





دانشکده مهندسی

گروه مهندسی شیمی

مدل سازی فرآیند متابولیکی *Pseudomonas aeruginosa* و کاربرد آن در عملکرد پیلهای سوختی میکروبی

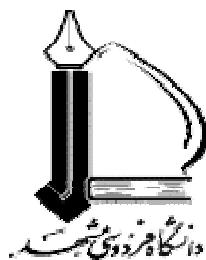
پایان نامه کارشناسی ارشد صنایع غذایی

زهرا حیدری

استاد راهنما

دکتر رضا قشلاقی

۱۳۹۱



دانشکده مهندسی

گروه مهندسی شیمی

پایان نامه کارشناسی ارشد رشته مهندسی شیمی (صناعی غذایی) خانم زهرا حیدری

تحت عنوان

مدل سازی فرآیند متابولیکی *Pseudomonas aeruginosa* و کاربرد آن در عملکرد پیلهای سوختی میکروبی

در تاریخ ۱۳۹۱/۰۲/۲۴ توسط کمیته تخصصی زیر مورد بررسی و تصویب نهایی قرار گرفت.

- | | |
|------------------------|-----------------------------|
| دکتر رضا قشلاقی | ۱- استاد راهنمای پایان نامه |
| دکتر منصور مشرقی | ۲- استاد داور خارجی |
| دکتر محمود اخوان مهدوی | ۳- استاد داور داخلی |

دکتر مهدی پورافشاری چنان

مدیر گروه مهندسی شیمی

منت خدای را که خرد از بیان شاش قاصر و قلم از توان و صفحه عاجز است.

اوست که بر خلقت مکان قامت افراد است و به آیت کن میگوین آسمان وزمین را آفرید آنکه باعث جان را سرنشست و به شاهد علم الانسان
مالم یعلم به تأثیب او هست گذاشت.

از آنجایی که تجلیل از معلم، پاس از انسانی است که هدف و غایت آفرینش را تایین می‌کند و سلامت امانت هایی را که به دستش سپرده‌اند،
تضمین؛ بر حسب و نصیف از استاد گرامی جناب آقای دکتر رضا قشقلاقی که در تدوین این پایان نامه کلی را از من درین نکود و زحمت را همانی
اینجانب را برعده کر فتند؛

واز پر و ماد غیریم، این دو معلم بزرگوارم که بهواره برکوتایی و درستی من، قلم عنکبوتی و کریانه از کنار خلقت هایم که نشته اند و در تمام
عرصه های زندگی یار و یاوری بی چشم داشت برای من بوده‌اند؛ نهایت مشکر و قدردانی را دارم.

اینجانب زهرا حیدری دوره کارشناسی ارشد، دانشکده مهندسی، دانشگاه فردوسی مشهد، نویسنده پایان نامه: مدل سازی فرآیند متابولیکی *Pseudomonas aeruginosa* و کاربرد آن در عملکرد پیلهای سوختی میکروبی، تحت راهنمایی آقای دکتر رضا قشلاقی متعهد می شود:

- تحقیقات در این پایان نامه توسط اینجانب انجام شده است و از صحت و اصالت برخوردار است.
- در استفاده از نتایج محققان دیگر به مرجع مورد استفاده استناد شده است.
- مطالب مندرج درپایان نامه تاکنون توسط خود یا فرد دیگری برای دریافت هیچ مدرک یا امتیازی در هیچ جا ارائه نشده است.
- کلیه حقوق معنوی این اثر متعلق به دانشگاه فردوسی مشهد می باشد و مقالات مستخرج با نام دانشگاه فردوسی مشهد ویا **Ferdowsi University of Mashhad** به چاپ خواهد رسید.
- حقوق معنوی تمام افرادی که در بدست آوردن نتایج اصلی پایان نامه تاثیرگذار بوده اند در مقالات مستخرج از رساله رعایت شده است.
- در کلیه مراحل این پایان نامه، در مواردی که از موجود زنده (یا بافت های آنها) استفاده شده ضوابط و اصول اخلاقی رعایت شده است.
- در کلیه مراحل انجام این پایان نامه، در مواردی که به حوزه اطلاعات شخصی افراد دسترسی یافته یا استفاده شده است، اصل رازداری و اصول اخلاق انسانی رعایت شده است.

مالکیت نتایج و حق نشر

- کلیه حقوق معنوی این اثر و محصولات آن (مقالات مستخرج، کتاب، برنامه های رایانه ای، نرم افزارها و تجهیزات ساخته شده) متعلق به دانشگاه فردوسی مشهد می باشد. این مطلب باید به نحو مقتضی در تولیدات علمی مربوطه ذکر گردد.
- استفاده از اطلاعات و نتایج موجود در پایان نامه بدون ذکر مرجع مجاز نمی باشد.

