



دانشگاه سوادکوه

دانشکده علوم کشاورزی

گروه بیوتکنولوژی

(بیوتکنولوژی در کشاورزی)

عنوان:

تأثیر تنش اکسیداتیو القاء شده توسط آمینوتریازول (AT) روی خصوصیات بیوشیمیایی و ملکولی

گیاهان موتانت *old101* آرابیدوپسیس (*Arabidopsis thaliana* L.)

از:

پیمان منبری

استاد راهنما:

دکتر رضا شیرزادیان خرم آباد

اسفند ۱۳۹۲

بِسْمِ اللَّهِ الرَّحْمَنِ الرَّحِيمِ

دانشکده علوم کشاورزی

گروه بیوتکنولوژی

(بیوتکنولوژی در کشاورزی)

عنوان:

تأثیر تنش اکسیداتیو القاء شده توسط آمینوتریازول (AT) روی خصوصیات بیوشیمیایی و ملکولی

گیاهان موتانت *old101* آرابیدوپسیس (*Arabidopsis thaliana* L.)

از:

پیمان منبری

استاد راهنما:

دکتر رضا شیرزادیان خرم‌آباد

استادان مشاور:

دکتر علی اعلمی، دکتر محمد قدم‌یاری

اسفند ۱۳۹۲

تقدیم به

پدر و مادر عزیزم

و

برادر و خواهران مهربانم

از اساتید و اساتید محترم آقای دکتر رضا شیرزادیان خرم آباد به پاس زحمات بی دریغشان کمال تشکر را دارم.

از اساتید مشاور جناب آقای دکتر علی علمی و دکتر محمد قدم پاری قدر دانی می نمایم.

از مدیر محترم گروه بیوتکنولوژی جناب آقای دکتر حسن حسینی کومله تشکر می کنم.

از مسئولین محترم آزمایشگاه های بیوتکنولوژی و ژنومیکس، آقایان مهندس محمد حسین رضادوست و مهندس

حسام الدین حسینی تشکر می کنم.

از کلیه دوستان و همکلاسی های خوبم

تشکر می کنم و برای همه ی آن ها آرزوی موفقیت دارم.

س	چکیده فارسی
ش	چکیده انگلیسی

ش	مقدمه
---	--------------

۴	کلیات و مرور منابع
---	---------------------------

۵	۱-۱- آرابیدوپسیس
۶	۲-۱- تنش
۶	۳-۱- تعریف تنش اکسیداتیو
۷	۱-۳-۱- انواع گونه‌های فعال اکسیژن (ROS)
۷	۲-۳-۱- فاکتورهای القا کننده تنش اکسیداتیو در گیاهان
۷	۱-۲-۳-۱- تنش‌های غیر زیستی
۷	۱-۱-۲-۳-۱- سرما
۸	۲-۱-۲-۳-۱- شوری
۹	۳-۱-۲-۳-۱- خشکی
۱۱	۲-۲-۳-۱- تنش‌های زیستی
۱۲	۳-۲-۳-۱- عوامل شیمیایی
۱۲	۳-۲-۳-۱- آمینوتریازول (3Amino 1-2,4Triazole)
۱۲	۳-۳-۱- منابع تولید گونه‌های فعال اکسیژن (ROS) در سلول
۱۲	۱-۳-۳-۱- کلروپلاست
۱۳	۲-۳-۳-۱- میتوکندری
۱۳	۳-۳-۳-۱- شبکه آندوپلاسمی صاف
۱۳	۴-۳-۳-۱- پراکسیزومها
۱۴	۵-۳-۳-۱- دیواره سلولی
۱۴	۴-۳-۱- نقش گونه‌های فعال اکسیژن (ROS) بعنوان انتقال دهنده پیام در سلول و اهمیت آن‌ها در رشد و نمو گیاهان
۱۶	۵-۳-۱- خسارت گونه‌های فعال اکسیژن (ROS) بر بیوملکولها
۱۷	۶-۳-۱- دفاع در برابر گونه‌های فعال اکسیژن (ROS)
۱۸	۱-۶-۳-۱- سیستم دفاع آنزیمی
۱۸	۱-۱-۶-۳-۱- سوپر اکسید دیسموتاز (SOD)

