

بِسْمِ اللَّهِ الرَّحْمَنِ الرَّحِيمِ



دانشگاه صنعتی اصفهان
دانشکده کشاورزی

استفاده از DNA کلروپلاستی در بررسی روابط فیلوژنتیک جنس پسته

پایان نامه کارشناسی ارشد بیوتکنولوژی

مریم زمانی

اساتید راهنما
دکتر بدرالدین ابراهیم سید طباطبایی
دکتر مجید طالبی



دانشگاه صنعتی اصفهان
دانشکده کشاورزی

پایان نامه کارشناسی ارشد رشته بیوتکنولوژی خانم مریم زمانی
تحت عنوان

استفاده از DNA کلروپلاستی در بررسی روابط فیلوژنتیک جنس پسته

در تاریخ ۸/۱۲/۸۹ توسط کمیته تخصصی زیر مورد بررسی و تصویب نهایی قرار گرفت.

- | | |
|------------------------------------|-------------------------------|
| دکتر بدرالدین ابراهیم سید طباطبایی | ۱- استاد راهنمای پایان نامه |
| دکتر مجید طالبی | ۲- استاد راهنمای پایان نامه |
| دکتر مسعود بهار | ۳- استاد داور |
| دکتر احد یامچی | ۴- استاد داور |
| دکتر احمد ریاسی | سرپرست تحصیلات تکمیلی دانشکده |

شکر و قدردانی

خداوند مهربان را شاکرم که مرا نیروبخشید تا نکارش پایان نامه پیش رو را به اتمام برسانم. اکنون که توانستم مرحله دیگری از تحصیلات خود را با موفقیت به اتمام رسانم، بر خود لازم می دانم کمال تقدیر و تشکر خود را در انظار گسائی کنم که در این مسیر پرفراز و نشیب سخطه ای از راهنایی، پشتیبانی و تشویق من دریغ نکردند.

از خانواده عزیزم که از کودکی، شور دانش و لذت کشف و جستجو را در من بیدار کردند، استقامت در تلاش را به من آموختند و در تمام این سال با ما فراهم کردن آرامش فکری و آسایش روحی، بسیاری دشواری ها را بر من آسان نمودند، با تمام وجود قدردانم.

از اساتید بربهارم، آقای دکتر طباطبائی و آقای دکتر طالبی، که تمام روزهایی که تحت نظارت ایشان مشغول به کار بودم سرشار از آموختن توان علم و اخلاق بود، نهایت تشکر را دارم. از اساتید ارجمند، آقای دکتر بهار و آقای دکتر ماسچی که زحمات بازنواری و داوری این پایان نامه را مستقبل شدند، کمال قدردانی را دارم. از اساتید گروه بیوتکنولوژی، آقایان دکتر مفید، دکتر بهرام شریف نبی، دکتر آقا فخر میرلوحی و دکتر قبادی و خانم دکتر نیلی که در محضرشان کسب علم نمودم، پاسکزاری می نمایم.

از کارشناسان محترم آزمایشگاههای بیوتکنولوژی و بیماری شناسی، آقای مهندس محمدی و آقای مهندس اخوان صمیمانه تشکر می کنم. از پرسنل زحمکش آزمایشگاههای بیوتکنولوژی و بیماری شناسی کبابی قدردانی می نمایم.

در پایان از تمامی همکلاسی ها و دوستان بسیار خوبم در طول این مقطع تحصیلی، آقایان علویان، گل محمدی، عباسیان و عرب نژاد و خانم ها سلیمی، مهتاب درخشان، خاکسار، افاضل، محب محمدی، محبوبه کاظمی، حاجی احمدی، اسلام پناه، قسبری، پرورش، پاپزن و محمدی نژاد پاسکزارم. برای بگی آرزوی موفقیت روزافزون و شادکامی می کنم.

مریم زمانی

اسفند ۸۹

تقدیم به:

پدر بزرگوارم

به همت والائی او، که بزرگواریش تکیه گاهم شد تا ایستادن ریایموزم که مهرش بی ریا و عتقش ستودنی است.

مادر مهربانم

سرچشمه بی ریای مهربانی، فداکاری و از خودگذشتگی او که صبر، پایداری، گذشت و فداکاری، چگونه زندگی کردن و ایستادگی در تنگنای زندگی را به من آموخت.