تاریخ

امضای دانشجو

به پاس تعبیر عظیم و انسانی شان از کلمه ایثار و از خودکشی

به پاس عاطفه سرشار و گرامای امید بخش وجودشان که در این سردرین روزگاران بسته بیان است

به پاس قلب های بزرگشان که فریادرس است و سرگردانی و ترس در پنهانشان به شجاعت می کراید

و به پاس محبت های بی دریشان که هرگز فروکش نمی کند

این مجموعه را به پروراد غنیمت تقدیم می کنم.

فهرست مطالب

عنوان	شماره صفحه
فهرست مطالب ح	
فهرست شکل ها ک	
فهرست جداول ل	
۱ چکیده	۱
۲ فصل اول : مقدمه	۲
۱-۱ - هدف پژوهش ۱	۲
۱-۲ - روند انجام پژوهش ۱	۳
۱-۳ - ساختار شبکه های متابولیکی ۱	۴
۱-۴ - بهینه سازی و تایید مدل ۱	۵
۱-۵ - پیشنهاد ۱	۶
فصل دوم : کاوش نشریات ۲	۷
۱-۲ - مقدمه ۲	۸
۲-۲ - پیل های سوختی میکروبی ۲	۹
۲-۲-۱ - پیشینه ۲	۱۰
۲-۲-۲ - مزایای پیل های سوختی میکروبی ۲	۱۱
۲-۲-۳ - نحوه ای عملکرد پیل های سوختی میکروبی ۲	۱۲
۲-۲-۴ - عوامل موثر روی بازدهی MFC ها ۲	۱۳
۲-۳-۱ - سودوموناس ها ۲	۱۴
۲-۳-۲ - سودوموناس آروجینوزا ۲	۱۵
۲-۳-۳ - منابع محیطی سودوموناس آروجینوزا ۲	۱۶
۴-۳-۴ - شرایط کشت ۲	۱۷
۳-۵-۵ - پیگمان پایوسیانین ۲	۱۸
۳-۶-۶ - متابولیسم ۲	۱۹

۱۳.....	۴-۴-۲- مروری بر مسیر های شبکه ای متابولیکی
۱۳.....	۴-۱- گلایکولیز
۱۴.....	۴-۲-۲- مسیر پنتوز- فسفات
۱۵.....	۴-۳-۳- مسیر انترودورف
۱۶.....	۴-۴-۴- چرخه ای تری کربوکسیلیک اسید (TCA)
۱۸.....	۴-۵- مسیر گلی اکسیلات
۱۸.....	۴-۶- واکنش های تولید پایوسیانین
۱۸.....	۴-۵- آنالیز شار متابولیکی
۲۰	فصل سوم: مواد و روش ها
۲۰	۳-۱- مقدمه
۲۰	۳-۲- آنالیز شار متابولیکی و مدل سازی استوکیومتری
۲۱.....	۳-۱-۲- موازنہ ای عنصری
۲۲.....	۳-۲-۲- موازنہ ای مواد
۲۵.....	۳-۳-۲- برنامه نویسی خطی
۲۶.....	۳-۴-۲- آنالیز حساسیت
۲۷.....	۳-۵-۲- شبیه سازی با استفاده از نرم افزار
۲۷.....	۳-۶-۲- تابع هدف
۲۸.....	۳-۳- داده های آزمایشگاهی
۲۸.....	۳-۴- مروری بر فرمول های الکتروشیمیایی
۳۰	فصل چهارم: نتایج و بحث
۳۰	۴-۱- بازسازی شبکه ای متابولیکی
۳۰	۴-۱-۱- جمع آوری داده ها از منابع اطلاعاتی
۳۱.....	۴-۱-۲- اصلاح شبکه
۳۳.....	۴-۱-۳- مسیر های متابولیکی اصلی در تولید PCN توسط <i>P.aeruginosa</i>
۳۳.....	گلایکولیز