۱۹ ۱-۶-۳-۲- کاتالاز (CAT)
۱۹ ۱-۶-۳-۳- آسکوربات پراکسیداز (APX)
۲۰ ۱-۶-۳-۲- سیستم دفاعی غیر آنزیمی
۲۰ ۱-۶-۳-۱- آسکوربات (AsA)
۲۱ ۱-۶-۳-۲- گلوکاتیون (GSH)
۲۱ ۱-۶-۳-۳- توکوفرول ها
۲۲ ۱-۶-۳-۴- ترکیبات فنولی
۲۳ ۱-۴-۴- تاثیر تنش بر سلول
۲۳ ۱-۴-۱- درک تنش
۲۴ ۱-۴-۱- مولکول های دریافت کننده پیام
۲۴ ۱-۴-۱- دریافت کننده های وابسته به G پروتئین ها
۲۴ ۱-۴-۲- دریافت کننده های وابسته به کانال های یونی
۲۵ ۱-۴-۳- دریافت کننده های دو زیر واحدی هیستیدین کیناز
۲۵ ۱-۴-۴- انتقال پیام به هسته سلول
۲۸ ۱-۵- نقش ROS ها در سیگنالینگ
۲۹ ۱-۶-۶- بررسی بیان ژن های واکنش گر به تنش
۲۹ ۱-۶-۶- ژن های واکنش گر به تنش
۳۰ ۱-۶-۱- ژن <i>FIERY1</i>
۳۰ ۱-۶-۱- فعالیت اینوزیتول پلی فسفات ۱- فسفاتازی
۳۱ ۱-۶-۲- فعالیت ۳(۲)، ۵ بیس فسفات نوکلئوتیدازی
۳۳ ۱-۶-۳- ارتباط ژن <i>FRY1</i> با سایر ژن ها
۳۴ ۱-۶-۴- جهش <i>old101</i>
۳۵ ۱-۶-۵- جهش <i>ron1-1</i>
۳۶ ۱-۶-۲- ژن <i>GST1</i>
۳۶ ۱-۶-۳- ژن های خانواده اگزوریبونوکلئاز (<i>XRN</i> s)
۳۸ ۱-۶-۴- ژن های خانواده آسکوربات پراکسیداز (<i>APX</i> s)
۳۸ ۱-۷- بیان ژن و روش Quantitative Real Time PCR
۳۹ ۱-۷-۱- تعریف Q Real-Time RT-PCR
۳۹ ۱-۷-۲- مراحل Q Real Time PCR

- ۴۰-۱-۲-۷-۱ DNA رنگ متصل شونده به DNA
- ۴۰-۲-۲-۷-۱ Q Real Time PCR بازدهی
- ۴۱-۳-۲-۷-۱ Ct پارامتر
- ۴۲-۴-۲-۷-۱ ژن مرجع
- ۴۲-۵-۲-۷-۱ نرمال سازی
- ۴۲-۶-۲-۷-۱ کمی سازی نسبی
- ۴۳-۷-۲-۷-۱ Q Real Time PCR کمی تحلیل اطلاعات

مواد و روش‌ها

- ۴۴-۱-۲-۱-۲ بررسی برخی شاخص‌های مورفولوژیکی در گیاهچه‌های جهش یافته و مادری تحت تیمار اکسیداتیو القا شده توسط آمینوتریازول (AT)
- ۴۵-۱-۱-۲ ضد عفونی بذور و تیمار سرمایی
- ۴۵-۲-۱-۲ ساخت محیط MS
- ۴۶-۳-۱-۲ کشت بذور روی محیط MS
- ۴۶-۴-۱-۲ تهیه محلول پایه آمینوتریازول (AT)
- ۴۷-۵-۱-۲ بررسی جوانه زنی بذور جهش یافته و مادری
- ۴۸-۶-۱-۲ بررسی جوانه زنی بذور جهش یافته (*old101*) و مادری (*Ler-o*) در غلظت‌های مختلف آمینوتریازول
- ۴۸-۲-۲ کشت بذر ژنوتیپ‌های *Ler-0*، *old101* و *ron1-1* در محیط MS جهت ایجاد تنش اکسیداتیو
- ۴۹-۳-۲ بررسی فعالیت‌های بیوشیمیایی
- ۴۹-۱-۳-۲ سنجش میزان گروه‌های دارای اکسیژن احیا (ROS) در برگ گیاهچه‌ها
- ۵۱-۲-۳-۲ بررسی فعالیت آنزیم‌های دارای فعالیت آنتی‌اکسیدانی
- ۵۱-۱-۲-۳-۲ آنزیم پراکسیداز (POD)
- ۵۲-۲-۲-۳-۲ سنجش فعالیت آنزیم کاتالاز (CAT)
- ۵۲-۳-۲-۳-۲ آسکوربات پراکسیداز (APX)
- ۵۳-۴-۲-۳-۲ سنجش فعالیت آنزیم گلوکاتایون اس- ترانسفراز
- ۵۳-۵-۲-۳-۲ اندازه‌گیری کلروفیل a، کلروفیل b و کاروتنوئیدها
- ۵۴-۴-۲ استخراج RNA
- ۵۵-۱-۴-۲ حذف آلودگی DNA ژنومی
- ۵۶-۲-۴-۲ بررسی کمیت RNA با اسپکتوفوتومتر

