

بِسْمِ اللَّهِ الرَّحْمَنِ الرَّحِيمِ



دانشگاه قم
دانشکده علوم پایه
پایان نامه دوره کارشناسی ارشد ریاضی کاربردی

عنوان:

توده‌ها در ساختارهای کانونی شبه گره RNA

استاد راهنما:

دکتر غلامحسین شیردل

استاد مشاور:

دکتر علی اصغر فروغی

نگارنده:

یاور نجات پور شرف آباد سفلی

تابستان ۱۳۸۹

تقدیم به:

مادر فرشته خصالم و پدرم که فروغ مهرشان صیقل روحم است

و توصیفشان را سینه‌ای به وسعت دریا باید تا بتوان اندکی از مهربانی

بسیارشان را در کلام وصف آورد.

تشکر و قدردانی

حمد و سپاس خدای را که توفیق کسب دانش و معرفت را به ما عطا فرمود. در اینجا بر خود لازم می دانم از تمامی اساتید بزرگوار، به ویژه اساتید دوره کارشناسی ارشد که در طول سالیان گذشته مرا در تحصیل علم و معرفت و فضائل اخلاقی یاری نموده اند تقدیر و تشکر نمایم.

از استاد گرامی و بزرگوار جناب آقای دکتر شیردل که راهنمایی اینجانب را در انجام تحقیق، پژوهش و نگارش این پایان نامه تقبل نموده اند نهایت تشکر و سپاسگزاری را دارم.

از جناب آقای دکتر فروغی به عنوان استاد مشاور که با راهنمایی خود مرا مورد لطف قرار داده اند کمال تشکر را دارم.

از اساتید گرامی و بزرگوار جناب آقای دکتر فرجامی و آقای دکتر احمدی نیا که نظارت پایان نامه مرا بر عهده داشتند، کمال تشکر را دارم.

چکیده

ساختارهای RNA بصورت پیکره حلزونی شکل از دنباله های RNA می باشد که به وسیله زنجیره هایی از نوکلئوتیدهای آدنین، گوانین، سیتوزین و اوراسیل توسط قوانین جفت پایه ای واتسن و کریک به صورت (A-U , U-G) و (G-C) پیوند هیدروژنی برقرار می کنند. پیش بینی ساختار RNA یکی از مسائل مهم در علم بیوانفورماتیک می باشد، که توجه ویژه ای در سال های اخیر به آن شده است. در این پایان نامه روش های شمارش تعداد ساختارهای RNA، هم چنین توزیع توده ها در ساختار های RNA مورد بررسی قرار گرفته است. یک ساختار RNA را k -نامتقاطع گویند، هرگاه یک مجموعه k تایی از کمان هایی را که دو به دو متقاطع اند را شامل نمی شوند و یال های متقاطع گذرنده دوطرفه بیشتر از $k-1$ نباشند. و \square -کانونی گویند، هرگاه یال های مشمول در یک توده حداقل τ باشند.

واژه های کلیدی : ساختار RNA، گراف جهت دار k -نامتقاطع، ساختار کانونی RNA،

توده.

فهرست مطالب

صفحه	عنوان
۱	مقدمه
۳	فصل اول
۳	تعاریف و مقدمات
۴	۱-۱ تعاریف گراف و مفاهیم وابسته به آن
۶	۲-۱ متغیرهای مختلط و کاربردها
۸	۳-۱ سری تیلر
۹	۴-۱ سری لوران
۱۰	۵-۱ همگرایی مطلق و یکنواخت سریهای توانی
۱۱	۶-۱ مانده‌ها و قطب‌ها
۱۳	۷-۱ قضایای مانده‌ها
۱۴	۸-۱ مانده در قطب
۱۴	۹-۱ صفرها و قطب‌های مرتبه m
۱۶	۱۰-۱ $\Delta\rho$ - دامنه
۱۷	۱۱-۱ توابع مولد و تعاریف آماری
۱۸	۱۲-۱ استخراج ضرایب:
۱۸	۱۳-۱ سری‌های متناهیاً مشتق پذیر
۱۸	۱۴-۱ توابع مولد دومتغیره و توزیع‌های احتمالی
۲۰	فصل دوم
۲۰	خواص RNA و شمارش ساختارهای آن
۲۱	۱-۲ مقدمه
۲۱	۲-۲ اسیدهای نوکلئویک:
۲۴	۳-۲ نقش نوکلئوتیدها

