

صلى الله عليه وسلم



دانشکده دامپزشکی

پایان نامه دکتری حرفه‌ای رشته‌ی دامپزشکی

ارزیابی توالی اسیدهای نوکلئیک ژن M2 ویروس‌های آنفلوآنزای طیور
تحت تیپ H9N2 با استفاده از تکنیک RT-PCR

استاد راهنما:

دکتر عبدالکریم زمانی مقدم

استاد مشاور:

دکتر فرحید همت زاده

پژوهشگر:

محمد رفیعی دولت آبادی

دی ماه ۱۳۹۰



دانشگاه شاهرود
دانشکده دامپزشکی
گروه علوم درمانگاهی

پایان نامه آقای محمد رفیعی دولت آبادی جهت اخذ درجه دکتری رشته دامپزشکی با عنوان ارزیابی توالی اسیدهای نوکلئیک ژن M2 ویروس‌های آنفلوآنزای طیور تحت تیپ H9N2 با استفاده از تکنیک RT-PCR در تاریخ ۱۳۹۰/۱۰/۱۳ با حضور هیأت داوران زیر مورد بررسی و با رتبه‌ی مورد تصویب نهایی قرار گرفت.

۱- استاد راهنمای پایان نامه دکتر عبدالکریم زمانی مقدم با مرتبه علمی دانشیار امضاء

۲- استاد مشاور پایان نامه دکتر فرهید همت زاده با مرتبه علمی دانشیار امضاء

۳- استاد داور دکتر شهاب بهادران با مرتبه علمی استادیار امضاء

۴- استاد داور دکتر مرتضی حسینی نژاد با مرتبه علمی استادیار امضاء

مسئولیت کلیه عقاید و نظراتی که در این پایان نامه آورده شده است به عهده نگارنده بوده و دانشکده دامپزشکی هیچ گونه مسئولیتی را در این زمینه تقبل نمی‌نماید.

دکتر حسین نورانی

رییس دانشکده دامپزشکی

دکتر سعید حبیبیان

معاون پژوهشی و تحصیلات تکمیلی

دانشکده دامپزشکی

کلیه حقوق مادی مترتب بر نتایج مطالعات، ابتکارات
و نوآوری های ناشی از تحقیق موضوع این پایان نامه
متعلق به دانشگاه شهرکرد است.

باتقدیر و شکران

خانواده‌ی عزیز، دلسوز و مهربانم که آرامش روحی و آسایش فکری من را فراهم نمودند تا با حمایت های همه جانبه، مقاطع گذشته تحصیلی و نیز پایان نامه ام را به اتمام برسانم . پدر و مادر بزرگوار و دلسوزم، همسر مهربانم، برادر و خواهر عزیزم.

جناب آقای دکتر زمانی مقدم، استادی فرزانه و بزرگوار که در تمامی مراحل انجام پایان نامه خالصانه و با صبر و حوصله ی قابل تقدیرشان مرا راهنمایی و یاری کردند و همچنین در طول دوران تحصیل، مرا مرهون محبت‌های بیکران خود نمودند.

جناب آقای دکتر همت زاده، مشاور محترم که در راه تکمیل این پایان‌نامه از هیچ کوششی فرو گذار نمودند و مرا از گنجینه‌ی علمیشان، خصوصاً تجربه‌ی کار بر روی ویروس آنفلوانزا بهره مند نمودند.

جناب آقای دکتر بهادران و جناب آقای دکتر حسینی نژاد ، که با قبول داوری این پایان نامه مرا مرهون الطاف خود نمودند.

جناب آقای مهندس کیانی، دوست گرامیم جناب آقای حسین طهماسبی ، سرکار خانم مهندس صفرپور، سرکار خانم مهندس یکتنه، جناب آقای دکتر دوستی و سایر کارشناسان و کارکنان دانشکده که بنده را در انجام مراحل پایان‌نامه یاری کردند.

اساتید بزرگوارم که از محضر علمی و تجربیات گرانبه‌ای این بزرگواران بهره فراوان بردم.

دوستان پرمهرم در دانشگاه شهرکرد، به خصوص ورودی ۸۴ دانشکده‌ی دامپزشکی، که در این مدت شش سال بهترین خاطرات زندگی‌م در کنارشان رقم خورد و به خاطر محبت های فراوانی که در طول دوران تحصیل به من داشتند، از آنها تشکر می‌کنم.

«اثری» کوچک است، خیلی کوچک و شاید هیچ!

اما به رسم ادب

تقدیم می شود به:

« شهیدان گمنام هشت سال دفاع مقدس »

جوانمردانی که بی ادعا بودند و حتی نه در پی این که یاد و اثری از
آنها باقی بماند.

