کلیدی: سلول بنیادی سرطانی، سلول‌های $CD44^+CD24^-$ ، miR-21

فهرست مطالب

۱	فصل اول: مقدمه و مروری بر مطالعات گذشته
۲	۱-۱. سلول های بنیادی سرطانی
۲	۲-۱-۱. تاریخچهی سلول های بنیادی سرطانی
۲	۲-۱-۲. نظریه های شکل گیری سرطان
۳	۳-۱-۱-۱. نظریهی اتفاقی
۴	۴-۲-۱-۱. مدل سلسله مراتبی
۶	۶-۱-۱-۱. منشأ سلول های بنیادی سرطانی
۸	۸-۱-۱-۱. آشیانه سلول های بنیادی
۹	۹-۱-۱-۱. شناسایی و جداسازی سلول های بنیادی نرم ال و سرطانی در شیشه
۹	۹-۱-۵-۱-۱. جمعیت جانبی
۱۱	۱۱-۱-۱-۱. تشکیل ماموسفیر
۱۲	۱۲-۱-۱-۱-۱. مارکرهای CD133 ⁺ CD44 ⁺ CD24 ^{low} ESA ⁺
۱۴	۱۴-۱-۱-۱-۱. فعالیت آلدھید دهیدروژناز
۱۶	۱۶-۱-۱-۱-۱. نظریهی سلول های بنیادی سرطانی و مقاومت دارویی چندگانه
۱۶	۱۶-۲-۱-۱. miRNA
۱۸	۱۸-۱-۲-۱-۱. miRNA ایترونی
۱۹	۱۹-۲-۲-۱-۱. پیدایش و مکانیسم عمل miRNA
۲۲	۲۲-۱-۲-۱-۱. روش های تعیین کمی miRNA ها
۲۳	۲۳-۱-۳-۲-۱-۱. Stem-Loop RT-PCR
۲۳	۲۳-۲-۳-۲-۱-۱. PCR با استفاده از سیستم آشکارسازی SYBR® Green و پرایمر های مبتنی بر LNA

۲۶miR-21 .۴-۲-۱
۲۷۳-۱. هدف از این تحقیق
۲۷۱-۴. کورکومین
۲۹۱-۵. پرتو درمانی و سلول‌های بنیادی سرطان سینه
۳۰۱-۶. اساس تست MTT
۳۱فصل دوم: مواد و روش‌ها
۳۲۱-۲. وسایل
۳۲۲-۲. دستگاه‌ها
۳۳۳-۲. مواد
۳۳۱-۳-۲. مواد بخش سلولی
۳۳۱-۱-۳-۲. مواد مورد نیاز برای سلول‌های BCSC
۳۶۲-۱-۳-۲. مواد مورد نیاز برای رده‌های سلولی MCF-7 و MDA-MB-231
۳۷۳-۱-۳-۲. مواد مورد نیاز برای فلوسایتومتری و FACS
۳۹۴-۱-۳-۲. مواد مورد نیاز برای جداسازی سلول‌ها با استفاده از ستون MACS
۳۹۵-۱-۳-۲. مواد مورد نیاز برای انجام تست MTT
۴۰۲-۳-۲. مواد بخش مولکولی
۴۰۱-۲-۳-۲. مواد مورد نیاز برای تخلیص RNA
۴۰۲-۲-۳-۲. مواد مورد نیاز برای تیمار DNase
۴۰۳-۲-۳-۲. مواد مورد نیاز برای تخلیص miRNA
۴۱۴-۲-۳-۲. مواد مورد نیاز برای ستنز cDNA
۴۱۵-۲-۳-۲. مواد مورد نیاز جهت ستنز cDNA از miRNA
۴۲۶-۲-۳-۲. مواد مورد نیاز برای واکنش RT-PCR
۴۴۷-۲-۳-۲. مواد مورد نیاز برای واکنش real time PCR