۲۴	۴-۲ ترکیبات تشکیل دهنده اسیدهای نوکلئیک
۲۵	۵-۲ تعاریف و قضایایی درباره ساختارهای <i>RNA</i>
۲۸	۶-۲ ساختار <i>RNA</i>
۲۸	۷-۲ ساختار دوم <i>RNA</i>
۳۲	۸-۲ جدول یانک و الگوریتم <i>RSK</i>
۳۳	۹-۲ گروه‌های تقارنی و حجره‌های وایل
۴۰	۱۰-۲ شمارش ساختارهای <i>RNA</i>
۴۷	فصل سوم
۴۷	آنالیز تقریبی از تطابق‌های k -نامتقاطع
۴۸	۱-۳ مقدمه
۴۸	۲-۳ بیان نتایج و پس زمینه
۵۱	۳-۳ برهان قضیه (۲-۲-۳)
۶۶	۴-۳ برهان قضیه (۲-۲-۳)
۷۴	فصل چهارم
۷۴	توزیع توده‌ها در ساختارهای کانونی <i>RNA</i>
۷۵	۱-۴ مقدمه
۷۸	۲-۴ ساختارهای هسته
۸۰	۳-۴ ترکیبیات توده‌ها
۱۰۱	۴-۴ (قضیه حد مرکزی)
۱۱۱	نتیجه گیری:
۱۱۳	منابع
۱۱۶	واژه نامه انگلیسی - فارسی
۱۱۹	پیوست

فهرست جداول

صفحه	عنوان
۴۵	جدول ۱-۲. ۱۵ عدد ساختارهای ۳-نامتقاطع RNA
۴۶	جدول ۲-۲. ۱۵ عدد ساختارهای ۴-نامتقاطع RNA
۷۷	جدول ۱-۴. میانگین و واریانس توزیع‌های حدی نرمال از متغیر تصادفی $X_{k,\tau}^n$ برای k و τ های مختلف.
۹۲	جدول ۲-۴. چند جمله ای های $q_{0,k}(z)$ و ریشه‌های غیر صفرشان.
۹۸	جدول ۳-۴. شمارش دقیق $T_{3,3}^{[4]}(n)$ و $T_{3,4}^{[4]}(n)$

فهرست شکل ها و نمودارها

صفحه	عنوان
۲۶	شکل ۲-۱. دیاگرام‌های K -نامتقاطع، نمایش یک دیاگرام ۴-نامتقاطع با طول قوس $\lambda \geq 4$ و یک دیاگرام ۳-نامتقاطع با طول قوس $\lambda \geq 3$.
۲۷	شکل ۲-۲. دیاگرام نامتقاطع.
۲۷	شکل ۲-۳. دیاگرام آشیانه‌ای.
۲۹	شکل ۲-۴. دو نمایش از ساختار دوم RNA
۳۱	شکل ۲-۵. دو نمایش از ساختارهای RNA : گرانهای مسطح (بالا) و دیاگرامها (پایین)
۳۶	شکل ۲-۶. گراف جهت دار ۵-نامتقاطع.
۴۹	شکل (۳-۱). تطابق های ۳, ۴, ۵, ۶-نامتقاطع
۷۸	شکل (۴-۱). ساختارهای هسته، در ساختارهای کانونی ۳-نامتقاطع
۷۹	شکل (۴-۲). دیاگرام‌های k -نامتقاطع : دو نمایش دیاگرام ۳-نامتقاطع روی 10 اراس (بالا) و یک دیاگرام ۳-متقاطع، ۳-کانونی با طول قوس ≤ 4 (پایین).

۸۲ شکل (۳-۴). نگاشت $c: T_{k,\tau}(n,t) \rightarrow \bigcup_{t\tau \leq h \leq \lfloor \frac{n}{\tau} \rfloor} C_k^*(n-\tau(h-t), t)$

که در دو گام بدست آمده است. اول انقباض توده‌ها و ثانیاً بر چسب مجدد دیاگرام حاصل.

۷۶ نمودار (۱-۴). توزیع حد مرکزی مربوط به تعداد توده‌ها در ساختارهای

k -نامتقاطع و τ -کانونی، RNA .

فهرست علائم

$sign(\alpha)$	علامت جایگشت α
H	حاصل ضرب نیمه مستقیم H توسط K
$\det A$	دترمینان ماتریس A
$[n]$	مجموعه $\{1, \dots, n\}$
$f(n) \sim g(n)$	f و g به طور مجانبی هم ارزند
$f(z) = O(g(z))$	f اوی بزرگ g است
$f(z) = o(g(z))$	f ، اوی کوچک g است
$I_\alpha(z)$	تابع بسل نوع مرتبه اول و از مرتبه α
$\Gamma(x)$	تابع گاما
$[z^n] f(z)$	ضریب z^n در بست مک لورن تابع $f(z)$
C_n	n امین عدد کاتالان
$\exp(x)$	e^x

مقدمه

در این پایان نامه یک تقریب مناسب برای تعداد ساختارهای شبه گره k -نامتقاطع¹ RNA² و همچنین توزیع توده‌ها در ساختارهای کانونی RNA ارائه می‌شود.