چکیده

ویروس آنفلوانزا متعلق به خانواده ی *Orthomyxoviridae* است که دارای ژنوم RNA تک رشته‌ای ۸ قطعه‌ای و با سنس منفی می‌باشد. قطعه ماتریکس (M) دو پروتئین M1 و M2 را کد می‌کند. مطالعات پیشین آشکار کرده اند که پروتئین M2 عملکرد کانال یونی را داشته که تقریباً در میان تمام تحت تیپ های ویروس A آنفلوانزا، بخصوص H5N1 و H9N2 حفاظت شده است و به عنوان گزینه‌ای نویددهنده جهت توسعه ی واکسن نو ترکیب وسیع الطیف علیه آنفلوانزای A تلقی می‌گردد. هدف از این پژوهش ارزیابی توالی اسید های نوکلئیک ژن M2 در ویروس های آنفلوانزای H9N2 جدا شده در شهرکرد و به دنبال آن بررسی میزان حفاظت شدگی ژن M2 در نمونه‌های اخذ شده است. بدین منظور استخراج کامل RNA از مایع آلانتوئیک تخم مرغ جنین دار آلوده شده به ویروس صورت گرفت. سپس RT-PCR بر روی نمونه‌های مذکور انجام شد. پس از تأیید محصول اختصاصی PCR روی ژل آگارز یک درصد، توالی اسیدهای نوکلئیک محصول به دست آمده تعیین و ارزیابی گردید. نتایج حاصل از مقایسه ی ردیف نوکلئوتیدی تعیین شده در این مطالعه با تعدادی از سکانس - های شناخته شده ی ژن M2 در کشورمان و سایر نقاط جهان (موجود در بانک ژن) نشانگر وجود ۹۲ تا ۹۹ درصد شباهت ژنتیکی بود. این نتایج نشان می‌دهد که ژن M2 تا حدود زیادی حفاظت شده است و می‌تواند آنتی ژن مناسبی برای تولید واکسن جهانی علیه آنفلوانزا باشد.

واژگان کلیدی: آنفلوانزای طیور، H9N2، ژن M2، RT-PCR، توالی اسیدهای نوکلئیک

فهرست مطالب

شماره صفحه	عنوان
۶	فصل اوّل: مقدمه
۸	فصل دوّم: کلیات
۸	۱-۲- تاریخچه
۹	۲-۲- اتیولوژی
۹	۱-۲-۲- رده بندی انواع ویروس آنفلوانزا
۹	۱-۲-۲-۱- ویروس آنفلوانزا تیپ A
۱۰	۲-۲-۱-۲- ویروس آنفلوانزا تیپ B
۱۰	۲-۲-۱-۳- ویروس آنفلوانزا تیپ C
۱۰	۲-۳- مورفولوژی
۱۱	۲-۳-۱- پروتئین‌های ویروسی
۱۲	۲-۳-۱-۱- پروتئین PB2
۱۲	۲-۳-۱-۲- پروتئین PB1
۱۲	۲-۳-۱-۳- پروتئین PA
۱۲	۲-۳-۱-۴- گلیکوپروتئین هم‌گلوکوتینین (HA)
۱۳	۲-۳-۱-۵- پروتئین NP
۱۳	۲-۳-۱-۶- گلیکوپروتئین نورآمینیداز (NA)
۱۳	۲-۳-۱-۷- پروتئین‌های M1 و M2
۱۶	۲-۳-۱-۸- پروتئین‌های NS1 و NS2
۱۶	۲-۳-۲- ترکیبات شیمیایی ویروس
۱۷	۲-۴- تکثیر ویروس آنفلوانزا
۱۸	۲-۵- ژنتیک ویروس‌های آنفلوانزا
۱۸	۲-۵-۱- آنتی ژنیک دریافت
۱۸	۲-۵-۲- آنتی ژنیک شیفت
۱۹	۲-۶- داروهای ضد ویروس آنفلوانزا
۱۹	۲-۶-۱- آدامانتن‌ها
۲۰	۲-۶-۱-۱- مقاومت به آدامانتان‌ها
۲۰	۲-۶-۲- مهار کننده‌های نورآمینیداز
۲۱	۲-۶-۲-۱- مقاومت به مهار کننده‌های نورآمینیداز
۲۱	۲-۷- پاتوژن ویروس‌های آنفلوانزا
۲۳	۲-۸- ویروس‌های آنفلوانزای طیور