٤٥ مواد مورد نیاز برای الکتروفورز.....۸-۲-۳-۲
٤٦ مواد مورد نیاز برای واکنش Real-Time PCR مربوط به miRNA۹-۲-۳-۲
٤٧ ۴-۲. روش‌ها.....۴-۲
٤٧ ۲-۱. بخش سلولی.....۲-۱
٤٧ ۲-۱-۱. انتقال نمونه‌های بافت توموری و نرمال سینه از بیمارستان به آزمایشگاه۲-۱-۴
٤٧ ۲-۱-۲. هضم آنزیمی و مکانیکی نمونه‌های بافتی و به دست آوردن سلول تک.....۲-۱-۴
٤٩ ۲-۱-۳. جداسازی سلول‌های CD44 ⁺ CD24 ⁻ MACS با استفاده از ستون۲-۱-۴
٥٠ ۲-۱-۴. ایمونوفوتایپ تأییدی با روش فلوسایتوometری.....۲-۱-۴
٥١ ۲-۱-۵. جداسازی سلول‌های CD44 ⁺ CD24 ⁻ FACS با استفاده از۲-۱-۴
٥١ ۲-۱-۶. کشت و پاساز سلول‌های CD44 ⁺ CD24 ⁻۲-۱-۴
٥٢ ۲-۱-۷. دیفریز کردن سلول‌های MCF-7 و MDA-MB-231۲-۱-۴
٥٢ ۲-۱-۸. پاساز و کشت سلول‌های MCF-7۲-۱-۴
٥٣ ۲-۱-۹. پاساز و کشت سلول‌های MDA-MB-231۲-۱-۴
٥٣ ۲-۱-۱۰. تست MTT۲-۱-۴
٥٤ ۲-۲-۱. روش‌های بخش مولکولی.....۲-۲-۴
٥٤ ۲-۲-۲. تخلیص RNA۲-۲-۴
٥٥ ۲-۲-۳. تخلیص miRNA۲-۲-۴
٥٦ ۲-۲-۴. الکتروفورز RNA۲-۲-۴
٥٦ ۲-۲-۴-۱. اندازه گیری RNA کل (توتال)۲-۲-۴
٥٧ ۲-۲-۴-۲. پروتوكل تیمار DNase۲-۲-۴
٥٧ ۲-۲-۴-۳. پروتوكل سنتز cDNA۲-۲-۴
٥٨ ۲-۲-۴-۴. سنتز cDNA از miRNA۲-۲-۴
٦٥ فصل سوم: نتایج و یافته‌ها۲-۲-۴

۳-۱. جداسازی سلول‌های بنیادی سرطان سینه.....	۶۶
۳-۱-۱. جداسازی سلول‌های بنیادی سرطانی توسط MACS و کشت آنها.....	۶۷
۳-۱-۱-۱. نتایج فلوسایتومتری سلول‌های جداسده توسط MACS.....	۶۸
۳-۱-۱-۲. کشت سلول‌های $CD44^+CD24^-$ حاصل از MACS.....	۶۹
۳-۱-۲. جداسازی سلول‌های بنیادی سرطانی توسط FACS و کشت آنها.....	۷۰
۳-۱-۳. بررسی درصد فنوتیپ سلولی $CD44^+CD24^-$ در رده های سلولی مرتبط با سرطان سینه و سلول‌های نرمال بافت پستان توسط فلوسایتومتری.....	۷۲
۳-۲. استخراج RNA.....	۷۴
۳-۳. cDNA سازی.....	۷۵
۳-۴. نتایج حاصل از بهینه سازی RT-PCR.....	۷۶
۳-۵. بررسی بیان ژنهای survivin و oct-4 با استفاده از Real-Time PCR.....	۷۷
۳-۵-۱. منحنی استاندارد.....	۷۸
۳-۵-۲. نتایج حاصل از real time PCR مربوط به نمونه‌های مورد آزمایش.....	۸۰
۳-۶. بررسی بیان miR-21 با استفاده از Real-Time PCR.....	۸۲
۳-۷. تأثیر curcumin و تست MTT.....	۸۴
۳-۸. تأثیر پرتوزایی بر روی سلول‌های بنیادی سرطان سینه.....	۸۷
فصل چهارم: بحث، نتیجه‌گیری و پیشنهادها.....	۹۰
۴-۱. بحث.....	۹۱
۴-۲. نتیجه‌گیری.....	۹۵
۴-۳. پیشنهادات.....	۱۰۱
فهرست منابع.....	۱۰۳
چکیده‌ی انگلیسی.....	۱۱۲