فهرست مطالب

عنوان	صفحه
فهرست مطالب	هشت
چکیده	۱

فصل اول: مقدمه و بررسی منابع

۱-۱- اهمیت و اهداف:	۲
۲-۱- گیاهشناسی پسته:	۴
۱-۲-۱- پسته، <i>Pistacia vera</i> L.:	۵
۲-۲-۱- گونه خنجوک <i>Pistacia khinjuk</i> Stocks.	۷
۳-۲-۱- گونه لنتیسکوس <i>Pistacia lentiscus</i> L.	۸
۴-۲-۱- گونه آتلانتیکا <i>Pistacia atlantica</i>	۹
۵-۲-۱- گونه اینتگریمما <i>Pistacia integerrima</i> Stewart.	۹
۶-۲-۱- گونه پالائستینا <i>Pistacia palaestina</i> Boiss.	۱۰
۳-۱- تاریخچه و گسترش جغرافیایی پسته	۱۱
۴-۱- مطالعه روابط فیلوژنی پسته با استفاده از نشانگرهای مولکولی	۱۲
۵-۱- کلروپلاست	۱۴
۶-۱- ژنوم کلروپلاست	۱۵
۷-۱- فاصله بین ژنی <i>trnC-trnD</i>	۲۰
۸-۱- فاصله بین ژنی <i>atpB-rbcL</i>	۲۰
۹-۱- مطالعات فیلوژنتیکی کلروپلاست	۲۱

فصل دوم: مواد و روش ها

۱-۲- جمع آوری و نگهداری نمونه های گیاهی	۲۴
۲-۲- شناسایی جایگاههای برشی در نمونه های پسته	۲۶
۳-۲- استخراج DNA ژنومی	۲۶

۲۷	۱-۳-۲- استخراج DNA از برگ پسته.....
۲۷	۲-۳-۲- استخراج DNA از مغز پسته.....
۲۸	۴-۲- تعیین کمیت و کیفیت DNA با استفاده از ژل آگارز.....
۲۸	۵-۲- تکثیر قطعات انتخاب شده.....
۲۹	۶-۲- بررسی محصول PCR به وسیله الکتروفورز ژل آگارز.....
۲۹	۷-۲- همسانه سازی.....
۲۹	۱-۷-۲- واکنش اتصال (Ligation).....
۳۰	۲-۷-۲- انتقال پلاسمیدهای نوترکیب به درون باکتری.....
۳۵	۸-۲- غربال گری سریع.....
۳۶	۹-۲- انجام واکنش PCR برای شناسایی همسانه های حاوی قطعه مورد نظر.....
۳۶	۱۰-۲- استخراج پلاسمید از همسانه های تأیید شده با Colony PCR.....
۳۸	۱۱-۲- واکنش هضم (Digestion).....
۳۸	۱۲-۲- کشت باکتری ها جهت توالی یابی.....
۳۸	۱۳-۲- تجزیه و تحلیل داده ها.....

فصل سوم: نتایج و بحث

۴۰	۱-۳- استخراج DNA ژنومی.....
۴۱	۲-۳- شناسایی جایگاههای برشی در نمونه های پسته.....
۴۱	۳-۳- واکنش PCR.....
۴۳	۴-۳- همسانه سازی.....
۴۳	۱-۴-۳- واکنش اتصال.....
۴۴	۲-۴-۳- انتقال پلاسمیدهای نوترکیب به درون باکتری.....
۴۵	۵-۳- تأیید وجود قطعات مورد نظر در پلاسمید و باکتری.....
۴۵	۱-۵-۳- غربال گری سریع.....
۴۵	۲-۵-۳- تأیید از طریق واکنش زنجیره ای پلی مرز (Colony PCR).....
۴۷	۳-۵-۳- تأیید از طریق برش آنزیمی.....
۴۹	۶-۳- نتایج حاصل از توالی یابی قطعات همسانه سازی شده.....