۵۶	۳-۴-۲- بررسی کیفیت RNA استخراج شده با استفاده از الکتروفورز ژل آگارز ۱٪
۵۷	۴-۴-۲- ساخت cDNA
۵۸	۱-۴-۴-۲- بررسی صحت ساخت cDNA
۵۸	۱-۱-۴-۴-۲- واکنش کنترل منفی RT
۵۸	۲-۱-۴-۴-۲- واکنش کنترل منفی (NTC)
۵۸	۳-۱-۴-۴-۲- کنترل ساخت cDNA با استفاده از ژل آگارز ۱٪
۵۹	۴-۱-۴-۴-۲- بررسی کیفیت cDNA ساخته شده
۵۹	۵-۱-۴-۴-۲- بررسی محصول PCR کنترل ساخت cDNA در فرایند الکتروفورز ژل آگارز ۱ درصد
۶۰	۵-۴-۲- طراحی آغازگرها (پرایمرها) با استفاده از نرم افزار طراحی

نتایج و بحث

۶۲	۱-۳- بررسی شاخص‌های مورفولوژیکی ژنوتیپ‌های موتانت <i>old101</i> و <i>ron1-1</i> در مقایسه با گیاهان مادری (<i>Ler-0</i>)
۶۳	۱-۱-۳- بررسی جوانه‌زنی بذور ژنوتیپ‌های موتانت <i>old101</i> و <i>ron1-1</i> در مقایسه با گیاهان مادری (<i>Ler-0</i>) در کد جوانه‌زنی B=۰/۵
۶۴	۲-۱-۳- بررسی جوانه‌زنی بذور ژنوتیپ‌های موتانت <i>old101</i> و <i>ron1-1</i> در مقایسه با گیاهان مادری (<i>Ler-0</i>) در کد جوانه‌زنی C=۰/۷
۶۶	۳-۱-۳- بررسی وزن تر گیاهان جهش یافته نسبت به گیاهان مادری (<i>Ler-0</i>)
۶۶	۱-۳-۱-۳- بررسی وزن تر شاخساره گیاهان جهش یافته نسبت به گیاهان مادری (<i>Ler-0</i>)
۶۷	۲-۳-۱-۳- بررسی وزن تر ریشه گیاهان جهش یافته نسبت به گیاهان مادری (<i>Ler-0</i>)
۶۹	۳-۳-۱-۳- بررسی وزن تر کل گیاهان جهش یافته نسبت به گیاهان مادری (<i>Ler-0</i>)
۷۲	۲-۳- بررسی میزان محتوای کلروفیل کل و محتوای کارتنوئیدها در گیاهان جهش یافته <i>old101</i> و <i>ron1-1</i> نسبت به گیاهان مادری (<i>Ler-0</i>)
۷۵	۳-۳- اندازه‌گیری میزان تجمع گونه‌های فعال اکسیژن (ROS) با استفاده از DAB
۷۶	۴-۳- بررسی فعالیت آنزیم‌های آنتی‌اکسیدانت
۷۶	۱-۴-۳- آنزیم آسکوربات پراکسیداز (APX)
۷۸	۲-۴-۳- آنزیم کاتالاز (CAT)
۸۰	۳-۴-۳- آنزیم پراکسیداز (POD)
۸۲	۵-۳- بررسی بیان نسبی ژن‌های مرتبط با تنش اکسیداتیو
۸۲	۱-۵-۳- بررسی میزان بیان نسبی ژن <i>DEFL</i>

۸۴.....	۲-۵-۳- بررسی میزان بیان نسبی ژن <i>FRY1</i>
۸۶.....	۳-۵-۳- میزان بیان نسبی ژن <i>GST1</i>
۸۷.....	۴-۵-۳- بررسی میزان بیان نسبی ژن <i>sAPX</i>
۸۹.....	۵-۵-۳- بررسی میزان بیان نسبی ژن <i>XRN3</i>
۹۰.....	۶-۵-۳- بررسی میزان بیان نسبی ژن <i>XRN2</i>
۹۱.....	۶-۳- نتیجه گیری.....
۹۴.....	منابع