فهرست جداول

۳۸.....	جدول ۲ - ۱. مواد مورد نیاز برای تهیه بافر PBS
۳۸.....	جدول ۲ - ۲. مواد مورد نیاز برای sorting buffer
۴۳.....	جدول ۲ - ۳. ویژگی های پرایمرهای ژن β -actin
۴۴.....	جدول ۲ - ۴. ویژگی های مربوط به پرایمرهای ژن oct-4
۴۴.....	جدول ۲ - ۵. ویژگی های پرایمرهای مربوط به ژن survivin
۵۹.....	جدول ۲ - ۶. مواد لازم جهت سنتز cDNA از miRNA
۶۱.....	جدول ۲ - ۷. مقدار مواد مورد نیاز برای واکنش PCR ژن بتا اکتین
۶۱.....	جدول ۲ - ۸. مقدار مواد مورد نیاز برای واکنش PCR ژن oct-4
۶۲.....	جدول ۲ - ۹. مقدار مواد مورد نیاز برای واکنش PCR ژن survivin
۶۳.....	جدول ۲ - ۱۰. مقدار مواد لازم جهت واکنش PCR مربوط به cDNA حاصل از miRNA

فهرست نمودارها

نمودار ^۳ -۱. روند رشد جمعیت سلولی CD44 ⁺ CD24 ⁻ تا هفته‌ی چهارم پس از خالص‌سازی در هر چاهک.....	۷۰
نمودار ^۳ -۲. روند رشد جمعیت سلولی CD44 ⁺ CD24 ⁻ تا هفته‌ی چهارم پس از خالص‌سازی در هر چاهک.....	۷۲
نمودار ^۳ -۳. مقایسه‌ی جمعیت سلولی CD44 ⁺ CD24 ⁻ در گروه‌های سلولی کنترل و سلول‌های توموری جدا شده توسط روش‌های FACS و MACS.....	۷۴
نمودار ^۳ -۴. مقایسه‌ی نسبت بیان ژن survivin در گروه‌های مختلف سلولی.....	۸۱
نمودار ^۳ -۵. مقایسه‌ی نسبت بیان ژن oct4 در گروه‌های مختلف سلولی.....	۸۲
نمودار ^۳ -۶. مقایسه‌ی بیان miR-21 در گروه‌های سلولی مختلف.....	۸۴
نمودار ^۳ -۷. نتایج تست MTT حاصل از تأثیرغاظت‌های مختلف کورکومین بر سلول‌های بنیادی سرطان سینه در زمان‌های مختلف.....	۸۶
نمودار ^۳ -۸ نتایج تست MTT حاصل از تأثیر غاظت‌های مختلف کورکومین بر سلول‌های رده‌ی سلولی MDA-MB-231 در زمان‌ها مختلف.....	۸۶
نمودار ^۳ -۹. نتایج تست MTT حاصل از تأثیر غاظت‌های مختلف کورکومین بر روی سلول‌های رده‌ی سلولی MCF-7 در زمان‌های مختلف.....	۸۷
نمودار ^۳ -۱۰. درصد سلول‌های زنده در زمان صفر پس از پرتودهی.....	۸۸
نمودار ^۳ -۱۱. درصد سلول‌های زنده پس از گذشت ۴۸ ساعت از پرتودهی.....	۸۹
نمودار ^۳ -۱۲. درصد سلول‌های زنده پس از گذشت ۷۲ ساعت از پرتودهی.....	۸۹

فهرست شکل‌ها

شکل ۱-۱. شکل ساده‌ای از نقش سلول‌های بنیادی در تکامل پستان نرمال و تومورزاوی.....	۸
شکل ۱-۲. مقایسه‌ی پیدایش و مکانیسم عمل siRNA و miRNA بین ژنی (اگزونی) و miRNA اینترونی.....	۲۲
شکل ۱-۳. شمای کلی برای روش TaqMan miRNA PCR.....	۲۴
شکل ۱-۴. طرح کلی از سیستم miRCURY LNA microRNA PCR.....	۲۶
شکل ۱-۵. اثر مهاری کورکومین بر روی سرطان‌های مختلف.....	۲۸
شکل ۲-۱. تصویری از باندهای Ladder روی ژل آگارز.....	۴۶
شکل ۲-۲. تصویری از ستون‌های جداسازی متعلق به شرکت Miltenyi Biotech.....	۴۹
شکل ۲-۳. تغییر درصد جمعیت سلولی CD44 ⁺ CD24 ⁻ قبل و بعد از جداسازی توسط MACS.....	۶۸
شکل ۲-۴. تفاوت در گوناگونی سلول‌های جدا شده از بافت تومور سینه قبل و بعد از انجام MACS.....	۶۹
شکل ۳-۱. نتایج مربوط به جداسازی جمعیت سلولی CD44 ⁺ CD24 ⁻ توسط FACS.....	۷۱
شکل ۳-۲. رشد سلول‌های CD44 ⁺ CD24 ⁻ به عنوان مموسفیر در محیط کشت اختصاصی mammoCult.....	۷۲
شکل ۳-۳. مقایسه‌ی درصد CD44 ⁺ CD24 ⁻ در گروه‌های سلولی مختلف.....	۷۳
شکل ۳-۴. RNA تخلیص شده روی ژل آگارز.....	۷۵
شکل ۳-۵. وجود باند ۱۳۱ جفت بازی بتا-اکتین نشان‌دهنده‌ی وجود cDNA می‌باشد.....	۷۶
شکل ۳-۶. منحنی melting PCR برای محصول حاصل از پرایمرهای miR-191.....	۷۶
شکل ۳-۷. تصویری از بهینه سازی شرایط PCR برای ژن survivin.....	۷۷
شکل ۳-۸. تصویری از بهینه سازی شرایط PCR برای ژن oct-4.....	۷۷
شکل ۳-۹. نتایج مربوط به real-time PCR ژن بتا-اکتین.....	۸۰