این مبحث در حوزه ریاضیات زیستی³ قرار دارد که اخیرا بسیار مورد توجه قرار گرفته و تحقیقات زیادی در حوزه‌های مختلف آن انجام می‌شود. ریاضیات زیستی یک حوزه بین رشته‌ای از مطالعات اکادمیک است که فرایندهای زیستی را با استفاده از ابزارها و روشهای ریاضی مدل‌سازی می‌کند.

این رشته (بیومتمتیک) هم کاربرد تئوریک و هم کاربرد عملی در تحقیقات بیولوژیکی دارد. بعلاوه تنوع زیاد دانش‌های تخصصی، تحقیقات ریاضیات زیستی اغلب با همکاری بین ریاضی دانان، فیزیک دانان، زیست شناسان، جانور شناسان و شیمی‌دانان انجام می‌گیرد.

DNA⁴ برای دهه‌های متمادی ستاره آسمان زیست شناسی مولکولی بوده است. اما با درک اهمیت و توانایی RNA که برای مدتی مدید فقط به عنوان نسخه بردار ژن‌های موجود در مارپیچ دوگانه شناخته می‌شد، می‌بایست صحنه را روز به روز با RNA به اشتراک گذارد. از نقطه نظر DNA ، RNA تنها یک بایگانی غیر فعال است، یک دفترچه تلفن کند ذهن، حال

¹ *K-noncrossing*

² *Ribo Nucleic Acid*

³ *Biomathematics*

⁴ *Deoxyribonucleic Acid*

آنکه این RNA است که شماره‌ها را بازیابی می‌کند، ارتباطات را برقرار می‌سازد و تعیین می‌کند که هر ارتباط چه مدت بطول می‌انجامد. اوری مک لود^۱ و مکارتی^۲ نخستین بار در سال ۱۹۴۴ ثابت کردند که DNA حاوی اطلاعات ژنتیکی است. از آنجا که اطلاعات در ترتیب واحدهای منوپلیمرها نهفته است، باید مکانیسمی برای تکثیر یا همانند سازی این اطلاعات خاص وجود داشته باشد که دقت زیادی را داشته باشد. مطالعه این شاخه از ریاضیات نیاز به مفاهیم پایه‌ای گسترده‌ای در ریاضیات دارد. به عبارت دیگر مفاهیمی در نظریه گراف، ترکیبات، توابع مختلط و آمار احتمال مورد استفاده قرار می‌گیرد.

به همین دلیل در فصل اول، برخی از این مفاهیم و تعاریف آورده شده است.

در فصل دوم ابتدا مفاهیم زیست شناسی، و برخی مطالب ترکیبی ترسیم از قبیل تابلوهای یانگ^۳، الگوریتم RSK ^۴ و حجره وایل^۵ را بیان می‌کنیم.

در فصل سوم با استفاده از مطالب مطرح شده در فصل دوم تابع مولد انطباق‌های k - نامتقاطع را محاسبه کرده و آنالیز تقریبی از تطابق‌های k - نامتقاطع را بدست می‌آوریم.

و در نهایت مبحث اصلی این پایان نامه قضایا و نتایجی است که در فصل چهارم بدست

می‌آیند و شامل توزیع توده‌ها در ساختارهای کانونی RNA می‌باشند.

¹ Mack lod.

² Mackarti

³ Young

⁴ Robinson-schencked-knuth

⁵ Weyl

فصل اول

تعاريف و مقدمات

۱-۱ تعاریف گراف و مفاهیم وابسته به آن

تعریف (۱-۱-۱): یک گراف ساده G با n رأس و m یال متشکل از مجموعه رأسهای $V(G) = \{v_1, \dots, v_n\}$ و مجموعه یالهای $E(G) = \{e_1, \dots, e_m\}$ است، که در آن هر یال، یک جفت نامرتب از رأسهاست. به جای $\{u, v\}$ می‌نویسیم uv . اگر $uv \in E(G)$ آنگاه u و v مجاور هستند. این مطلب را با $u \leftrightarrow v$ نشان می‌دهیم، یعنی « u مجاور v است». رأسهای مشمول در یک یال e نقاط پایانی آن هستند.