- جدول ۱-۱- سیستم‌های دفاع آنتی‌اکسیدانی در گیاهان در برابر تنش اکسیداتیو..... ۱۸
- جدول ۱-۲- ترکیبات شیمیایی و مقادیر مورد نیاز از آنها برای تهیه استوک‌های محیط MS..... ۴۶
- جدول ۲-۲- کد بندی مراحل مختلف رشد ۴۸
- جدول ۳-۲- روش تهیه‌ی ۵۰۰ ml تریس استات ۵۰ mM، (pH = ۵)..... ۵۰
- جدول ۴-۲- روش تهیه‌ی ۹۶ ml محلول بازدارنده ۵۱
- جدول ۵-۲- پروتکل کیت RNX-plusTM جهت استخراج RNA..... ۵۵
- جدول ۶-۲- پروتکل سنتز cDNA..... ۵۷
- جدول ۷-۲- ترکیب و مقدار مواد مورد استفاده در مستر PCR..... ۵۹
- جدول ۸-۲- برنامه دستگاه ترموسایکلر در تکثیر ژن‌ها ۵۹
- جدول ۹-۲- توالی و دمای اتصال آغازگرهای مورد استفاده در بررسی بیا ژن‌ها ۶۱
- جدول ۱-۳- تجزیه واریانس داده‌های حاصل از بررسی میزان درصد جوانه زنی در دو کد رشدی $B=0/5$ و $C=0/7$ در ژنوتیپ‌های جهش یافته *old101* و *ron1-1* در مقایسه با گیاهان مادری (*Ler-0*)..... ۶۶
- جدول ۲-۳- تجزیه واریانس داده‌های حاصل از بررسی میزان وزن تر شاخساره، ریشه و کل در ژنوتیپ‌های جهش یافته *old101* و *ron1-1* در مقایسه با گیاهان مادری (*Ler-0*)..... ۷۱
- جدول ۳-۳- تجزیه واریانس داده‌های حاصل از بررسی میزان محتوای کلروفیل a، کلروفیل b، کلرفیل کل و کاروتنوئید کل در ژنوتیپ‌های جهش یافته *old101* و *ron1-1* در مقایسه با گیاهان مادری (*Ler-0*)..... ۷۳
- جدول ۴-۳- تجزیه واریانس بررسی فعالیت آنزیم‌های CAT، POD و APX در ژنوتیپ‌های جهش یافته *old101* و *ron1-1* در مقایسه با گیاهان مادری (*Ler-0*)..... ۸۲

- شکل ۱-۱-۱- آراییدوپسیس گیاهی کوچک و دارای سیکل زندگی کوتاه، بذر فراوان ۵
- شکل ۱-۲-۱- بهم خوردن توازن میان ROS و آنتی‌اکسیدان‌ها ۶
- شکل ۱-۳-۱- مکان‌های تولید گونه‌های فعال اکسیژن (ROS) در گیاهان ۱۴
- شکل ۱-۴-۱- نقش ROSها بعنوان پیامبر ثانویه با واسطه هورمون‌ها به پاسخ‌های سلولی در گیاهان ۱۶
- شکل ۱-۵-۱- آسیب تنش اکسیداتیو بر لیپیدها، پروتئین‌ها و DNA ۱۷
- شکل ۱-۶-۱- شمای کلی فرایند دریافت پیام و پاسخ سلول به تنش محیطی ۲۳
- شکل ۱-۷-۱- IP₃ و DAG دو مولکول پیامبر ثانویه که در واکنش به تنش محیطی تولید می‌گردد ۲۷
- شکل ۱-۸-۱- شماتیک دریافت ROS درون و برون سلولی و مکانیسم‌های سیگنالینگ ۲۹
- شکل ۱-۹-۱- فرایند انتقال پیام و تغییر بیان ژنها توسط ROS ۲۹
- شکل ۱-۱۰-۱- تاثیر ژن *FRY1* در واکنش گیاه به تنش‌های محیطی ۳۱
- شکل ۱-۱۱-۱- مکانیسم کنترل کنندگی پروتئین *SAL1* به وسیله‌ی تجزیه‌ی *PAP* بر روی ژن‌های واکنش به تنش ۳۲
- شکل ۱-۱۲-۱- ژن *FRY1* با ژن‌های متعدد در ارتباط است ۳۳
- شکل ۱-۱۳-۱- میزان بیان ژن *FRY1* در بافت‌های مختلف متفاوت است ۳۳
- شکل ۱-۱۴-۱- محل قرارگیری جهش *old101* در ژن *FRY1* ۳۵
- شکل ۱-۱۵-۱- محل قرارگیری جهش *ron1-1* در ژن *FRY1* ۳۵
- شکل ۱-۱۶-۱- نقش ژن *FRY1* در تجربه *PAP* و تجمع *XRN*s ۳۷
- شکل ۱-۱۷-۱- نمودار نتایج Real Time PCR ۴۱
- شکل ۱-۲-۱- مراحل مختلف جوانه‌زنی بذر آراییدوپسیس ۴۷
- شکل ۱-۲-۲- گیاهان مادری (*Ler-0*) و موتانت‌های *old101* و *ron1-1* که به مدت ۴ روز در غلظت‌های مختلف آمینوتریازول قرار گرفته‌اند ۴۹
- شکل ۱-۲-۳- بررسی کیفیت RNA استخراج شده با استفاده از الکتروفورز ژل آگارز ۱ درصد ۵۷
- شکل ۱-۲-۴- بررسی صحت ساخت cDNA ۵۸
- شکل ۱-۳-۱- درصد جوانه‌زنی (B=۰/۵) و (b) درصد جوانه‌زنی (C=۰/۷) ۶۵
- شکل ۱-۳-۲- درصد جوانه‌زنی (B=۰/۵) و (b) درصد جوانه‌زنی (C=۰/۷) ۶۵
- شکل ۱-۳-۳- بررسی میزان وزن تر شاخساره در گیاهچه‌های موتانت *old101* و *ron1-1* در مقایسه با گیاهان مادری (*Ler-0*) ۶۷
- شکل ۱-۳-۴- بررسی میزان وزن تر ریشه در گیاهچه‌های موتانت *old101* و *ron1-1* در مقایسه با گیاهان مادری (*Ler-0*) ۶۹
- شکل ۱-۳-۵- بررسی میزان وزن تر کل در گیاهچه‌های موتانت *old101* و *ron1-1* در مقایسه با گیاهان مادری (*Ler-0*) ۷۱