- شكل ۱۲-۳. نتایج مربوط به real-time PCR ژن survivin (A) فواصل منظم نشان‌دهنده رابطه Ct با مقدار الگو اولیه است ۷۹
- شكل ۱۳-۳. نتایج مربوط به real-time PCR ژن oct-4 ۸۰
- شكل ۱۴-۳. نتایج real-time PCR مربوط به miR-191 ۸۳
- شكل ۱۵-۳. نتایج real-time PCR مربوط به miR-21 ۸۳



مقدمه و
مروری بر مطالعات گذشته

۱-۱. سلول های بنیادی سرطانی^۱

۱-۱-۱. تاریخچهی سلول های بنیادی سرطانی

ایدهی سلول های بنیادی سرطانی بر می گردد به دههی ۱۹۵۰ هنگامی که مطالعات، سلول های بنیادی را در سرطان ژرمینال (تراتوکارسینوما) مشخص کرد. گرین^۲ نشان داد که بافت جنینی یا بافت سرطانی در نواحی دارای ایمنی موش رشد می کنند در حالی که بافت نرمال نمی تواند رشد کند [۱]. مطالعات رقیقسازی نشان داد که سلول های آغازگر تومور^۳ با فراوانی $1/30$ تا $1/1000$ یافت می شوند. این نتایج مشابه تعداد سلول هایی است که در شیمی درمانی باقی می ماند. چندی بعد سالمون^۴ و همکارانش یافتند که در آدنوکارسینوما نسبت سلول های آغازگر تومور به سلول های نرمال توموری بین $1/1000$ تا $1/100000$ می باشد [۲]. همچنین این سلول ها می توانند در آگار کلونی تشکیل دهند [۳].

۱-۱-۲. نظریه های شکل گیری سرطان

قبل از بحث دربارهی نظریه های شکل گیری سرطان، مهم است که دربارهی انواع جهش هایی که نیاز است تا در یک سلول نرمال رخ دهد در راستای این که یک سلول سرطانی شود صحبت کنیم. این موارد غالباً شامل مکانیسم هایی برای سلول هستند تا بتوانند از آپوپتوز فرار کند، بسی نیاز از علامت های رشد باشد، پتانسیل تقسیم نامحدود داشته باشد، رگ سازی را تقویت کند و متاستاز انجام

^۱ Cancer Stem Cells

^۲ Green

^۳ Tumor initiating cells

^۴ Salmon

دهد[۴]. یک سلول باید این صفات را داشته باشد تا بتواند سرطانی شود. معمولاً این اتفاق هنگامی رخ می‌دهد که تنظیمات مسیرهای علامت‌دهی مرتبط با عمل سلول به هم می‌خورد[۴].

۱-۲-۱. نظریه‌ی اتفاقی^۱

در مدل قدیمی ایجاد سرطان (بیشتر اوقات مدل اتفاقی خوانده می‌شود)، سرطان بر اساس سریالی از جهش‌ها ایجاد می‌شود که خود توسط عوامل محیطی و دیگر عوامل به وجود می‌آیند و باعث ناپایداری ژنتیکی می‌گردند[۵]. این مدل توضیح می‌دهد که جهش‌ها می‌توانند در هر سلولی رخ دهنده و سلول به دلیل تغییر ژنتیکی ایجاد شده، ترانسفورمه نامیده می‌شود[۶]. همچنین این مدل توضیح می‌دهد که تومور به طور نسبی همگن است و مسیرهایی در همه‌ی سلول‌ها وجود دارند که می‌توانند سلول را به سمت سرطانی شدن پیش ببرند. بنابراین مشکل بتوان سلولی را که دقیقاً منشأ به وجود آمدن یک سرطان خاص است شناسایی کرد زیرا در واقع برای هر سلول در یک تومور خاص احتمال یکسانی وجود دارد که منشأ آن تومور باشند.