۲۴	۱-۸-۲- میزان‌های طبیعی و تجربی
۲۵	۲-۸-۲- مقاومت به عوامل فیزیکی و شیمیایی
۲۵	۳-۸-۲- خصوصیات حدت ویروس
۲۶	۴-۸-۲- بیماری‌زایی بیماری آنفلوآنزای پرندگان
۲۷	۵-۸-۲- انتقال بیماری و ناقلین
۲۸	۶-۸-۲- دوره کمون بیماری و میزان ابتلا و مرگ و میر
۲۸	۷-۸-۲- ایمنی
۲۹	۹-۸-۲- علائم کالبدگشایی
۲۹	۱۰-۸-۲- علائم هیستوپاتولوژی
۳۰	۱۱-۸-۲- جداسازی و شناسایی عامل ایجادکننده
۳۰	۱-۱۱-۸-۲- جداسازی ویروس
۳۱	۲-۱۱-۸-۲- تسخیر Ag ویروسی در روش ELISA
۳۱	۳-۱۱-۸-۲- روش‌های تشخیص مولکولی
۳۲	۱۲-۸-۲- درمان
۳۲	۱۳-۸-۲- پیشگیری و کنترل
۳۲	۱-۱۳-۸-۲- پیشگیری
۳۳	۲-۱۳-۸-۲- کنترل
۳۴	۹-۲- واکسیناسیون
۳۴	۱-۹-۲- تاربخچه
۳۶	۲-۹-۲- واکسیناسیون در انسان
۳۶	۳-۹-۲- واکسیناسیون در پرندگان
۳۸	۱۰-۲- نفوذ آنفلوآنزای طیور به ایران
۳۸	۱۱-۲- انجام تحقیقات بیشتر روی آنفلوآنزا
۳۹	فصل سوم: مواد و روش کار
۳۹	۱-۳- نمونه گیری
۴۰	۱-۱-۳- پرسشنامه فارم‌های مورد بررسی
۴۱	۲-۳- کشت ویروس
۴۱	۳-۳- تهیه گلبول قرمز ۱٪
۴۲	۴-۳- آزمایش فعالیت هماگلوتیناسیون (HA)
۴۲	۵-۳- آزمایش مهار هماگلوتیناسیون (HI)
۴۳	۶-۳- استخراج RNA
۴۳	۷-۳- ارزیابی کیفی و کمی RNA
۴۴	۸-۳- ساخت cDNA

۴۴	۹-۳- PCR آزمایش
۴۵	۳-۹-۱- روش کار
۴۵	۳-۹-۱-۱- مرحله اول: ساخت Master mix
۴۶	۳-۹-۱-۲- مرحله دوم: انجام PCR و الکتروفورز
۴۷	۳-۹-۱-۳- مرحله سوم: بهینه سازی واکنش زنجیره‌ای پلیمرز یا PCR
۴۷	۳-۱۰- تعیین توالی اسیدهای نوکلئیک محصول RT-PCR (ژن M2) و تفسیر نتایج
۴۸	فصل چهارم: نتایج
۴۸	۴-۱- نتایج آزمایش فعالیت هماگلوتیناسیون (HA)
۴۸	۴-۲- نتایج آزمایش مهار هماگلوتیناسیون (HI)
۴۸	۴-۳- استخراج RNA و ساخت cDNA
۴۹	۴-۴- PCR و تعیین توالی اسیدهای نوکلئیک
۴۹	۴-۵- ارزیابی توالی‌ها
۵۵	فصل پنجم: بحث و پیشنهادات
۵۵	۵-۱- بحث
۵۸	۵-۲- پیشنهادات
۵۹	منابع

فهرست شکل‌ها

شماره صفحه	عنوان
۱۱	شکل ۱-۲: ساختار ویروس آنفلوانزا
۱۱	شکل ۲-۲: قطعات ژنومی کد کننده پروتئین‌های ویروس آنفلوانزا
۱۵	شکل ۳-۲: سکانس کامل ژن M که از دو ژن با نام‌های M1 و M2 تشکیل شده است.
۴۹	شکل ۱-۴: تصویر الکتروفورز ژل آگارز مربوط به کنترل کیفی cDNA ساخته شده از ژن M2 ویروس آنفلوانزا
۴۹	شکل ۲-۴: تصویر الکتروفورز ژل آگارز محصول PCR مربوط به تکثیر cDNA ژن M2 ویروس آنفلوانزا
۵۰	شکل ۳-۴: نتایج Aignment نتایج سکانس با سویه‌های منتخب از بانک ژن با استفاده از نرم‌افزار Clustal X

فهرست جدول‌ها

شماره صفحه	عنوان
۴۵	جدول ۱-۳ سایر دستگاه‌های مورد استفاده در آزمایش PCR
۴۶	جدول ۲-۳ مواد مورد نیاز جهت ساخت Master mix و مقدار آن‌ها
۴۶	جدول ۳-۳ برنامه حرارتی مورد استفاده در آزمایش PCR
۵۳	جدول ۱-۴ میزان تشابه نمونه‌های سکانس شده با برخی سویه‌های موجود در بانک ژن

فصل اول

مقدمه

پرورش طیور به صورت اهلی از دیرباز مورد توجه انسان قرار داشته است. همزمان با پیشرفت حرفه‌ای و عملی این رشته و کاربرد فناوری در توسعه آن امروزه به عنوان یک صنعت پیشرفته در مورد های مختلف پا به میدان نهاده است. صنعت پیشرفته‌ی طیور با چالش‌های مختلفی همراه بوده است؛ از جمله بیماری‌های مختلفی که آن را در معرض خطر قرار داده و خسارت‌های فراوانی را به آن وارد ساخته است که بیماری آنفلوانزا یکی از مهمترین این بیماری‌هاست.