- شکل ۳-۶- a) کلرفیل، b) کلرفیل c)، کلرفیل کل d) کاروتنوئید کل در گیاهچه‌های موتانت *old01* و *ron1-1* در مقایسه با گیاهان مادری (*Ler-0*) ۷۴
- شکل ۳-۷- a) بررسی میزان کلرفیل کل و b) بررسی میزان کاروتنوئید کل در گیاهچه‌های موتانت *old01* و *ron1-1* در مقایسه با گیاهان مادری (*Ler-0*) ۷۴
- شکل ۳-۸- بررسی میزان تجمع گونه‌های فعال اکسیژن در گیاهان مادری (*Ler-0*) و موتانت‌های *old01* و *ron1-1* آرابیدوپسیس تحت تنش اکسیداتیو القا شده با آمینوتریازول با استفاده از ماده رنگ آمیزی DAB ۷۶
- شکل ۳-۹- میزان فعالیت آنزیم آسکوربات پراکسیداز (APX) ۷۸
- شکل ۳-۱۰- a) میزان فعالیت آنزیم آسکوربات پراکسیداز (APX) ژنوتیپ موتانت *old101* در مقایسه با گیاهان مادری (*Ler-0*) و b) میزان فعالیت آنزیم آسکوربات پراکسیداز (APX) ژنوتیپ موتانت *ron1-1* در مقایسه با گیاهان مادری (*Ler-0*) ۸۰
- شکل ۳-۱۱- میزان فعالیت آنزیم پراکسیداز (POD) ۸۱
- شکل ۳-۱۲- مقایسه میزان بیان نسبی ژن *DEFL* در گیاهان مادری (*Ler-0*) و گیاهان موتانت *ron1-1* در غلظت‌های مختلف آمینوتریازول ۸۴
- شکل ۳-۱۳- مقایسه میزان بیان نسبی ژن *DEFL* در گیاهان مادری (*Ler-0*) و گیاهان موتانت *old101* در غلظت‌های مختلف آمینوتریازول ۸۴
- شکل ۳-۱۴- مقایسه میزان بیان نسبی ژن *FRY1* در گیاهان مادری (*Ler-0*) و گیاهان موتانت *old101* و *ron1-1* در غلظت‌های مختلف آمینوتریازول ۸۶
- شکل ۳-۱۵- مقایسه میزان بیان نسبی ژن *GST1* در گیاهان مادری (*Ler-0*) و گیاهان موتانت *old101* در غلظت‌های مختلف آمینوتریازول ۸۷
- شکل ۳-۱۶- مقایسه میزان بیان نسبی ژن *sAPX* در گیاهان مادری (*Ler-0*) و گیاهان موتانت *ron1-1* در غلظت‌های مختلف آمینوتریازول ۸۹
- شکل ۳-۱۷- مقایسه میزان بیان نسبی ژن *sAPX* در گیاهان مادری (*Ler-0*) و گیاهان موتانت *old101* در غلظت‌های مختلف آمینوتریازول ۸۹
- شکل ۳-۱۸- مقایسه میزان بیان نسبی ژن *XRN3* در گیاهان مادری (*Ler-0*) و گیاهان موتانت *old101* در غلظت‌های مختلف آمینوتریازول ۹۰
- شکل ۳-۱۹- مقایسه میزان بیان نسبی ژن *XRN2* در گیاهان مادری (*Ler-0*) و گیاهان موتانت *old101* در غلظت‌های مختلف آمینوتریازول ۹۱

چکیده

تاثیر تنش اکسیداتیو القاء شده توسط آمینوتریازول (AT) روی خصوصیات بیوشیمیایی و ملکولی

گیاهان موتانت *old101* آراییدوپسیس (*Arabidopsis thaliana* L.)