تعریف (۲-۱-۱): یک گراف جهت‌دار ساده یا دیگر^۱ ساده G متشکل از یک مجموعه رأسهای $V(G)$ و یک مجموعه یالهای $E(G)$ است، که در آن هر یال یک جفت مرتب از رأسهاست. به جای یال (u, v) می‌نویسیم uv که u دم و v سر آن است. وقتی $uv \in E(G)$ ، می‌نویسیم $u \rightarrow v$ ، یعنی «یالی از u به v وجود دارد».

تعریف (۳-۱-۱): مکمل یک گراف ساده G را با \bar{G} نشان می‌دهیم و گرافی است با همان مجموعه رأسهای G ، به طوری که u و v در \bar{G} مجاورند اگر و فقط اگر u و v در G مجاور نباشند.

^۱ Digraph

تعریف (۴-۱-۱): یک زیرگراف از یک گراف G ، یک گراف H است به طوری که
 $V(H) \subseteq V(G)$ و $E(H) \subseteq E(G)$ ، که به صورت $H \subseteq G$ می‌نویسیم و می‌گوییم « G شامل
 H است».

تعریف (۵-۱-۱): یک زیرگراف القایی از G زیرگرافی مانند H است به طوری که هر یال G
 مشمول در $V(H)$ متعلق به $E(H)$ باشد.

اگر H یک زیرگراف القایی از G با مجموعه رأسهای S باشد آنگاه می‌نویسیم $H = G[S]$ و
 می‌گوییم H زیرگراف G «القاء شده به وسیله S » است.

تعریف (۶-۱-۱): اگر H زیرگراف G باشد و $|V(H)| = |V(G)|$ در این صورت H را
 زیرگراف پوشا (فراگیر) G می‌نامیم.

تعریف (۷-۱-۱): گراف ساده‌ای که در آن هر دو رأس با هم همجوار باشند را گراف کامل
 می‌نامیم. گراف کامل با n رأس با K_n نمایش می‌دهیم.

تعریف (۸-۱-۱): گراف ساده‌ای که در آن بتوان مجموعه رأس‌ها را به دو بخش چنان افراز
 کنیم که هیچ دو عضوی از یک بخش با هم همجوار نباشند را یک گراف دوبخشی می‌گوییم.

تعریف (۹-۱-۱): گراف دوبخشی را کامل نامیم هرگاه یک رأس از یک بخش با تمام
 رأس‌های بخش دیگر همجوار باشد.

تعریف (۱۰-۱-۱): یک راه^۱ به طول k یک دنباله $v_0, e_1, v_1, e_2, \dots, e_k, v_k$ از رأس‌ها و
 یال‌هاست به طوری که برای هر i ، $(i=1, 2, \dots, k)$ ، $e_i = v_{i-1}v_i$.

1. Walk

تعریف (۱-۱-۱): یک گذر (ترایل) راهی است که هیچ یال تکراری نداشته باشد.

تعریف (۱-۱-۲): یک مسیر گذری است که هیچ رأس تکراری نداشته باشد.

- درجه گره W در گراف G را با $\deg G(W)$ نمایش داده و برابر است با تعداد یالهایی که در G با W هموقوعند. در محاسبه درجه گره‌ها هر حلقه دوبار به حساب می‌آید. هر گره با درجه صفر را یک گره منزوی (ایزوله یا منفرد)، و هر گره با درجه ۱ را یک گره انتهایی گوئیم.

تعریف (۱-۱-۳): گرافی که بین هر دو گره آن مسیری وجود داشته باشد، را گراف همبند

می‌نامیم.

تعریف (۱-۱-۴): درخت گرافی است ساده، همبند و بدون دور.

- اگر T یک درخت و مجموعه رأسها و یالهای آن را به ترتیب با $E(T), V(T)$ نشان

می‌دهیم، خواهیم داشت $E(T) = V(T) - 1$.

تعریف (۱-۱-۵): هر زیر مجموعه از یالهای غیر همجوار را یک تطابق نامند.

برای آشنایی بیشتر با تعاریف قبل و مثال‌های آن می‌توان به مرجع [۱] رجوع کرد.

۲-۱ متغیرهای مختلط و کاربردها

معمولاً عدد مختلط (x, y) را به صورت زیر نمایش می‌دهند.

$$z = (x, y) \quad (۱-۱)$$

به علاوه اعداد حقیقی x, y را، به ترتیب، قسمت‌های حقیقی و موهومی z می‌نامند و

می‌نویسند

$$\operatorname{Re} Z = x, \quad \operatorname{Im} Z = y \quad (2-1)$$

و اگر عدد حقیقی x را به صورت x یا $(x, 0)$ بگیریم و i نمایش عدد موهومی محض $(0, 1)$

باشد، واضح است که

$$Z = x + iy \quad (3-1)$$

و ملاحظه می‌کنیم

$$i^2 = (0, 1)(0, 1) = (-1, 0) = -1$$

تعریف (1-2-1): تابع f از متغیر مختلط z در یک مجموعه باز تحلیلی است اگر در هر نقطه

آن مجموعه دارای مشتق باشد. اگر از تابع f ی سخن به میان می‌آوریم که در مجموعه S

تحلیلی است و S باز نیست منظور این است که f در مجموعه‌ی بازی شامل S تحلیلی است. به

خصوص f در نقطه z_0 تحلیلی است اگر در یک همسایگی z_0 تحلیلی باشد.