آنفلوانزای طیور (Avian Influenza) یکی از مهمترین بیماری های ویروسی طیور می باشد که در تمام دنیا گسترش دارد. عامل این بیماری ویروسی از خانواده ی ارتومیکسوویریده (Orthomyxoviridae family) می باشد. این خانواده دارای ژنوم ۸ قطعه ای و ۳ تیپ A، B و C است. تیپ های B و C عامل آنفلوانزای انسانی هستند. تیپ A در انسان و سایر پستانداران و پرندگان ایجاد بیماری می کند. گونه های مختلف پرندگان وحشی و عمدتاً طیور آبی مخازن مهم ویروس هستند. گسترش ویروس آنفلوانزای طیور در انواع پرندگان اهلی و وحشی گزارش شد است. بوقلمون (Turkey) حساس ترین پرنده به این ویروس است.

در ماکیان بیماری از حالت تحت بالینی با عفونت خفیف دستگاه تنفس فوقانی و با کاهش مختصر در تولید تخم مرغ، تا بیماری حاد و کشنده و کاهش تولید تخم مرغ تا حد صفر و درگیری عصبی، گوارشی، ضایعات دستگاه ادراری، دستگاه تولد مثل، قلب و عروق و عضلات، به صورت متغیر می باشد. با توجه به افزایش نیاز به صنعت پرورش مرغ، تراکم بیش از حد واحدهای مرغداری، مدیریت نامناسب و عدم قرنطینه ی کافی در واحدهای درگیر، این بیماری شیوع پیدا کرده است [۴۹،۳۵].

این بیماری از نظر اقتصادی بسیار با اهمیت است و علاوه بر خسارات مستقیم ناشی از خود بیماری و تلفات شدید آن، خطر آلودگی انسان هم وجود دارد. در اکثر موارد تلفات و خسارات ناشی از یک واگیری آنفلوانزا قابل پیشگیری نمی باشد؛ زیرا عوامل متعددی همچون اختلاف در خواص بیولوژیک ویروس، عفونت های همزمان، استرس های محیطی، سن و جنس پرنده نتیجه عفونت را تحت تاثیر قرار می دهد؛ در نتیجه در یک واگیری بیماری آنفلوانزا میزان واگیری و مرگ و میر از مقادیر ناچیز تا نزدیک به صد درصد ممکن است متغیر باشد. ویروس های آنفلوانزا قابلیت تغییرات ژنتیکی بسیار زیادی دارند و دارای خاصیت جهش زایی شیفت (Shift) و دریفت (Drift) فراوانی هستند. شواهدی در دست است که این ویروس ها با تغییراتی قابل انتقال به پستانداران بوده و یا می توانند از پستانداران به پرندگان منتقل شوند. بیماری آنفلوانزا خصوصاً توسط پرندگان آبی مهاجر قابل انتشار بوده و در سراسر دنیا ایجاد مشکل نموده است؛ لذا آنفلوانزا یک مشکل جهانی است و راه حل ها نیاز به همکاری، تلاش و کوشش بین المللی خواهد داشت. مخزن این ویروس پرندگان وحشی و آبی است و تاکنون تحت تیپ های بسیاری از ویروس آنفلوانزا که از نظر آنتی ژن های همآگلوتینین (Hemmaglutinin) و نورآمیریداز (Neuraminidase) متفاوت می باشند، در پرندگان اهلی و وحشی در سراسر جهان به دست آمده است [۳۶،۳۵]. بیماری آنفلوانزا اولین بار در ایران در خرداد ماه سال ۱۳۷۷ در مرغداری های گوشتی، تخمگذار و مادر اطراف تهران و قزوین شیوع پیدا کرد و پس از جداسازی تحت تیپ آن، H9N2 شناسایی شد و سپس در اکثر نقاط کشور شایع گردید [۱۳۹،۱۳۸].

پیشگیری از آنفلوانزا عمدتاً بر اساس واکسیناسیون می باشد. گرچه واکسن های زنده ی تخفیف حدت یافته نیز در بعضی از کشورها مورد استفاده قرار می گیرند، اما در حال حاضر اکثر واکسن های آنفلوانزا که در کلینیک ها مورد استفاده قرار می گیرند غیرفعال و ناکارآمد شده اند [۶۵،۱۰۱].

قطعه ی ماتریکس (Matrix) ویروس آنفلوانزا که بر روی قطعه ی هفتم ژنوم این ویروس قرار گرفته است، پروتئین- های M1 و M2 را کد می کند. مطالعات پیشین آشکار کرده اند که پروتئین M2 یک پروتئین غشایی است که عملکرد کانال یونی را داشته و در نفوذ به سلول میزبان و در پوشش برداری (RNA uncoating) ویروسی نقش

دارد [۵۵،۱۰۸،۱۱۰]. پهنه‌ی وسیع پروتئین M2 آنفلوانزا که تقریباً در میان تمام تحت تیپ های ویروس A آنفلوانزا، به خصوص H5N1 و H9N2 حفاظت شده است، به عنوان گزینه‌ای نوید دهنده جهت توسعه ی واکسن- های نو ترکیب وسیع ال‌طیف آنفلوانزای A تلقی می‌گردد [۲۷]. قبلاً چندین واکسن بنا نهاده شده بر M2 علیه چالش با ویروس های آنفلوانزای همولوگ و غیر همولوگ شامل تحت تیپ H5N1 با محافظت موفقیت آمیز تأیید شده است و در میان آن ها شواهدی برای اهمیت نقش محافظتی آنتی بادی‌های اختصاصی M2e (بخش خارجی پروتئین M2) وجود دارد [۳۴،۹۳،۱۱۷،۱۳۴].