۳۳.....	مسیر انتنر دورف
۳۶.....	واکنش های تشکیل PCN
۳۶.....	فرمول تشکیل زیست توده (تابع زیست توده)
۳۸.....	۲-۲- تبدیل شبکه متابولیکی به یک مدل محاسباتی
۳۸.....	۴-۳- اعتبارسنجی مدل
۴۲.....	۴-۱-۳- دلایل پیش بینی متفاوت مدل
۴۲.....	۴-۲-۳- بررسی اثر فرمول تشکیل زیست توده
۴۳.....	۴-۳-۳- پیش بینی تولید کوفاکتورها
۴۴.....	۴-۴- مدل سازی تولید PCN
۴۴.....	۴-۱-۴- هدف از مدل سازی
۴۵.....	۴-۲-۴- پیش بینی تولید PCN در پیل های سوختی میکروبی
۴۹.....	۴-۳-۴- دلایل اختلاف پیش بینی مدل و داده های آزمایشی در تولید PCN
۵۰.....	۴-۵- تولید جریان الکتریکی در یک MFC نمونه
۵۲.....	۴-۶- آنالیز حساسیت
۵۲.....	۴-۶-۱- آنالیز حساسیت در تولید PCN
۵۲.....	۴-۶-۲- آنالیز حساسیت دیگر مواد
۵۴.....	فصل پنجم: جمع بندی و پیشنهادات
۵۴.....	۵-۱- جمع بندی
۵۴.....	۵-۲- پیشنهادات
۵۷.....	منابع
۶۳.....	پیوست ۱ - علائم اختصاری به کار رفته برای واکنش دهنده ها
۶۵.....	پیوست ۲- واکنش ها
۶۸.....	پیوست ۳- جداول و نمودارهای استناد شده در متن
۷۱.....	پیوست ۴- توزیع شارها در بیشینه سازی کوفاکتورها

فهرست شکل ها

شکل ۲ - ۱: شمای ساده ای از یک پیل سوختی میکروبی و مکانیزم های مختلف انتقال الکترون ۷
شکل ۲ - ۲: شمایی از واکنش های مسیر گلایکولیز ۱۴
شکل ۲ - ۳: شماتیک مسیر پنتوز فسفات ۱۵
شکل ۲ - ۴: شماتیک مسیر انترودورف ۱۶
شکل ۲ - ۵: شماتیک واکنش های چرخه ای تری کربوکسیلیک اسید ۱۷
شکل ۳ - ۱: موازنی جرم در حالت پایدار برای یک شبکه متابولیکی فرضی ۲۴
شکل ۴ - ۱: مسیر گلایکولیز نشان داده شده در پایگاه اطلاعاتی KEGG، ژن متناظر با آنزیم هایی با پس زمینه ای خاکستری در ژنوم <i>P.aeruginosa</i> کشف شده است ۳۲
شکل ۴ - ۲: شمای کلی مسیر متابولیکی سودوموناس ائروجینوزا در شرایط بی هوازی و گلوکز به عنوان خوراک ۳۵
شکل ۴ - ۳: شماتیک مسیر بیوسنتر PCN در میکروارگانیسم <i>P.aeruginosa</i> ۳۷
شکل ۴ - ۴: شمای کلی از توزیع فلاکس در بیشینه سازی سرعت رشد مخصوص سودوموناس ائروجینوزا ۴۱
شکل ۴ - ۵: توزیع فلاکس برای بیشینه تولید NADH (mol/mol _{Glc}) در شراط بی هوازی میباشد ۴۵
شکل ۴ - ۶: شماتیک توزیع فلاکس ها در بیشینه سازی میزان PCN تولیدی به منظور افزایش بازده ای پیل سوختی ۴۷
شکل ۴ - ۷: پیش بینی مدل برای تولید جریان الکتریکی در یک پیل سوختی ۵۱
شکل ۴ - ۸: پیش بینی مدل برای انرژی خروجی تولیدی در یک پیل سوختی ۵۲
شکل ۴ - ۹: مقادیر حاشیه ای در برابر تولید مواد مختلف در برنامه ای بیشینه سازی تولید PCN ۵۳
شکل ۵ - ۱: شکل شماتیکی توزیع فلاکس در شبکه ای متابولیکی <i>P.aeruginosa</i> اصلاح شده ۵۶

فهرست جداول

- جدول ۴-۱- مقایسه‌ی نرخ رشد مخصوص مدل با داده‌های آزمایشگاهی ۳۹
- جدول ۴-۲- میزان زیست توده تولیدی و درصد خطای ایجاد شده با ۱۰٪ تغییر در هریک از ضرایب مواد حاضر در فرمول تشکیل زیست توده جداگانه، مقدار زیست توده بدون تغییر ضرایب 495 hr^{-1} / ۰ می‌باشد. ۴۳
- جدول ۴-۳- بیشینه مقدار تولید کوفاکتورها با ورودی ۱ مول گلوکز به عنوان خوراک در شرایط بی‌هوایی ۴۴
- جدول ۴-۴- پیش‌بینی مدل برای تولید PCN، توان خروجی و جریان تولید شده به عنوان تابعی از درصد خوراک مصرفی. غلظت PCN، جریان تولیدی و توان خروجی براساس داده‌های آزمایشی به ترتیب معادل 19 mA / ۰.۰۰۰۲۹ mol lit⁻¹ و $37 \mu\text{W m}^{-2}$ بوده است [۷۵]. ۴۶
- جدول ۴-۵- نتایج آزمایشی میزان توان خروجی، جریان تولید شده و غلظت PCN تولیدی در یک MFC با الکترود صفحه‌ای شکل [۷۵]. ۴۸
- جدول ۴-۶- پیش‌بینی مدل برای بیشینه تولید PCN، توان خروجی و جریان در پیل سوختی میکروبی با الکترود صفحه‌ای شکل و مقایسه‌ی نتایج با داده‌های آزمایشگاهی [۷۵]. ۴۸
- جدول ۴-۷- داده‌های آزمایشی [۷۷] و پیش‌بینی مدل برای بیشینه تولید جریان و PCN. ۴۹