پیمان منبری

میزان رشد و نمو گیاهان و واکنش آن‌ها به تنش‌های زیستی و غیرزیستی همواره با تولید و تجمع گونه‌های فعال اکسیژن (ROS) همراه است. تجمع این رادیکال‌ها در غلظت‌های بالا می‌تواند برای سلول زیان‌آور بوده و با ایجاد تنش اکسیداتیو موجب مرگ سلولی شوند. علاوه بر تنش‌های زیستی و غیرزیستی، مواد شیمیایی مانند آمینوتریازول با مهار کردن فعالیت آنزیم کاتالاز سبب القاء تنش اکسیداتیو می‌شود. در این تحقیق به منظور مطالعه عملکرد ژن *FRY1*، خصوصیات فیزیولوژیکی، بیوشیمیایی و ملکولی گیاهان موتانت *old101* و *ron1-1* در واکنش به تنش اکسیداتیو القاء شده توسط غلظت‌های مختلف آمینوتریازول بررسی گردید. نتایج نشان داد میزان درصد جوانه‌زنی، وزن تر شاخساره، ریشه و کل گیاهان موتانت *old101* و *ron1-1* در مقایسه با گیاهان مادری (*Ler-0*) به طور معنی‌داری کاهش یافت، اما اختلاف معنی‌داری بین گیاهان موتانت *old101* و *ron1-1* مشاهده نشد. کاهش معنی‌داری در میزان کلروفیل کل و گونه‌های فعال اکسیژن خصوصاً H_2O_2 در گیاهان موتانت نسبت به گیاهان مادری مشاهده گردید. همچنین میزان فعالیت آنزیم کاتالاز خصوصاً در گیاهان مادری نسبت به گیاهان موتانت کاهش یافت، اما فعالیت آنزیم‌های آسکوربات پراکسیداز و پراکسیداز در گیاهان تحت تنش به طور معنی‌داری افزایش یافت. نتایج حاصل از بررسی بیان نسبی ژن‌های واکنش‌گر شامل *DEF1*, *GST1*, *FRY1*, *sAPX*, *APX1*, *XRN2* و *XRN3* نشان داد که بیان این ژن‌ها در گیاهان موتانت *old101* و *ron1-1* نسبت به گیاهان مادری (*Ler-0*) کاهش یافت. بطور کلی، نتایج بدست آمده نشان دهنده افزایش حساسیت و مرگ سلولی القا شده توسط تنش اکسیداتیو در گیاهان موتانت *old101* و *ron1-1* نسبت به گیاهان مادری (*Ler-0*) است.

کلمات کلیدی: آراییدوپسیس، آمینوتریازول، تنش اکسیداتیو، Real Time PCR

Abstract

Effect of oxidative stress induced by Aminotriazole (AT) on biochemical and molecular characteristics of *old101* mutant in *Arabidopsis* plants

Peyman manbari

The growth and development of plants under biotic and abiotic stresses is always accompanied with accumulation of various reactive oxygen species (ROS) molecules. Higher levels of ROS can be harmful leading to oxidative stress-induced leaf death. In addition, chemical materials such as Aminotriazole also can cause oxidative stress by suppression of catalase activity. In this research, several molecular, physiological and biochemical characterizations of *old101* and *ron1-1* mutant plants, which has a point mutation in *FRY1*, in response to oxidative stress induced by different concentrations of Aminotriazole (AT) has been assayed and compared with wild type plants (*Ler-0*). The results showed that the germination rate, fresh weight of shoots, roots and total plants *old101* and *ron1-1* mutant compared with wild type plants (*Ler-0*) was significantly decreased, but, no significant difference between mutant plants *old101* and *ron1-1* was observed. A significant decrease in total chlorophyll content and reactive oxygen species, especially H_2O_2 in mutant plants than wild type plants was observed. Also, specifically catalase activity in mutant plants was reduced compared to wild type plants, but ascorbate peroxidase and peroxidase enzyme activity was significantly increased in stressed plants. Relative gene expression analysis of reactive results include *DEFL*, *GST1*, *FRY1*, *sAPX*, *APX1*, *XRN2* and *XRN3* showed that the expression of genes in plants and *ron1-1* mutant *old101* than wild type plants (*Ler-0*) was reduced. Overall, the results indicate an increased susceptibility to cell death induced by oxidative stress in plants and *ron1-1* mutant *old101* than native plants (*Ler-0*).