توضیحات فوق بر ضرورت بررسی و تحقیق بیشتر روی ویروس H9N2 که در سرتاسر جهان در حال گردش است، تأکید می‌کند. در این تحقیق سعی بر آن بوده است که با ارزیابی توالی اسید های نوکلئیک ژن M2 ویروس آنفلوانزای طیور تحت تیپ H9N2 در ایران با استفاده از روش RT-PCR و توالی یابی اسیدهای نوکلئیک ژن مورد نظر، میزان شباهت سویه‌های ایرانی نمونه‌های اخذ شده از نظر توالی اسید های نوکلئیک با دیگر سویه ها تعیین گردد. بدین وسیله میزان حفاظت شدگی این ژن در سویه های جداشده ایرانی مشخص گردیده که در آینده می - توان از آن برای تولید واکسن نو ترکیب مناسب و با حفاظت‌کنندگی بالا و طولانی مدت استفاده نمود.

فصل دوم

کلیات

۲-۱- تاریخچه

بیماری آنفلوانزا (Influenza)، یک بیماری عفونی است که بوسیله ویروس های RNA از خانواده ی ارتومیکسوویریده ایجاد شده و پرندگان و پستانداران را مبتلا می کند [۶۲،۵۵]. نام آنفلوانزا در حقیقت از تلاش اولیه ای که برای تعریف این ویروس صورت گرفته مشتق شده است . در قرن چهارم میلادی در شهر فلورانس ایتالیا در یک گردهمایی تاثیر ستارگان بر این بیماری مورد بحث و بررسی قرار گرفت و معنای کلمه ی Influenza به معنای تاثیر، برتری و یا توفیق می باشد. این بیماری به همین اسم، نام گذاری شد که در قرن حاضر هم به تلفظ ایتالیایی به آن آنفلوانزا می گویند [۳۵،۴۹]. بیماری آنفلوانزا یکی از مهمترین بیماری های مشترک بین انسان و طیور می باشد. آنفلوانزا هر ساله بین انسان ها شیوع یافته و باعث سرفه، عطسه، سردرد، تب شدید و دردهای عفونی و موضعی در بدن می شود. علیرغم خسارت های صدها میلیارد دلاری بر صنعت طیور جهان، در پاندمی های (Pandemics) اسپانیا (۱۹۱۸-۱۹۱۹)، آسیا (۱۹۵۷) و هنگ کنگ (۱۹۶۸)، به ترتیب تلفات ۵۰ میلیون، یک میلیون و ۲۰ میلیون انسان را در جهان باعث شده است [۶۶،۲۰]. هرکدام از این پاندمی ها بوسیله ی تظاهر گونه ی جدیدی از این ویروس در انسان ها ظاهر می شد. اغلب این گونه های جدید وقتی نمایان می شوند که یک ویروس آنفلوانزا از گونه های حیوانی دیگر به انسان ها منتقل می شود، یا وقتی که یک گونه ی انسانی ژن های جدیدی را از یک ویروس عامل عفونت در پرندگان یا خوک ها دریافت می کند. اخیراً بروز سویه ی جدید H5N1 و ایجاد سویه - های نو ترکیب جدید از تیپ A آنفلوانزا باعث وحشت جامعه ی بین المللی شده است [۴۶،۳۸]. تاکنون گزارش انتقال این ویروس از پرنده به انسان ثابت شده است ، ولی در مورد انتقال انسان به انسان گزارش های موثقی در دست نیست؛ درعین حال انتقال انسان به انسان این ویروس قابل پیش بینی و میسر است که در نتیجه ی آن فاجعه ی جهانی رخ خواهد داد [۸۱].

در آپریل ۲۰۰۹ یک گونه ی جدید آنفلوانزا پدیدار شد که ترکیبی از ژن های ویروسی آنفلوانزای پرندگان، خوک و انسان را با خود داشت . این گونه که در ابتدا لقب آنفلوانزای خوکی (Swine Flu) را گرفت با نام آنفلوانزای A/H1N1، برای اولین بار در مکزیک، ایالات متحده امریکا و چند کشور دیگر پدیدار شد که سازمان بهداشت جهانی، وقوع یک پلندمی را در ۱۱ ژوئن ۲۰۰۹ به طور رسمی اعلام کرد [۶۸].