چکیده

در این مطالعه مدل سازی شبکه متابولیکی میکروارگانیسم سودوموناس اتروجینوزا به منظور تولید پیگمان پایوسیانین انجام شد. این پیگمان حامل الکترون بوده و انتقال الکترون از سلول به پذیرنده الکترون را سهولت می بخشد. علاوه بر این علت دیگری که منجر به انتخاب میکروارگانیسم سودوموناس اتروجینوزا شد امکان فعالیت این میکروارگانیسم در شرایط بی هوازی است که شرایط حاکم بر پیل های سوختی میکروبی می باشد. پیل های سوختی میکروبی از جمله پیل های الکتروبیوسیمیابی هستند که با استفاده از فعالیت متابولیکی میکروارگانیسم های بی هوازی تولید الکتریسیته می کنند. در این پیل ها می توان از فاضلاب به عنوان خوراک رودی استفاده کرد و ضمن تصفیه آن الکتریسیته نیز تولید نمود؛ این مزیت اصلی پیل های سوختی میکروبی است. افزایش توان تولیدی این پیل ها، همواره یکی از اهداف اصلی محققان بوده است. آنالیز شارهای نامعلوم موجود برپایه ای واکنش های موجود در سیستم عمل می کند؛ ابزار بسیار مناسبی برای به دست آوردن میزان شارهای نامعلوم موجود در سیستم است علاوه براین با استفاده از این آنالیز می توان نقاط حساس در تولید محصول مورد نظر را شناسایی و بررسی کرد. پس با مدل سازی شبکه متابولیکی میکروارگانیسم سودوموناس اتروجینوزا و بهینه سازی تولید پایوسیانین (به عنوان حامل الکترون) می توان انتظار داشت که الکترون بیشتری به آند انتقال یافته و در نتیجه بازده این پیل ها افزایش یابد. به دلیل اینکه شبکه ای متابولیکی این میکروارگانیسم در شرایط بی هوازی به صورت مدون در دسترس نبود، با بررسی منابع مختلف این شبکه تدوین شد که شامل ۶۱ متابولیت و ۱۰۰ واکنش مربوط به آن ها می باشد. سپس از آنالیز شار متابولیکی و برنامه ریزی خطی جهت بهینه سازی تابع هدف مورد نظر کمک گرفته شد و نتایج پیش بینی شده توسط مدل با نتایج آزمایشگاهی ارایه شده توسط دیگران مقایسه گردید. وجود خطای کم در پیش بینی مقدار نرخ رشد ویژه میکروارگانیسم نشان دهندهی دقت مناسب مدل ارائه شده در این مطالعه می باشد. میزان تولید بیشینه پایوسیانین و توزیع شار متابولیکی متناظر با این بیشینه سازی توسط مدل برآورد شد. بر طبق پیش بینی های مدل، این میکروارگانیسم توانایی تولید بیشتر پایوسیانین (۵۵٪ افزایش تولید پایوسیانین) تحت شرایط مناسب را دارد. این نتایج می تواند برای اصلاحات ژنتیکی این میکروارگانیسم در جهت افزایش تولید این حامل الکترونی مورد استفاده قرار گیرد و افزایش بازده ای چشمگیر پیل های سوختی میکروبی را به همراه داشته باشد. با توجه به تایید مدل توسط داده های آزمایشی و قبل اعتماد بودن مدل امکان کاربرد آن در تحقیقات آتی فراهم شده است.

واژه های کلیدی:

سودوموناس اتروجینوزا، مدل سازی، آنالیز متابولیکی شار، پایوسیانین، پیل سوختی میکروبی.