Key words: *Arabidopsis*, Aminotriazole, Oxidative stress,

مقدمه

تنش اکسیداتیو به عنوان عامل برهم زنده تعادل میان تولید گونه‌های فعال اکسیژن (ROS) و دفاع آنتی‌اکسیدانتهی در سلول‌های زنده تعریف می‌شود. برهم زدن حالت تعادل بین تولید و تخریب ROS که منجر به تجاوز از میزان غلظت ثابت ($10^{-8}M$) در سلول می‌شود، سبب افزایش گونه‌های فعال اکسیژن (ROS) و سبب آسیب به سلول شده، و سرانجام مرگ سلولی ناشی از تنش اکسیداتیو در گیاهان را به همراه خواهد داشت [Wang et al., 2005]. شناخت مکانیزم‌هایی که گیاهان پیام تنش‌ها را به سیستم سلولی جهت فعال‌سازی واکنش‌های انطباق با تنش ارسال می‌کنند از جمله ملزومات بنیادی برای توسعه‌ی بیشتر مقاومت گیاهان زراعی به تنش در راستای افزایش بهره‌وری در تولید غذا برای جمعیت رو به رشد جهان به‌شمار می‌رود. گیاهان می‌توانند با درک تنش اکسیداتیو و سپس فعال‌سازی سیستم‌های دفاعی و سازگاری خود باعث افزایش مقاومت در برابر آن شوند. بطور عمومی یک فرایند انتقال پیام با درک پیام شروع شده و پس از آن به وسیله پیامبرهای ثانویه شامل القای کلسیم، انواع احیاکننده‌های اکسیژن^۱ (ROS) و اینوزیتول فسفات‌ها ادامه می‌یابد. پیامبرهای ثانویه بالا در جهت تعدیل سطح کلسیم داخل سلولی فعالیت می‌کنند [Huang et al., 2012]. گیاهان در طی تکامل استراتژی‌های برای حمایت سلول‌های خود در برابر تجمع گونه‌های فعال اکسیژن (ROS) ارتقا داده‌اند [Mittler, 2002]. مکانیسم‌های اتلاف انرژی از قبیل تنفس نوری و چرخه گزانتوفیل مانع از شارژ الکترون به اکسیژن در کلروپلاست شده، بدین ترتیب تولید ROSها در کلروپلاست کاهش می‌دهند [Ort and Baker, 2002]. بطور مشابه زنجیره تنفسی انتقال الکترون^۲ (RETC) در میتوکندری، تولید گونه‌های فعال اکسیژن (ROS) را بوسیله حفظ تعادل میان سوبسترای موجود و ATP مورد نیاز، فعال کردن مسیر آلترناتیو اکسیداز (AOX) و فعال کردن NAD(P)H دی-هیدروژناز غیر حساس به رتنون کنترل می‌کنند [Moller, 2002]. بطور کلی ROSها در سلول به وسیله‌ی شبکه‌ی گسترده‌ای از ژن‌ها به شدت کنترل می‌شود که اصطلاحاً آن را شبکه‌ی ژنی ROS می‌نامند. ژن *FRY1* (At5g63980) بطول ۲۱۲۱ جفت‌باز شامل ۷ اگزون بوده و در انتهای بازوی کوچک کروموزوم شماره ۵ آرآبیدوپسیس قرار دارد [François et al., 2008]. این ژن از جمله ژن‌هایی است که بیان آن در واکنش به تنش‌های محیطی و ABA تغییر کرده و با تنظیم مقدار IP_3 ^۴ در واکنش گیاه به تنش محیطی مؤثر است [Xiong et al., 2004]. بررسی‌های ژنتیکی نشان داد که موتاسیون‌های ایجاد شده در ژن *FIERY1* (*FRY1*) باعث کاهش اثر آنزیمی اینوزیتول پلی فسفات ۱ فسفاتاز پروتیین *FRY1* شده، که این امر منجر به افزایش قابل توجه IP_3 و پایدار ماندن سطوح آن، در گیاهان موتانت گردید.

1 - Reactive oxygen species

2- Respiratory Electron Transport Chain (RETC)

3- ROS gene network

4- Inositol 1,4,5-trisphosphate (IP_3)