معمول ترین واکسن انسانی، واکسن آنفلوانزای سه گانه (TIV) یا Influenza Trivalent Inactivated است، که حاوی مواد غیر فعال و تخلیص شده از سه گونه ی ویروسی است. به عنوان نمونه این واکسن شامل موادی از دو گونه ی ویروسی آنفلوانزای نوع A و یک گونه آنفلوانزا ی نوع B است [۱۴۸،۴۲]. TIV هیچ گونه خطر انتقال بیماری نداشته و فعالیت ضعیفی دارد [۱۴۸،۱۴۲]. واکسن های ساخته شده در هر سال ممکن است برای سال بعد بی اثر باشند؛ چون ویروس آنفلوانزا به سرعت تغییر پیدا می کند و گونه های جدید به سرعت جایگزین گونه های قبلی می شوند [۱۴۸،۳۰]. داروهای ضد ویروسی را به همراه مهارکننده های نورآمینیداز می توان برای معالجه ی آنفلوانزا بکار برد که البته برای برخی گونه ها به طور جزئی مؤثر و یا حتی بی اثر هستند [۷۷،۷۱]. ویروس های آنفلوانزا بوسیله ی نور خورشید، ضد عفونی کننده ها و دترجنت ها (Detergents) غیر فعال می شوند [۱۰۳].

آنفلوانزای پرندگان در بوقلمون شدیدتر از ماکیان است و در اکثر پرندگان دیده می شود. آنفلوانزای طیور یک بیماری بسیار واگیر است که عامل آن در دستگاه های تنفس و گوارش جایگزین شده، گاهی مرگ و میر بسیار شدیدی در بین پرندگان آلوده ایجاد می کند. اولین بار در سال ۱۸۷۸ در ایتالیا توسط Perroncito به عنوان یک

بیماری خطرناک ماکیان تحت نام طاعون ماکیان (Avian Plague) تعریف شد. در سال ۱۹۰۱ عامل بیماری توسط Centanni و Savunozzi یک عامل پالایش پذیر توصیف شد و اعلام شد که این عامل احتمالاً یک ویروس می باشد [۵۳].

۲-۲- اتیولوژی

ویروس آنفلوانزا متعلق به خانواده Orthomyxoviridae است که دارای ژنوم RNA تک رشته ای ۸ قطعه ای و با سنس منفی (Negative Sense) می باشد.

۲-۱- رده بندی انواع ویروس آنفلوانزا

سویه های انسانی و طیوری ۳ جنس از میان ۵ جنس در خانواده ی اورتومیکسوویریده را به خود اختصاص می دهند و عبارتند از:

آنفلوانزای A

آنفلوانزای B

آنفلوانزای C

۲-۱-۱- ویروس آنفلوانزا تیپ A

این جنس یک گونه دارد؛ ویروس آنفلوانزای A. پرندگان آبنی وحشی میزبان های طبیعی برای انواع تحت تیپ - های ویروس آنفلوانزای A هستند. گاهی اوقات ویروس ها به گونه های دیگر منتقل شده و ممکن است پس از آن باعث طغیان بیماری در پرندگان خانگی و بومی یا پاندمی های آنفلوانزای انسانی شوند. ویروس های نوع A بیشترین بیماری زایی را در میان سه تیپ ویروس آنفلوانزا داشته و سخت ترین نوع بیماری را ایجاد می کنند [۱۴۰]. این ویروس را می توان بر اساس پاسخ آنتی بادی ها به ویروس ها، به سروتیپ های مختلفی تقسیم بندی کرد. این سروتیپ ها که در انسان ها تأیید شده و بر اساس تعدادی از مرگ و میرهای پاندمیک انسانی مرتب شده اند عبارتند از:

Spanish Flu.H1N1، که موجب پاندمی های ۱۹۱۸ و ۲۰۰۹ شد.

Asian Flu .H2N2 در ۱۹۵۷

Hung Kong Flu .H3N2 در ۱۹۶۸

H5N1، پاندمی کنونی و قابل تهدید در پرندگان و انسان

H7N7، که پتانسیل Zoonotic غیر معمولی دارد [۱۰۵].