فصل اول : مقدمه

۱-۱- هدف پژوهه

پیل های سوختی میکروبی^۱ پیل هایی هستند که با استفاده از فعالیت کاتالیستی میکروارگانیسم های بی هوازی جریان الکتریکی تولید می کنند. علیرغم تحقیقات فراوانی که در سالهای گذشته انجام گرفته است هنوز جریان الکتریکی تولید شده توسط این پیل ها درخور توجه نیست. در راستای افزایش بازدهی MFC ها تحقیقات زیادی انجام گرفته شده است؛ یک دسته از این تحقیقات مربوط به بهینه کردن ساختمان پیل سوختی یا جنس و نوع الکترود ها است، دسته ای دیگر تغییر در نوع خوراک ورودی به سیستم، نوع میکروارگانیسم و یا حتی شرایط محیطی می باشد. در این تحقیق افزایش بازده از طریق افزایش الکترون انتقالی مورد مطالعه قرار گرفته است. میکروارگانیسم سودوموناس /ئروجینوز/^۲ یکی از میکروارگانیسم هایی است که در MFC ها استفاده می شود. مزیت مهم این میکروارگانیسم داشتن پیگمان پایوسیانین^۳ است که عامل اصلی انتقال الکترون از سلول به الکترود آند می باشد. اگر به روشنی بتوان میزان تولید این پیگمان را افزایش داد می توان انتظار داشت که میزان الکترون انتقالی به الکترود آند نیز افزایش یابد و بدین وسیله بازدهی MFC ها بیشتر شوند؛ این نظریه برای اولین بار در این تحقیق مطرح شده است.

۱-۲- روند انجام پژوهه

برای نخستین بار تصمیم بر آن شد تا برای افزایش بازدهی MFC ها، ارتباطی بین روش آنالیز شار متابولیکی^۴ و عملکرد MFA برقرار شود. روشی است که در آن با استفاده از واکنش های موجود در شبکه متابولیکی میکروارگانیسم مورد بحث و استوکیومتری شبکه، میزان شار تک تک واکنش های حاضر در شبکه پیش بینی می شود. پس برای افزایش تولید PCN با استفاده از روش MFA لازم است تا ابتدا شبکه

¹ Microbial Fuel Cells (MFCs)

² *Pseudomonas aeruginosa* (*P.aeruginosa*)

³ Pyocyanin (PCN)

⁴ Metabolic Flux Analysis (MFA)

ی متابولیکی میکروارگانیسم *P.aeruginosa* در شرایط بی هوایی که شرایط حاکم در MFC ها می باشد، به دست بیاید. تا آنالیز های بعدی بر اساس واکنش های موجود در این شبکه انجام بگیرد.

۱-۳- ساختار شبکه های متابولیکی

اساس کار آنالیز شار متابولیکی روی شبکه های متابولیکی میکروارگانیسم مربوطه قرار دارد. صحت حضور متابولیت ها و واکنش ها در این شبکه از اهمیت ویژه ای برخوردار است چرا که تمام آنالیز های بعدی بر پایه ای این واکنش ها انجام می گیرد. با کاوش نشریات و بررسی مقالات متعدد مسیرهای اصلی موجود در متابولیسم *P.aeruginosa* که در شرایط بی هوایی فعال هستند جمع آوری و شبکه ی واکنش های مربوطه توسعه داده شد. این واکنش ها شامل مسیر گلایکولیز^۱، پنتوز فسفات^۲، انتنرودورف^۳، قسمتی از واکنش های مربوط به چرخه ی تری کربوکسیلیک اسید^۴، واکنش های گلی اکسیلات^۵ و واکنش های مربوط به تولید پایوسیانین می باشند. مسیر متابولیکی پیش بینی شده شامل تعداد زیادی واکنش می باشد. کار با این تعداد واکنش بسیار پیچیده و سخت است پس به منظور ساده سازی، با تعدادی فرضیات بدون لطمہ زدن به اطلاعات اصلی، شبکه ی به دست آمده ساده سازی شده است (به عنوان مثال حذف واکنش های غیرمرتبه با تولید محصول مورد نظر، یکی کردن واکنش های پشت سرهم با در نظر گرفتن شاخه های انسعابی و یا کوفاکتورهای تولید یا مصرف شده و ...).

۱-۴- بهینه سازی و تایید مدل

بعد از به دست آمدن شبکه ی متابولیکی مورد نظر با استفاده از لیست واکنش های به دست آمده، مدل سازی با اعمال فرض حالت پایدار روی سیستم انجام گرفت. از آنجا که تعداد واکنش هایی که شار آن ها نامعلوم است از تعداد متابولیت ها بیشتر است، پس درجه آزادی سیستم بزرگ تر از صفر می باشد. حل چنین شبکه ای از معادلات تنها با تعریف یکتابع هدف مناسب و بدست آوردن جواب بهینه امکان پذیر است. در این تحقیق از نرم افزار LINGO به عنوان ابزاری برای رسیدن به این هدف استفاده شده است. برای تایید مدل به دست آمده لازم است تا نتایج پیش بینی شده توسط مدل با نتایج واقعی مقایسه شوند. در این تحقیق به دلیل عدم انجام کار آزمایشگاهی از نتایج آزمایشی دیگر محققان که در نشریات موجود بود استفاده شده است. مقایسه ی داده های آزمایشی با نتایج پیش بینی شده توسط مدل نشان داد که پیش

¹ Glyoxylate shunt

² Pentose-phosphate (PP) shunt

³ Entner-Doudoroff Pathway

⁴ Tricarboxylic acid cycle (TCA)

⁵ Glycolysis

بینی مدل با درصد خطای بسیار کمی با نتایج آزمایشگاهی برابری می کند، این موضوع قابل اعتماد بودن مدل را تایید می کند پس می توان از آن برای بررسی های بیشتر استفاده کرد.