مثال (1-2-2): تابع $f(z) = \frac{1}{z}$ در هر نقطه ناصفر صفحه تحلیلی است. اما تابع

$f(z) = |z|^2$ در صفر تحلیلی نیست زیرا مشتق آن در $z = 0$ موجود است ولی در هیچ

همسایگی از صفر تحلیلی نیست.

قضیه (1-2-3): (قضیه کوشی گورسا)

اگر تابع f در همه نقاط درون و روی مسیر ساده بسته C تحلیلی باشد، آنگاه

$$\int_C f(z) dz = 0 \quad (4-1)$$

قضیه (1-2-4): فرض کنید f همه جا درون و بر مسیر ساده بسته C ، که در جهت مثبت

گرفته شده است، تحلیلی باشد. اگر z_0 نقطه دلخواهی درون C باشد، آنگاه

$$f(z_0) = \frac{1}{2\pi i} \int_C \frac{f(z)}{z - z_0} dz \quad (5-1)$$

قضیه (5-2-1): اگر تابع f در سراسر حوزه D پیوسته باشد و به ازای هر مسیر بسته C

واقع در D ,

$$\int_C f(z) dz = 0 \quad (6-1)$$

آنگاه f در سراسر D تحلیلی است.

3-1 سری تیلر

قضیه (1-3-1): فرض کنید f در سراسر قرص باز $|z - z_0| < R$ به مرکز z_0 و شعاع R_0

تحلیلی باشد. در این صورت در هر نقطه z در آن قرص، $f(z)$ دارای نمایش سری

$$f(z) = \sum_{n=0}^{\infty} a_n (z - z_0)^n \quad (|z - z_0| < R) \quad (|z - z_0| < R_0) \quad (7-1)$$

است که در آن

$$a_n = \frac{f^{(n)}(z_0)}{n!} \quad (8-1)$$

یعنی هرگاه $|z - z_0| < R$ ، این سری توانی به $f(z)$ همگرا است.

۴-۱ سری لوران

اگر تابع f در نقطه z_0 تحلیلی نباشد، نمی‌توانیم از قضیه تیلر در آن نقطه استفاده کنیم. ولی

اغلب می‌توان یک نمایش سری برای $f(z)$ شامل توان‌های مثبت و منفی $z - z_0$ پیدا کرد.

قضیه (۱-۴-۱): فرض کنید تابع f در سراسر حوزه طوقی $R_1 < |z - z_0| < R_2$ تحلیلی و C

معرف مسیر ساده بسته‌ای در جهت مثبت حول z_0 و واقع در این حوزه باشد. در این صورت در

هر نقطه z از آن حوزه، $f(z)$ دارای نمایش سری

$$f(z) = \sum_{n=0}^{\infty} a_n (z - z_0)^n + \sum_{n=1}^{\infty} \frac{b_n}{(z - z_0)^n} \quad (R_1 < |z - z_0| < R_2) \quad (۹-۱)$$

است که در آن

$$a_n = \frac{1}{2\pi i} \int_C \frac{f(z) dz}{(z - z_0)^{n+1}} \quad (n = 0, 1, 2, \dots) \quad (۱۰-۱)$$

$$b_n = \frac{1}{2\pi i} \int_C \frac{f(z) dz}{(z - z_0)^{-n+1}} \quad (۱۱-۱)$$

(a_n و b_n ضرایب مختلط ثابتی می‌باشند).

رابطه (۹-۱) را اغلب به صورت زیر می‌نویسند:

$$f(z) = \sum_{n=-\infty}^{\infty} C_n (z - z_0)^n \quad (R_1 < |z - z_0| < R_2) \quad (۱۲-۱)$$

که در آن

$$C_n = \frac{1}{2\pi i} \int_C \frac{f(z) dz}{(z - z_0)^{n+1}} \quad (n = 0, \pm 1, \pm 2, \dots) \quad (۱۳-۱)$$

هر یک از سری‌های (۹-۱) و (۱۲-۱) را سری لوران می‌نامند.