در ژن *FRY1* جهش‌های متعددی گزارش شده است از جمله این جهش‌ها می‌توان به جهش *fry1-1* که باعث کاهش آستانه تحریک و افزایش بیان ژن‌های واکنش‌گر به تنش از جمله *KIN1*, *ADH*, *HSP70* تحت تنش اسمزی و تیمار ABA [Xiong and Karen, 2001]، جهش *hos2* سبب افزایش بیش از حد بیان ژن‌های واکنش‌گر به سرما [Kim and Armim, 2009]، موتاسیون *fry1-6* باعث کوتولگی و تاخیر در گلدهی گیاهان [Xiong and Karen, 2002]، جهش *hal2* باعث کاهش مقاومت سویه‌های مخمر جهش یافته به کمبود گوگرد، و افزایش حساسیت آنها به لیتیم و سدیم [Quintero et al., 1996]، جهش *alx8* باعث افزایش مقاومت گیاهان جهش یافته به خشکی [Wilson et al., 2008] و جهش *fry1-7* باعث افزایش بیان ژن‌های واکنش‌گر به کاهش فسفر می‌شود [Judith et al., 2011]، اشاره کرد. جهش نقطه‌ای *old101*¹ در اگزون شماره ۲ ژن *FRY1* رخ داده و باعث جایگزینی نوکلئوتید G با نوکلئوتید A شده است. جهش *old101* موجب جایگزینی اسید آمینه آسپارتیک اسید (Asp) با اسید آمینه آسپاراژین (Asn) شده [Shirzadian-Khoramabad et al., 2008]، همچنین جهش نقطه‌ای *ron1-1*² باعث جایگزینی نوکلئوتید G با نوکلئوتید A، در ابتدای اگزون شماره پنج در ژن *FRY1* شده است [Robles et al., 2010]. در این پژوهش تأثیر جهش *old101* و *ron1-1* بر صفات فیزیولوژیکی (از قبیل میزان جوانه‌زنی، بررسی وزن تر قسمت هوایی، وزن تر ریشه و وزن تر کل) و صفات بیوشیمیایی (شامل بررسی میزان کلروفیل کل، کارتنوئید کل، اندازه‌گیری میزان حضور گونه‌های فعال اکسیژن خصوصاً H_2O_2 و سنجش میزان فعالیت آنزیم‌های آنتی‌اکسیدانت) در گیاهچه‌های جهش یافته *old101* و *ron1-1* در مقایسه با ژنوتیپ مادری (*Ler-0*) تحت تنش اکسیداتیو القا شده توسط غلظت‌های مختلف آمینوتریازول مورد بررسی قرار خواهد گرفت. همچنین میزان نسبی بیان برخی از ژن‌های واکنش‌گر به تنش در گیاهچه‌های جهش یافته و مادری تحت تنش فوق با روش Q Real Time PCR مورد مطالعه قرار خواهد گرفت.

1 - Onset of leaf death 101 (*old101*)
2 - *rotunda1-1(ron1-1)*

کلیات

و

مرور منابع

۱-۱- آرابیدوپسیس

آرابیدوپسیس (*Arabidopsis thaliana*) یک گیاه کوچک، یکساله، روز بلند از خانواده خردل (Brassicaceae) می‌باشد [Francois et al., 2008] (شکل ۱-۱). این گیاه بومی مناطق اورآسیا شناخته شده [Al-Shehbaz and O'Kane Jr, 2002] و در حال حاضر به عنوان یک علف هرز در آمریکای شمالی، اروپا و استرالیا یافت می‌شود [Jørgensen and Mauricio, 2004; Alonso-Blanco and Koornneef, 2000]. خاک مناسب رشد این گیاه خاک لومی و ماسه‌ای بوده و محل رشد آن در مناطقی شامل ساحل رودخانه، کنار جاده‌ها، شیب‌های سنگلاخ، مناطق بایر و اراضی کشاورزی است. ارتفاع خاستگاه این گیاه از سطح دریا بطور متوسط ۴۲۵۰ متر می‌باشد [Hoffmann, 2002]. دوره زندگی این گیاه طی ۵۰ روز کامل شده و تولید بذر می‌کند. طول دوره زندگی کوتاه، تولید بذر فراوان، خودگشن بودن، اندازه کوچک ژنوم آن (۲۵۴۹۸ ژن)، قابلیت ترانسفورماسیون و امکان ایجاد جهش‌های متعدد باعث انتخاب آرابیدوپسیس به عنوان یک موجود ایده‌آل برای مطالعات آزمایشگاهی شده است [Francois et al., 2008]. این گیاه از تنوع گسترده برخوردار است و موتانت‌های زیادی از آن تهیه شده است. این گیاه به عنوان یک موجود مدل، نقش مهمی در مطالعات زیست‌شناسی گیاهی داشته و بطور گسترده در مطالعات فیزیولوژی گیاهی، زیست‌شناسی مولکولی و ژنتیک مورد استفاده قرار می‌گیرد [Munnik et al., 1998].



<http://users.rcn.com/jkimball.ma.ultranet/BiologyPages/A/Arabidopsis.html>

شکل ۱-۱- آرابیدوپسیس گیاهی کوچک و دارای سیکل زندگی کوتاه، بذر فراوان