۱-۵- پیشنهاد

یکی از کاربرد های اصلاح ژنتیکی، تغییر در سطوح مختلف آنزیم های واکنش است، یعنی تغییر از حالت فعال به غیر فعال (یا به عکس) یا نیمه فعال کردن آن ها. بررسی های بیشتری جهت شناسایی مسیرهای متابولیکی که فعال بودن یا نبودن آنها موجب افزایش تولید PCN می شوند لازم است. می توان به جای انجام آزمایشات پرهزینه و زمان برا، از مدل توسعه یافته در این تحقیق به منظور پیش بینی نتایج استفاده کرد.

فصل دوم: کاوش نشریات

۱-۲- مقدمه

این فصل شامل مروری بر پیشینه‌ی علمی و تاریخی در مورد پیل‌های سوختی میکروبی و هم‌چنین میکروارگانیسم *P.aeruginosa* می‌باشد، به طوری که یک دید کلی از طرز کار این پیل‌ها و خصوصیات سودوموناس ائروجینوزا را ارایه می‌دهد. هم‌چنین مسیرهای متابولیکی اصلی که این میکروارگانیسم در شرایط بی‌هوایی طی می‌کند نیز معرفی شده‌اند.

۲-۲- پیل‌های سوختی میکروبی

۱-۲-۲- پیشینه

برای مدت زمان طولانی پیشرفت‌های مهم صنعتی و اقتصادی جهان با به کارگیری سوخت‌های فسیلی همراه بوده است، اما واضح است که مواد نفتی تا زمانی بیش از صد سال آینده باقی نخواهد ماند و مهم‌تر اینکه تا حدود ۱۰ یا ۲۰ سال آینده میزان تقاضای سوخت بیشتر از عرضه خواهد بود [۱]. با توجه به این واقعیت، مصرف کننده‌هایی که برنامه ریزی بلند مدت برای مصرف انرژی ندارند دچار مشکل خواهد شد، پس لازم است تا برنامه ریزی دقیقی برای بهینه سازی و چگونگی مصرف انرژی و منابع مورد استفاده‌ی آن وجود داشته باشد. علاوه بر مشکل کمبود این منابع، مسئله زیست محیطی نیز نگران کننده است چرا که استفاده از سوخت‌های فسیلی باعث آزاد سازی دی‌اکسید کربن می‌شود که خطر افزایش گازهای گلخانه‌ای را به همراه دارد [۲]. بنا به این دلیل مهم ترین مسئله برای برنامه ریزی مصرف انرژی، استفاده از انرژی‌های نو یا انرژی‌های سبز همچون انرژی خورشیدی (مانند آب گرمکن‌های خورشیدی)، باد و آب (مانند توربین‌ها) و انواع پیل‌های سوختی از جمله پیل سوختی پلیمری، هیدروژنی، کربنی و میکروبی می‌باشد [۳]. این دسته از انرژی‌ها علاوه بر این که باعث تخریب محیط زیست نمی‌شوند، جزء انرژی‌های تجدید پذیر بوده و نگرانی که نسبت به اتمام سوخت‌های فسیلی وجود دارد در این دسته از سوخت‌ها دیده نمی‌شود.

پیل های سوختی میکروبی یکی از مهم ترین انواع سیستم های الکتروشیمیایی بیولوژیکی^۱ هستند که با استفاده از فعالیت متابولیکی میکروارگانیسم، از مواد آلی و معدنی تولید الکتریسیته می کنند [۷-۴]. انتظار می رود که این پیل ها در زمان کمبود انرژی های فسیلی به عنوان یک منبع بسیار خوب برای پاسخگویی به نیاز انرژی به کار بیایند. این نوع پیل ها می توانند از فاضلاب به عنوان ساپسبریت استفاده کرده و علاوه بر تولید الکتریسیته، فاضلاب را تصفیه کنند که این امر به کاهش هزینه های تصفیه ای فاضلاب های صنعتی و یا شهری کمک بسزایی می کند [۸-۵, ۴]. استفاده از این پیل ها پدیده ای جدیدی نیست و به حدود صد سال پیش باز می گردد [۹]. برای نخستین بار Potter در سال ۱۹۱۱ استفاده از باکتری به منظور تولید جریان الکتریکی را گزارش کرد [۱۰] اما در طی ۵۵ سال بعد از آن پیشرفت چشمگیری در این زمینه به دست نیامد [۱۱]. حدود سال های ۱۹۷۰ باز هم پیل های سوختی میکروبی مورد توجه قرار گرفتند و استفاده از میکروارگانیسم ها به عنوان کاتالیزور در پیل های سوختی پیشنهاد شد [۱۲, ۲]. در سال ۱۹۹۱ بود که پیل های سوختی میکروبی به منظور تصفیه ای فاضلاب استفاده شدند [۱۳] اما استفاده از پیل های سوختی ای که انرژی خروجی در خور توجهی تولید می کنند به تازگی رواج یافته است [۱۴].