۳-۷- تجزیه و تحلیل فیلوژنتیکی ۵۳

۳-۷-۱- مجموعه داده کل ۵۳

۳-۷-۲- مجموعه داده هر یک از فواصل ژنی ۵۸

فصل چهارم: نتیجه گیری و پیشنهادها

۴-۱- نتیجه گیری کلی ۶۶

۴-۲- پیشنهاد ها ۶۸

منابع ۶۹

فهرست اشکال

عنوان.....	صفحه.....
شکل ۱-۱- نحوه پراکنش گونه‌های پسته در جهان.....	۵
شکل ۱-۲- <i>Pistacia vera</i> L.: شاخه میوه دهنده پسته وحشی.....	۶
شکل ۱-۳- <i>Pistacia khinjuk</i> Stocks.: شاخه میوه دهنده.....	۸
شکل ۱-۴- <i>Pistacia atlantica</i> Desf.: شاخه میوه دهنده.....	۱۰
شکل ۱-۵- <i>Pistacia palaestina</i> Boiss.: شاخه میوه دهنده.....	۸
شکل ۱-۶- ساختار کلی ژنوم کلروپلاست <i>Nicotiana tabacum</i>	۱۷
شکل ۱-۷- سازماندهی ناحیه <i>trnC-trnD</i> همراه با آغازگرهای طراحی شده برای گیاهان گلدار.....	۲۰
شکل ۱-۳- استخراج DNA از برگ پسته.....	۴۱
شکل ۲-۳- اسامی آغازگرها روی ناحیه <i>trnC-trnD</i>	۴۲
شکل ۳-۳- نقوش الکتروفورزی محصولات PCR.....	۴۲
شکل ۳-۴- ساختار ناقل pTZ57R/T.....	۴۳
شکل ۳-۵- باکتری های نو ترکیب <i>E. coli</i> MC1061 رشد یافته بر روی محیط کشت آمبی سیلین.....	۴۵
شکل ۳-۶- غربال سازی همسانه‌ها با استفاده از تکنیک غربال گری سریع.....	۴۶
شکل ۳-۷- نقوش الکتروفورزی محصولات Colony PCR.....	۴۶
شکل ۳-۸- بررسی کیفیت استخراج پلاسمید.....	۴۷
شکل ۳-۹- نقوش الکتروفورزی پلاسمیدهای هضم شده با آنزیم‌های برشی <i>PstI</i> و <i>EcoRI</i>	۴۸
شکل ۳-۱۰- محل برش آنزیم‌های <i>PstI</i> و <i>EcoRI</i> روی قطعه حاصل از جفت آغازگر petN1-psbM2R.....	۴۸
شکل ۳-۱۱- نقوش الکتروفورزی پلاسمیدهای هضم شده با آنزیم‌های برشی <i>PstI</i> و <i>EcoRI</i> که واجد قطعه تکثیری توسط جفت آغازگر petN1-psbM2R می‌باشند.....	۴۹
شکل ۳-۱۲- مقایسه توالی ناحیه <i>trnC-trnD</i> با توالی‌های موجود در GeneBank.....	۵۰
شکل ۳-۱۳- مقایسه توالی ناحیه <i>atpB-rbcL</i> با توالی‌های موجود در GeneBank.....	۵۰
شکل ۳-۱۴- هم‌ردیف سازی قسمتی از توالی ناحیه <i>trnC-trnD</i>	۵۱
شکل ۳-۱۵- توالی‌های ریزماهوره‌ای در ناحیه <i>psbM-trnD</i>	۵۲
شکل ۳-۱۶- توالی ریزماهوره‌ای در ناحیه <i>petN-psbM</i>	۵۳