H1N2، اندمیک (Endemic) در انسان ها و خوک ها

H9N2، اندمیک در پرندگان و انسان

H7N2

H7N3

۲-۱-۲-۲- ویروس آنفلوانزا تیپ B

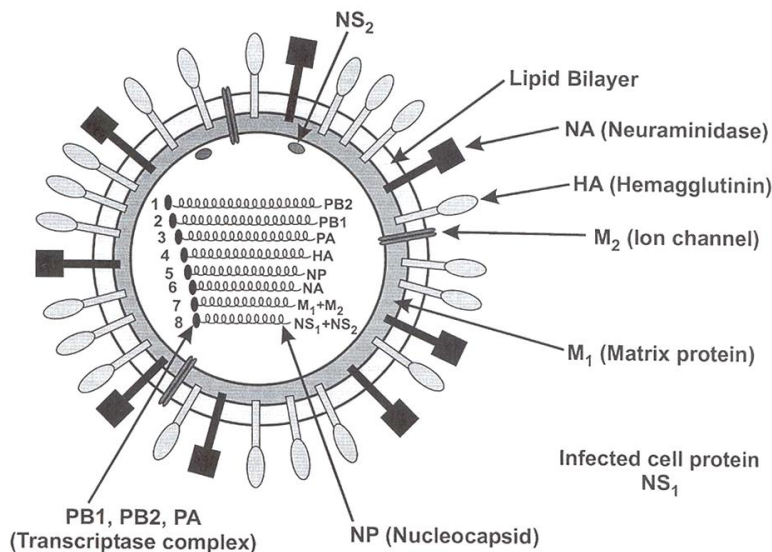
این جنس یک گونه دارد؛ ویروس B آنفلوانزا. آنفلوانزای B تقریباً فقط انسان‌ها را مبتلا می‌کند [۱۰۵] و شیوع کمتری نسبت به آنفلوانزای A دارد. تنها حیوانات شناسایی شده که مستعد عفونت آنفلوانزا B هستند، خوک آبی (Seal) و راسو (Ferret) هستند [۱۰۳]. این نوع آنفلوانزا به میزان ۲ تا ۳ برابر کندتر از نوع A تغییر پیدا می‌کند و در نتیجه از نظر ژنتیکی کمتر دچار تغییر شده و فقط یک نوع سروتیپ دارد [۹۰]. ولی به هر حال آنفلوانزای B نیز دچار تغییر می‌شود و ایمنی پایدار با آن ممکن نیست [۹]. کاهش میزان تغییر آنتی ژنی، با تعداد میزبان محدود آن ارتباط دارد و این اطمینان را می‌دهد که پاندمی‌های آنفلوانزای B احتمالاً اتفاق نخواهد افتاد [۱۰۳].

۲-۱-۲-۳- ویروس آنفلوانزا تیپ C

این جنس هم یک گونه دارد؛ ویروس C آنفلوانزا، که انسان‌ها، سگ‌ها و خوک‌ها را بیمار می‌کند. گاهی اوقات هم علاوه بر بیماری سخت، اپیدمی‌های محلی را نیز ایجاد می‌کند [۸۹]. به هر حال آنفلوانزای C، کمتر از انواع دیگر شیوع دارد و معمولاً فقط بیماری ملایمی را در کودکان ایجاد می‌کند [۱۲۴].

۲-۳- مورفولوژی

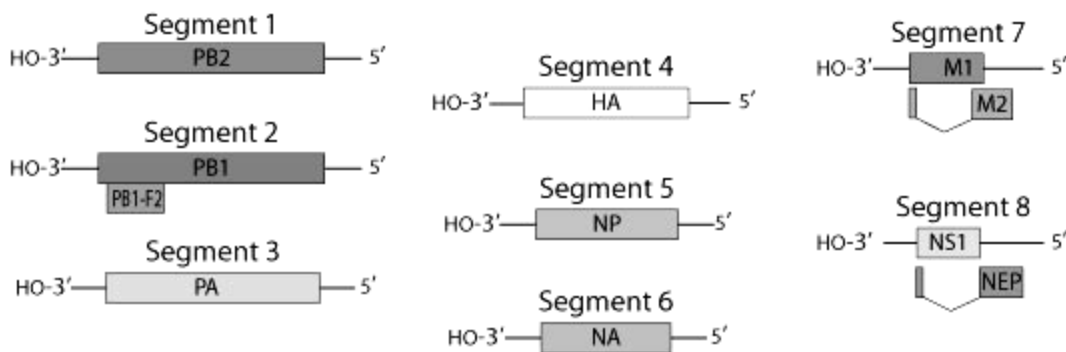
ویروس‌های آنفلوانزای A، B و C از نظر ساختمان عمومی خیلی شبیه هستند [۹۳، ۱۲]. قطر این ذرات ویروسی ۸۰-۱۲۰ نانومتر بوده و معمولاً به شکل کروی با سطح ناهموار است؛ اگرچه اشکال رشته‌ای (Fillament) نیز در میان آن‌ها دیده می‌شود. این اشکال رشته‌ای بیشتر در آنفلوانزای C رایج بوده و ساختمان‌های طناب مانندی با طول بیش از ۵۰۰ میکرومتر هستند که روی سطح سلول‌های آلوده شده قرار می‌گیرند [۱۲]. به هر حال علی‌رغم این شکل‌های متنوع، ذرات ویروسی در هر سه مورد، ترکیب مشابهی دارند [۱۴۹]. این ذرات از یک پوشش ویروسی حاوی دو نوع گلیکوپروتئین ساخته شده‌اند که اطراف بخش مرکزی را در بر می‌گیرند. این بخش مرکزی حاوی ژنوم RNA ویروسی و پروتئین‌های ویروسی دیگری است که RNA را در بر گرفته و از آن محافظت می‌کنند. RNA به صورت تک رشته‌ای می‌باشد؛ مگر در انواع خاص که دو رشته‌ای هستند [۱۴۹، ۸۵]. معمولاً در یک ویروس ژنوم به صورت یک قطعه‌ی منفرد از اسید نوکلئیک نیست؛ در عوض حاوی ۷ یا ۸ قطعه RNA به صورت قطعه قطعه شده است که هر قطعه از RNA حاوی یک یا دو ژن است (شکل ۲-۱) [۲۳].



شکل ۲-۱: ساختار ویروس آنفلوانزا: هم‌آگلوتینین (HA) و نورآمینیداز (NA) بر روی سطح ویروس قرار گرفته‌اند. RNA ویروس توسط پروتئین‌های ریبونوکلیئاز (RNPs) احاطه شده‌اند [۲۳].