۲-۲-۲- مزایای پیل های سوختی میکروبی

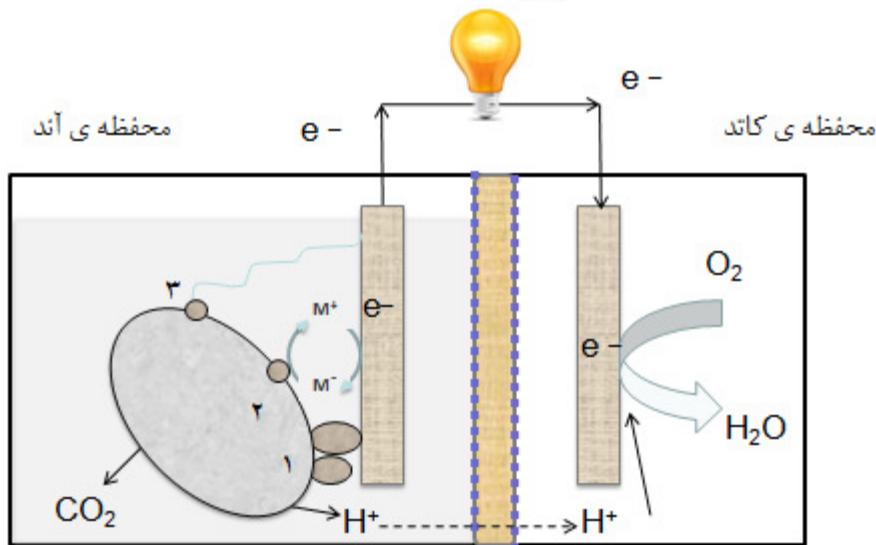
میزان جریان الکتریکی تولید شده توسط MFC ها در مقایسه با ژنراتورهای تولید برق بسیار کمتر است اما مزیت مهمی که این پیل ها را همواره در معرض توجه قرار می دهد همراه شدن تولید برق و تصفیه ای فاضلاب است [۱۵]. نکته ای قابل توجه دیگری که باعث تمایز MFC ها و دیگر پیل ها می شود این است که MFC ها می توانند از فاضلاب های بسیار رقیق به عنوان خوراک استفاده کنند، فاضلاب هایی که نمی توان از آن ها به عنوان خوراک در دیگر سیستم های تولید انرژی استفاده کرد، می توانند در این پیل ها به عنوان منبع انرژی به کار روند [۱۶]. از دیگر مزایای آن ها می توان به موارد زیر اشاره نمود [۱۴]:

- بالا بودن بازده ای آن به دلیل تبدیل مستقیم خوراک به انرژی.
- شرایط عملیاتی ایمن و پایین بودن دمای عملیاتی (دمای اتاق و حتی دماهای کم تر).
- عدم نیاز به انتقال گازهای خروجی، زیرا گازهای خروجی به صورت دی اکسید کربن به فضای وارد می شوند.
- کاهش هزینه ها به علت عدم نیاز به هوادهای در محفظه ای آند.

^۱ Bioelectrochemical Systems (BES)

۳-۲-۲- نحوه‌ی عملکرد پیل‌های سوختی میکروبی

نمای ساده‌ای از یک پیل سوختی میکروبی در شکل ۱-۲ نشان داده شده است که شامل محفظه‌ی آند و کاتد می‌باشد و به وسیله‌ی یک غشا تبادلگر پروتون^۱ یا پل نمکی از هم جدا شده‌اند. میکرووارگانیسم به کار رفته در این نوع پیل‌ها ماده‌ی آلی یا معدنی را که به عنوان خوراک به آن داده می‌شود مصرف (اکسید) کرده و با گذر از واکنش‌های درون سلولی، انرژی به فرم ATP را تولید می‌کند.