- شکل ۳-۱۷- دندروگرام مربوط به روابط ژنتیکی ژنوتیپ‌های پسته ایرانی و خارجی براساس ترکیب مجموع داده نواحی بین ژنی *trnC-trnD* و *atpB-rbcL*، با استفاده از ضریب تشابه Maximum composite Likelihood ۵۴
- شکل ۳-۱۸- دندروگرام شعاعی مربوط به روابط ژنتیکی ژنوتیپ‌های پسته ایرانی و خارجی براساس ترکیب مجموع داده نواحی بین ژنی *trnC-trnD* و *atpB-rbcL* ۵۶
- شکل ۳-۱۹- تقسیم‌بندی مورفولوژیکی گونه‌های پسته توسط زهری ۵۸
- شکل ۳-۲۰- دندروگرام مربوط به روابط ژنتیکی ژنوتیپ‌های پسته ایرانی و خارجی براساس ترکیب مجموع داده ناحیه بین ژنی *atpB-rbcL* ۶۰
- شکل ۳-۲۱- دندروگرام مربوط به روابط ژنتیکی ژنوتیپ‌های پسته ایرانی و خارجی براساس ترکیب مجموع داده نواحی بین ژنی *psbM-trnD* ۶۰
- شکل ۳-۲۲- دندروگرام مربوط به روابط ژنتیکی ژنوتیپ‌های پسته براساس مجموعه داده ناحیه بین ژنی *trnC-petN* ۶۱
- شکل ۳-۲۳- دندروگرام مربوط به روابط ژنتیکی ژنوتیپ‌های پسته براساس مجموعه داده ناحیه بین ژنی *petN-psbM* ۶۲
- شکل ۳-۲۴- دندروگرام مربوط به روابط ژنتیکی ژنوتیپ‌های پسته براساس مجموعه داده ناحیه بین ژنی *trnC-psbM* ۶۳
- شکل ۳-۲۵- دندروگرام مربوط به روابط ژنتیکی ژنوتیپ‌های پسته براساس مجموعه داده ناحیه بین ژنی *petN-trnD* ۶۳
- شکل ۳-۲۶- دندروگرام مربوط به روابط ژنتیکی ژنوتیپ‌های پسته ایرانی و خارجی براساس ترکیب مجموع داده نواحی بین ژنی *trnC-petN* و *psbM-trnD* ۶۴
- شکل ۳-۲۷- دندروگرام مربوط به روابط ژنتیکی ژنوتیپ‌های پسته ایرانی و خارجی براساس مجموعه داده ناحیه بین ژنی *trnC-trnD* ۶۵

فهرست جداول

عنوان.....	صفحه.....
جدول ۱-۲- مشخصات ژنوتیپ‌های پسته مورد استفاده در بررسی روابط ژنتیکی.....	۲۵.....
جدول ۲-۲- مواد و مقادیر مورد نیاز در واکنش PCR.....	۲۸.....
جدول ۳-۲- مشخصات آغازگرهای مورد استفاده.....	۲۹.....
جدول ۴-۲- مواد لازم و مقدار هر یک از آنها برای واکنش اتصال.....	۳۰.....
جدول ۵-۲- مواد لازم جهت تهیه بافر SOC.....	۳۳.....
جدول ۶-۲- مواد و مقادیر مورد نیاز در Colony PCR.....	۳۶.....
جدول ۷-۲- مواد و مقادیر لازم برای واکنش برش آنزیمی.....	۳۸.....
جدول ۱-۳- مشخصات توالی‌ها.....	۵۱.....
جدول ۲-۳- تعداد اختلافات تک نوکلئوتیدی بین ژنوتیپ‌های پسته مورد مطالعه.....	۵۷.....