مدل دیگری که وابسته به مدل اتفاقی است، مدل تکامل کلونی^۲ می‌باشد. در این مدل، سلول‌های خاصی فرصت نجات می‌یابند (به دلیل جهش‌ها). این سلول‌ها انتخاب خواهند شد و نجات خواهند یافت در حالی که سلول‌های عادی می‌میرند. سلول‌های جهش یافته، سلول‌های دختر را تولید می‌کنند که منجر به رشد تومور می‌شوند. ناهمگن بودن تومور به دلیل تمایز نابجا، نوسان اپی‌ژنتیکی و اختلاف در ریز محیط‌هاست.

ولی مدل اتفاقی نمی‌تواند بعضی از جنبه‌های تومورها را توضیح دهد. ۱) جهش‌های بسیاری لازم است تا یک سلول را ترانسفورم کند و این قضیه نیاز به زمانی بیشتر از دوره‌ی زندگی یک سلول عادی دارد. ۲) اگر تومور از یک سلول ترانسفورم شده ایجاد شده باشد، سرطان‌ها باید همگن باشند. ولی به خوبی مشخص شده است که تومورهای سینه بسیار ناهمگن می‌باشند. ۳) با وجود درمانی که

¹ Stochastic model

² Clonal evolution

تومور را کاملاً از بین برده باشد سرطان‌ها می‌توانند عود کنند. این دلالت دارد بر این که سلول‌های سرطانی بسیار تومورزا می‌توانند از مرگ بر اثر شیمی‌درمانی و رادیو درمانی فرار کنند. این سلول‌ها می‌توانند بعدتر تکثیر پیدا کنند و باعث عود یا متاستاز شوند. همان‌طور که در پایین بحث می‌شود، نظریه‌ی سلول‌های بنیادی سرطانی به وجود آمد تا این مطالب را توضیح دهد.

۱-۲-۲. مدل سلسله مراتبی^۱

مدل دیگر برای رشد تومور مدل سلول‌های بنیادی سرطانی است که به عنوان مدل سلسله مراتبی نیز خوانده می‌شود. این مدل بیان می‌کند که زیرمجموعه‌ای از سلول‌های توموری که CSC‌ها خوانده می‌شوند، ممکن است که مسئول آغاز و عود سرطان باشند^[۷]. این سلول‌ها می‌توانند خود را تجدید کنند و تمایز یابند که به این دلیل می‌توانند مسئول ناهمگن بودن تومور نیز باشند. خود تجدید کردن^۲ بنا به تعریف عبارت است از توانایی تولید رونوشت عین یک سلول که قدرت یکسانی را در تکثیر شدن، تمایز و توسعه یافتن در مقایسه با سلول والد دارد^[۸]. سلول‌های اجدادی^۳ یا سلول‌های كامل تمایز یافته در تومور این توانایی را ندارند. CSC‌ها ویژگی‌های متعدد دیگری را نسبت به سلول‌های بافت نرمال نشان می‌دهند که شامل تکثیر نامحدود، تقسیم آهسته، و تولید سلول‌های دختری که دستخوش تمایزهای متفاوتی می‌شوند، می‌باشد. سلول‌های دختری توده‌ی توموری را می‌سازند و غیر تومورزا می‌باشند در حالی که سلول‌های بنیادی سرطانی تومورزا هستند و یک بخش کوچکی از تومور را تشکیل می‌دهند. CSC‌ها هم‌چنین توانایی تکثیر نامحدود دارند. فرض بر این است که این سلول‌ها می‌توانند از کشته شدن در برابر روش‌های درمانی معمول به وسیله‌ی برخی خواصی که سلول‌های بنیادی نرمال را در برابر این عوامل حفظ می‌کند، فرار کنند. به عنوان مثال درمان‌های متداول بیشتر اوقات رشد سریع سلول‌ها را هدف قرار می‌دهند؛ اما در مورد CSC‌ها، مانند سلول‌های بنیادی نرمال این باور وجود دارد که به آهستگی تقسیم می‌شوند و حتی می‌توانند به فاز

¹ Hierarchical model

² Self-renewal

³ Progenitor cells