شکل ۲-۱: شمای ساده‌ای از یک پیل سوختی میکروبی و مکانیزم‌های مختلف انتقال الکترون: ۱) انتقال الکtron توسط برآمدگی‌های سطحی، ۲) انتقال الکtron با استفاده از یک واسطه، ۳) انتقال الکtron با استفاده از رشته‌های نانو

در طی این واکنش‌ها الکtron نیز تولید می‌شود. الکtron‌های تولید شده به وسیله‌ی باکتری بایستی به روشی به الکترود آند (پایانه‌ی منفی) انتقال یابند (که در ادامه بیشتر به توضیح آن پرداخته شده است) و سپس با گذر از یک مقاومت خارجی به الکترود کاتد (پایانه‌ی مثبت) برسند. الکtron‌هایی که به محفظه‌ی کاتدی رسیده‌اند با هیدروژنی که در آند تولید شده و از طریق غشا تبادلگر یونی به محفظه‌ی کاتد رسیده‌اند و با اکسیژنی که در محفظه‌ی کاتد در اختیار آن قرار داده شده است ترکیب شده و تولید آب می‌کنند. تجهیزات باید طوری باشند که خوراک اکسید شده در آند، به طور مداوم و یا متناوب، قابل جایگزینی باشد [۱۴، ۳-۲]. الکtron تولید شده توسط میکرووارگانیسم تعایل دارد به پایانه‌ی پذیرنده‌ی الکtron^۲ برسد. مواد زیادی به عنوان TEA می‌توانند به کار روند، اکسیژن، نیترات و یا سولفات از این دسته مواد هستند (به

¹ Proton exchange membrane (PEM)

² Terminal electron acceptor (TEA)

عنوان مثال اکسیژن با پذیرفتن الکترون به فرم آب کاهیده می شود). اما نکته‌ی بسیار مهم این است که تولید الکتریسیته در صورتی ممکن است که اکسیژن یا هر TEA دیگری، در محفظه‌ی آند در اختیار میکروب قرار نگیرد زیرا در غیر این صورت به جای اینکه الکترون‌ها به الکترود آند بروند و از آن جا به مقاومت برسند و تولید برق کنند، به پذیرنده‌ی الکترون داده خواهند شد و در نتیجه برقی تولید نخواهد شد.

أنواع روش‌های انتقال الکترون از میکرووارگانیسم به الکترود آند

گفته شد لازم است تا الکترون از میکرووارگانیسم گرفته شود و به الکترود آند انتقال داده شود. برای این انتقال، سه روش وجود دارد که بسته به نوع میکرووارگانیسم مورد استفاده، متفاوت است.

اولین روش استفاده از حامل‌های شیمیایی^۱ یا شاتل‌های الکترونی^۲ است. این حامل‌ها دو نوع هستند، نوع اول موادی هستند که از بیرون به سیستم اضافه می‌شوند و به حامل‌های بیرونی^۳ معروفند. میکرووارگانیسم‌هایی مانند/شرشیاکلی^۴ و پاسیلوس کلی^۵ که به صورت ذاتی توانایی انتقال الکترون به آند را ندارند، از این حامل‌ها استفاده می‌کنند. از جمله این مواد می‌توان به قرمز خنثی^۶، پتاسیم فری سیانید^۷ و تیونین^۸ اشاره کرد. این مواد با پذیرفتن الکترون، کاهیده شده و سپس با دادن الکترون به الکترود آند به فرم اکسایش یافته‌ی خود بر می‌گردند و باز هم آماده‌ی پذیرش الکترون می‌شوند. یک حامل شیمیایی خوب بایستی دارای چنین مشخصاتی باشد: ۱) به آسانی بتواند از دیواره‌ی غشایی سلول عبور کند؛ ۲) توانایی قابل توجهی برای گرفتن الکترون از سلول داشته باشد؛ ۳) سمی نبوده و باعث تخرب میکرووارگانیسم نشود؛ ۴) ارزان و در دسترس باشد.

نوع دوم از این دسته حامل‌هایی هستند که توسط خود میکرووارگانیسم به صورت ذاتی تولید می‌شوند مانند میکرووارگانیسم *P.aeruginosa* که برای انتقال الکترون، تولید پیگمان PCN می‌کند[۳، ۱۶-۱۸]. این نوع حامل‌ها می‌توانند تشکیل یک بایوفیلم روی الکترود آند بدنهند و از این طریق مستقیماً الکترون‌ها را از غشا سلولی به آند منتقل کنند. این روش انتقال الکترون‌ها (نوع دوم) که در سال ۱۹۹۹ کشف شده است دستاورد بسیار بزرگی در کار MFC‌ها به شمار می‌رود چرا که نیازی به اضافه کردن حامل‌ها به سیستم نیست و این مسئله هزینه‌های فرآیندی را تا حد زیادی کاهش داده و استفاده از MFC‌ها را توجیه پذیرتر می‌کند [۱۹-۲۰].

¹ Chemical mediators

² Electron shuttles

³ Exogenous Mediators

⁴ *Escherichia coli*

⁵ *Bacillus coli*

⁶ Neutral red

⁷ Potassium Ferricyanide

⁸ Thionin