چکیده

پسته یکی از گیاهان باغی مهم و اقتصادی است که تولید آن در کشور سابقه تاریخی و طولانی دارد. با توجه به معرفی ایران به عنوان یکی از مراکز تنوع و پیدایش این گیاه و اهمیت اقتصادی آن، همچنین ابهاماتی که در مورد موقعیت دقیق برخی ژنوتیپ‌های وحشی پسته ایران و نقش آنها در روند تکاملی گونه‌های جنس پسته وجود دارد، تعیین روابط خویشاوندی ژنوتیپ‌های مختلف پسته ضروری به نظر می‌رسد تا بتوان از این اطلاعات در تصمیم‌گیری برای برنامه‌های اصلاحی پسته استفاده کرد. ژنوم کلروپلاستی به دلیل حفاظت شدگی در اندازه، ساختار و محتوای ژنی برای بررسی روندهای تکاملی در سطوح مختلف تاکسونومیکی مناسب می‌باشد. بنابراین در این پژوهش به منظور بررسی روابط تکاملی و خویشاوندی گونه‌های پسته ایران، از دو ناحیه غیر کد شونده کلروپلاستی *trnC-trnD* و *atpB-rbcL* استفاده گردید. نواحی کلروپلاستی مورد بررسی با جفت آغازگرهای اختصاصی تکثیر گردید و محصولات PCR همسانه‌سازی و توالی‌یابی شدند. در بررسی ناحیه *trnC-trnD*، سه ناحیه ریزماهورای شناسایی شد که طراحی آغازگر از نواحی اطراف آن می‌تواند منجر به معرفی نشانگر ریزماهوره کلروپلاستی در گونه‌های پسته گردد. براساس مجموعه داده حاصل از دو ناحیه *atpB-rbcL* و *trnC-trnD*، ژنوتیپ‌های وحشی جنس پسته از گونه *P. vera* تفکیک شدند و ارقام اهلی ایرانی، سوریه‌ای، آمریکایی و ترکیه‌ای در یک گروه قرار گرفتند. ارتباط نزدیک ژنوتیپ‌های اهلی خارجی با ارقام تجاری ایرانی و همچنین خویشاوندی ژنتیکی نزدیک آنها به ژنوتیپ وحشی سرخس در دندروگرام به دست آمده، علاوه بر تأیید سرخس به عنوان یک ژنوتیپ تأثیرگذار در روند تکاملی پسته‌های اهلی، فرضیه معرفی ایران به عنوان یکی از مراکز تنوع پسته و خاستگاه احتمالی این گیاه را تقویت می‌نماید. در این تحقیق، ژنوتیپ بنه به پسته خنجوک ارتباط ژنتیکی نزدیک‌تری نسبت به *P. vera* نشان داد. نتایج به دست آمده نشان داد که ناحیه *trnC-trnD* توانایی بیشتری در تفکیک گونه‌های پسته از یکدیگر نسبت به ناحیه *atpB-rbcL* دارد و می‌توان از آن برای تعیین روابط خویشاوندی گونه‌های پسته استفاده کرد.

کلمات کلیدی: پسته، *P. vera*، فیلوژنی، کلروپلاست، *atpB-rbcL trnC-trnD*

فصل اول

مقدمه

۱-۱- اهمیت و اهداف

پسته بعنوان یکی از مهمترین محصولات باغی و اقلام صادراتی کشور به لحاظ ارزش آوری، از اهمیت اقتصادی و تجاری ویژه‌ای برخوردار است. اهمیت پسته نه تنها به عنوان منبع دائمی تهیه ارز، بلکه به لحاظ محدودیت مناطق پسته‌خیز در دنیا است که امکان رقابت با این محصول خیلی کمتر از سایر محصولات کشاورزی می‌باشد و به جرأت می‌توان گفت که کیفیت پسته ایران در میان تعداد قلیل کشورهای تولید کننده پسته در جهان بی‌نظیر است [۹]. در حال حاضر ایران با صدور بیش از ۴۵۰ تن مغز پسته در سال، موقعیت ممتازی در مبادلات بازرگانی این محصول در دنیا دارد [۲۲ و ۴۶]. علی‌رغم سابقه طولانی کشت پسته در ایران، توسعه کشت این محصول از نیم قرن گذشته مورد توجه قرار گرفته است که از دلایل اصلی آن می‌توان به بالا رفتن ارزش اقتصادی پسته، صادرات آن و نیز آشنایی با خصوصیات مطلوب این گیاه از نظر سازگاری با شرایط نامساعد محیطی از جمله شوری آب و خاک، مقاومت به خشکی و کم‌آبی اشاره نمود که بنا به دلایل مذکور پسته برای کشت در بسیاری از مناطق کویری و خشک قابل توصیه است [۶].

ایران دارای غنی‌ترین ذخایر ژنتیکی پسته در جهان می‌باشد و به این سبب تنوع و تعداد ارقام پسته ایران در جهان بی‌نظیر است [۹]. با این وجود ژنوتیپ‌های پسته ایرانی شجره نامشخصی داشته و احتمالاً برخی از آنها از نامهای مشابه در مناطق مختلف پسته‌خیز کشور برخوردارند و تعدادی نیز پس از انتقال به مناطق دیگر تغییر نام داده‌اند. در واقع اینگونه به نظر می‌رسد که اطلاعات دقیقی از تنوع ژنتیکی ژنوتیپ‌های پسته ایرانی و میزان خویشاوندی و روابط ژنتیکی بین آنها در دست نیست [۷]. از سوی دیگر شناخت بهتر روابط فیلوژنی برای اصلاح کردن گیاهان و یا مطالعات ژنتیکی یک نیاز است [۴۲].