۲-۳-۱- پروتئین‌های ویروسی

از ۸ قطعه ژن ویروس آنفلوانزا، ۱۰ پروتئین ساخته می‌شود (شکل ۲-۲) که در مورد برخی از پروتئین‌های مهم بحث خواهد شد؛ هم‌آگلوتینین (HA)، نورآمینیداز (NA)، نوکلئوپروتئین (NP)، M1، M2، NS1، NS2 (NEP)، PA، PB1، PB1-F2 و PB2 [۷۰].



شکل ۲-۲: قطعات ژنومی کدکننده پروتئین‌های ویروس آنفلوانزا [۷۰].

۲-۳-۱-۱- پروتئین PB2

از اولین قطعه‌ی ژنوم ویروس به طول ۲۳۴۱ نوکلئوتید، پروتئین PB2 به طول ۷۵۹ اسیدآمینه ساخته می‌شود که یک جزء مهم کمپلکس تکثیر می‌باشد. این پروتئین نقش مهمی در شروع رونویسی دارد؛ چرا که محل اتصال pre-mRNA CAPهای سلولی است. البته علاوه بر رونویسی در تکثیر هم نقش دارد. PB2 یک جزء مهم در حدت و تعیین میزبان ویروس می‌باشد [۱۲۲،۶].

۲-۳-۱-۲- پروتئین PB1

از دومین قطعه‌ی ژنوم ویروس به طول ۲۳۴۱ نوکلئوتید، پروتئین PB1 به طول تقریبی ۷۵۷ اسیدآمینه که جزء کمپلکس پلیمرز (Polymerase Complex) ویروسی است، ساخته می‌شود. این پروتئین در حین طویل شدن RNA، اضافه شدن نوکلئوتیدها را کاتالیز می‌کند [۱۳].

۲-۳-۱-۳- پروتئین PA

در مورد پروتئین PA به طول ۷۱۶ اسیدآمینه که از قطعه‌ی سوم ژنوم ویروس به طول ۲۲۳۳ نوکلئوتید کد می‌شود، عملکرد خاصی شناسایی نشده است. البته مطالعات نشان داده‌اند که PA خاصیت پروتئولیتیکی (Proteolytic) داشته و در تکثیر و رونویسی نقش دارد ولی جزئیات عمل آن مشخص نشده است [۱۱۳،۵۹].

۲-۳-۱-۴- گلیکوپروتئین هم‌گلوپروتئین (HA)

گلیکوپروتئین HA به طول ۵۵۶ اسیدآمینه از قطعه‌ی چهارم ژنوم به طول ۱۷۷۸ نوکلئوتید کد می‌شود. این گلیکوپروتئین فراوان‌ترین گلیکوپروتئین سطحی ویروس بوده که معرف ۳۰٪ کل پروتئین‌های ویروس است. در هر ویروس ۵۰۰ گلیکوپروتئین HA وجود دارد. وزن مولکولی HA ۶۰ کیلو دالتون است که ممکن است به دو مولکول HA1 و HA2 تقسیم شود. عمل اصلی آن اتصال به رسپتور و فعالیت فیوژن می‌باشد. این گلیکوپروتئین به صورت استوانه‌ای شکل می‌باشد. انتهای کربوکسی آن در داخل غشای ویروسی قرار گرفته و انتهای هیدروفیلیک (hydrophilic) N-terminal آن از غشاء بیرون زده است.

اولین عملکرد مهم HA اتصال به رسپتور (receptor) است که محل اتصال به رسپتور در سر گلبولی مولکول می‌باشد. در تحت تیپ H3 در طول پاکت اتصال به رسپتور در ویروس‌های پرندگان، در جایگاه ۲۲۶ یک گلوتامین (Glutamine) قرار دارد که ترجیحاً به رسپتور ۲-۳ α متصل می‌شود. در حالی که قرارگیری یک لوسین (Leucine) در این جایگاه در مورد ویروس‌های انسانی باعث اتصال به رسپتور ۲-۶ α می‌شود.

دومین عملکرد HA، فیوژن (fusion) وابسته به اسید است که جهت روند پوشش برداری لازم است. pH پایین باعث ایجاد تغییراتی در ساختار HA شده که باعث می‌شود مولکول به برش توسط پروتئاز (protease) حساس شود. مهم‌ترین تغییر این است که پپتید فیوژن (Fusion Peptid) در معرض قرار گرفته و باعث ادغام غشای اندوزومی و غشای ویروسی شده و لذا باعث ورود RNP (RiboNucleoProtein) به داخل سیتوپلاسم می‌گردد. علاوه بر این مشخصات، HA یک determinant آنتی‌ژنی می‌باشد که آنتی‌بادی‌های تغییر دهنده علیه آن تولید شده و تغییرات اسیدآمینه‌ای در این نواحی آنتی‌ژنیک باعث ایجاد آنتی‌ژنیک دریافت می‌شوند [۱۵۱].