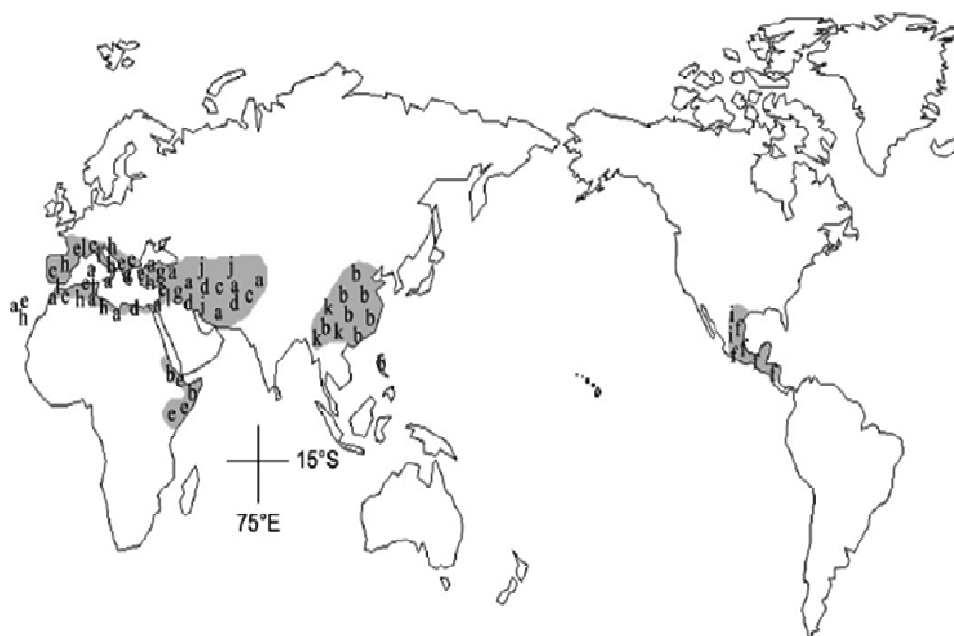
در مطالعات اولیه انجام شده بر روی تعداد زیادی از ژنوتیپ‌های نگهداری شده در کلکسیون موسسه تحقیقات پسته کشور، از نشانگرهای RAPD و AFLP استفاده شد که علیرغم ارائه دسته‌بندیهای متفاوت، نتایج حاصله نشان‌دهنده شباهت ژنتیکی زیاد ژنوتیپ‌های ایرانی به یکدیگر است [۹]. بنابراین به منظور ارزیابی بهتر ژنوتیپ‌های پسته ایرانی از نشانگرهای SSR استفاده گردید. در اولین مطالعه با این نشانگرها، یکی از آغازگرها توانست گونه *Pistacia atlantica* subsp. *Mutica* (بنه) را به طور مشخصی از گونه *P. vera* جدا کند [۱]. در تحقیق دیگری براساس نتایج به دست آمده از شناسایی و کاربرد ریز ماهواره پسته خنجوک در تعیین تنوع ژنتیکی ارقام و گونه‌های پسته در ایران، پسته وحشی سرخس به عنوان یکی از ژنوتیپ‌های تأثیرگذار در روند تکاملی پسته پیشنهاد شد [۸]. همچنین در مطالعه‌ای دیگر ژنوتیپ‌های اهلی و وحشی پسته به خوبی از یکدیگر جدا شده و در گروه‌هایی مجزا قرار گرفتند، در ضمن ژنوتیپ‌های وحشی سرخس ارتباط نزدیکی را با انواع اهلی نشان دادند که مبین این واقعیت بود که احتمالاً ژنوتیپ‌های وحشی سرخس در روند تکاملی ژنوتیپ‌های اهلی تأثیر گذارند [۵]. بر این اساس و به منظور اطمینان بیشتر از این رابطه تکاملی نیاز به ژنومی است که علاوه بر حفاظت‌شدگی بیشتر، بهتر بتواند روند تکاملی این ژنوتیپ‌ها را تبیین کند.

ژنوم کلروپلاست حفاظت شده‌ترین ژنوم شناخته شده براساس اندازه، سازماندهی و توالی می‌باشد [۴۰]. اندازه ژنوم کوچک و عناصر تکراری در آن محدود است. همچنین میزان جایگزینی نوکلئوتیدی در ژنوم کلروپلاست نسبتاً آهسته‌تر از ژنوم هسته‌ای می‌باشد که در نتیجه مورد مناسبی را برای مطالعه فیلوژنی گیاهان در عمیق‌ترین سطح تکامل مهیا می‌کند [۱۵ و ۵۸]. بنابراین بسیاری از مطالعات فیلوژنتیکی مولکولی صورت گرفته در مورد گیاهان گلدار بر اساس یک یا چند ژن از کلروپلاست، میتوکندری و یا ژن‌های هسته‌ای بوده است [۸]. بسیاری از مطالعات اولیه فیلوژنتیکی با استفاده از DNA کلروپلاستی گیاهان بر روی ژن‌های رمزکننده پروتئین مانند *rbcL* متمرکز بوده و برای روشن نمودن روابط فیلوژنتیکی در سطوح

بالای طبقه‌بندی طراحی شده بودند. سپس پتانسیل استفاده از نواحی غیر کد کننده ژنوم کلروپلاستی برای مطالعات سطوح پایین تر (بین جنسی، بین گونه‌ای و درون گونه‌ای) شناخته شد [۵۷]. نواحی غیر کد کننده مانند ایترون‌ها و فواصل بین ژنی اغلب تنوع بیشتری در هر جایگاه بازی نسبت به نواحی کد کننده دارند که احتمالاً به دلیل محدودیت عملکردی کمتر می‌باشد. در سیستماتیک نهاندانگان، کاربرد نواحی غیر کد کننده کلروپلاستی برای مطالعات فیلوژنتیکی در سطوح پایین به صورت رایج می‌باشد. تعداد زیادی از نواحی غیر کد کننده مختلف ژنوم کلروپلاستی در نهاندانگان بررسی شده است که تعدادی از آن‌ها تغییر پذیری بالایی را نشان دادند در حالی که بقیه تنوع کمتری داشتند [۲۰]. در نتیجه با توجه به مزایای استفاده از نواحی غیر کد کننده در مطالعات فیلوژنتیکی، در بررسی حاضر از دو ناحیه *trnC* و *trnD* که میزان متوسطی از تنوع را نشان داده‌اند در مطالعه روابط فیلوژنی پسته‌های ایران استفاده شد.

۱-۲- گیاه شناسی پسته

جنس پسته متعلق به خانواده Anacardiaceae از راسته Sapindales [۶]، عمدتاً یک جنس نیمه گرمسیری با درختان و درختچه‌های دو پایه بوده که با باد گرده افشانی می‌شوند. در کاملترین مطالعه تاکنون میکی که بر اساس خصوصیات ظاهری میوه و برگ انجام شده است، جنس پسته به ۱۱ گونه در چهار بخش تقسیم شده است. بخش *Lentiscella*، که گونه‌های *P. mexicana* HBK و *P. texana* Swingle را دربر گرفته است. بخش *Eu-Lentiscus* که گونه‌های *P. lentiscus* L و *P. weinmannifolia* Poisson و *P. saportae* Burnat را شامل می‌شود. در بخش *Butmela* فقط گونه *P. atlantica* Desf قرار دارد و همچنین بخش *Eu-Terebinthus* شامل گونه‌های *P. vera* L، *P. chinensis* Stocks، *P. palaestina* Boiss، *P. terebinthus* L و *P. chinensis* Bge می‌باشد [۶۵]. گونه‌های پسته به صورت نا پیوسته در نیمکره شمالی پراکنده شده‌اند (شکل ۱-۱) به این صورت که دو گونه *P. chinensis* و *P. weinmannifolia* در آسیای شرقی و گونه‌های *P. mexicana* و *P. texana* از جنوب غربی ایالت متحده آمریکا تا آمریکای مرکزی و سایر گونه‌ها از حوزه مدیترانه تا آسیای مرکزی توزیع شده‌اند [۶۱]. سه گونه *P. vera* و *P. chinensis* و *P. atlantica* Subsp. *mutica* در ایران پراکنش گسترده‌ای دارند [۲۲].



شکل ۱-۱- نحوه پراکنش گونه‌های پسته در جهان [۶۱].

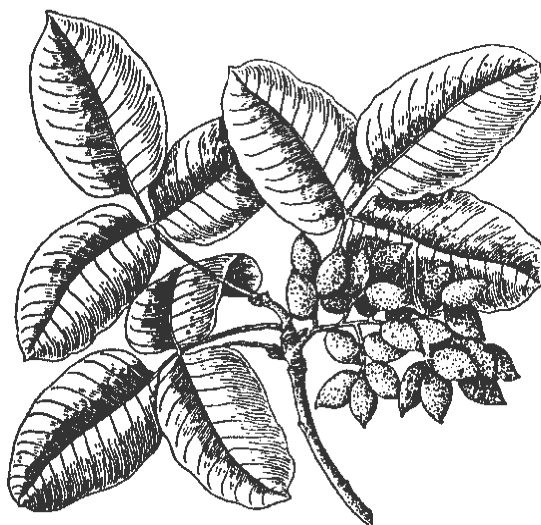
a = *P.atlantica*, b = *P.chinensis*, c = *P.integerrima*, d = *P.khinjuk*, e = *P.lentiscus*, f = *P.mexicana*,
g = *P.palaestina*, h = *P.terebintus*, i = *P.texana*, j = *P.vera*, k = *P.weinmannifolia*, l = *P.saportae*.

۱-۲-۱- پسته. *Pistacia vera* L.

پژوهشگران معتقدند که گونه *P.vera* قدیمی‌ترین گونه پسته است که سایر گونه‌ها از آن منشأ گرفته‌اند [۵]. درختی خزان‌کننده، خشکی‌دوست، با ارتفاع بیش از هشت تا ۱۰ متر، برگ‌ها چرم‌مانند، تک‌شانه‌ای، یک تا سه برگچه‌ای با اشکال مستطیلی، تخم مرغی و یا گرد می‌باشند و به شکل‌های اهلی و وحشی وجود دارد. (شکل ۱-۲) [۶۵]. در میان گونه‌های پسته تنها میوه‌های این گونه به اندازه کافی درشت بوده و دارای ارزش اقتصادی می‌باشد [۶]. میوه‌ها اشکال متنوعی از مستطیلی کشیده تا تخم مرغی پهن با ضخامت متوسط و پوست استخوانی دارند که هنگام رسیدن، متناوباً از طول شکاف برمی‌دارند [۵۴]. تعداد کروموزوم‌های پسته اهلی $2n=30$ [زهری، ۱۹۵۲] و یا $2n=32$ [وایت‌هاوس ۱۹۵۷] می‌باشد.

منشأ این گونه آسیای مرکزی، مرز بین افغانستان، ترکمنستان و شمال شرقی ایران می‌باشد و در طی قرون از مبدأ اصلی خود در آسیای میانه به حوزه مدیترانه گسترش یافته است. منطقه انتشار آن در ایران از

نواحی شمال غربی تا جنوب شرقی منطقه سرخس در استان خراسان ادامه دارد [۵]. این گونه را می توان به عنوان مادر پسته های ایران و سایر پسته های اهلی دنیا قلمداد کرد و در مناطق مختلف ایران دارای تنوع ژنتیکی و فنوتیپی بسیار زیادی است [۶]. در زیر به برخی از ارقام مهم تجارتي این گونه اشاره شده است.



شکل ۱-۲- Pistacia vera L.: شاخه میوه دهنده پسته وحشی [۶۵].

الف- پسته های اهلی *P. vera*

۱- رقم اوحدی

یکی از مهمترین و گسترده ترین ارقام تجاری پسته کشور، رقم اوحدی می باشد. کشت و تولید این پسته در طول ۳۰ سال اخیر سیر صعودی داشته و هم اکنون تقریباً بیش از ۶۰ تا ۷۰ درصد از باغات کشت پسته را در رفسنجان به خود اختصاص می دهد [۲۲]. ارتفاع درختان پسته اوحدی به سه متر می رسد، دارای غالبیت انتهایی بسیار بالا است و بیشتر برگها سه برگچه ای هستند. این رقم قدرت رشد متوسط و تاج گسترده دارد [۵].