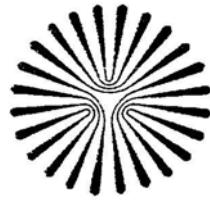


الله  
بِسْمِ اللّٰهِ الرَّحْمٰنِ الرَّحِيْمِ  
رَبِّ الْعٰالَمِينَ



## دانشگاه پیام نور

پایان نامه

برای دریافت درجه کارشناسی ارشد

در رشته بیوشیمی

دانشکده علوم پایه و کشاورزی

گروه علمی زیست شناسی

عنوان پایان نامه:

بررسی جهش های ژن **LDLR** در بیماران با کلسترول بالای فامیلی در استان

چهار محال و بختیاری

استاد راهنما:

دکتر مرتضی هاشم زاده چالشتری

استاد مشاور:

دکتر حبیب الله ناظم

نگارش:

سمیه اسدی مبارکه

اسفند ماه ۱۳۸۸

## تقدیم به:

به اسوه‌ی صبر و ایثار مادر عزیزم

## **تقدیر و تشکر:**

سپاس از ایزد منان

با تشکر فراوان از جناب آقای دکتر مرتضی هاشم زاده و سرکار خانم فرخی که با  
زحمات بی دریغشان من را در طی این مسیر علمی یاری نمودند.  
تلاشها و زحمات بی دریغتان را اجر می نهم.

چکیده:

مقدمه: هایپرکلسترولمی فامیلی (FH) بیماری غالب اتوزومال است و با افزایش سطح لیپوپروتئین با دانسیته کم (در پلاسمما)، لیپید در تاندون و رگها تجمع می یابد. این بیماری با آترواسکلروز نابهنجام و افزایش خطر بیماری های قلبی عروقی (CHD) همراه می شود. هایپرکلسترولمیای فامیلی به همراه جهش در ژن گیرنده لیپوپروتئین با دانسیته کم (LDLR) ایجاد می شود. از اهداف این مطالعه بررسی تغییرات ژن LDLR در گروهی از بیماران استان چهارمحال و بختیاری بود.

مواد و روشهای: در این مطالعه ۵۷ نمونه بیمار ( میانگین سنی  $۱۲/۸۶ \pm ۵۳/۲۶$  ) با استفاده از روش آسان و بر اساس معیار جهانی ثبت Simon Broome DNA ژنومی این بیماران با روش استاندارد فنل-کلروفرم استخراج گردید. سپس بر روی نمونه های مورد مطالعه با استفاده از روش PCR-SSCP وجود تغییرات در پرومотор و اگزون های شماره ۱، ۳، ۱۱، ۱۵، ۱۳، ۱۱، ۵، ۳، ۱۶، ۱۵ و ۱۸ مورد بررسی قرار گرفت. همچنین برای اگرون های شماره ۳، ۱۱ و ۱۵ شرایط Heteroduplex Analysis نیز اعمال شد. با انجام تکنیک های فوق موارد مشکوک شناسایی شد و سپس توالی یابی مستقیم DNA انجام گردید.

نتیجه گیری: در این مطالعه دو تغییر در ژن LDLR شناسایی شد، جهش هتروزیگوت A $>T^{283}$  و پلی مورفیسم C $>T^{1959}$  که به ترتیب در ۹ و ۱ فرد مبتلا به FH شناسایی گردید. در پرومotor و اگزون های ۱، ۵، ۱۱، ۱۵، ۱۶، ۱۷، ۱۸ تغییرات بیماری زایی مشاهده نگردید. نتایج این تحقیق نشان داد نقش ژن LDLR در ایجاد FH در جمعیت مورد مطالعه ضعیف است و احتمالاً ژن یا لوکوس های دیگری در ایجاد FH در این منطقه نقش دارند.

کلمات کلیدی: هایپرکلسترولمی فامیلی، ژن LDLR، PCR-SSCP، Heteroduplex Analysis

## فصل اول: کلیات

۱۱	۱-۱- مقدمه.....
۱۴	۲-۱- لبید.....
۱۴	۲-۲-۱- فیزیولوژی لیپوپروتئین های پلاسما
۱۶	۲-۲-۲-۱- لبیدها و بیماریهای عروقی.....
۱۷	۳-۱- کلسترول.....
۱۷	۳-۱-۱- بیوسنتر کلسترول.....
۱۷	۳-۱-۲- تنظیم سنتز کلسترول.....
۱۸	۳-۱-۳- مسیر انتقال معکوس کلسترول.....
۱۹	۳-۲-۱- کاربردهای خاص کلسترول در بدن.....
۱۹	۴-۱- لیپوپروتئین.....
۲۰	۴-۱-۱- ساختمان و متابولیسم طبیعی لیپوپروتئین.....
۲۲	۴-۱-۲- لیپوپروتئین ها، آپولیپوپروتئین ها و پروتئین های مربوطه.....
۲۲	۴-۲-۱- اگزوژن.....
۲۲	۴-۲-۲- آندوزن.....
۲۴	۴-۳- طبقه بندی.....
۲۴	۴-۴-۱- لیپو پروتئین های طبیعی.....
۲۴	۴-۴-۱-۱- شیلومیکرون ها.....
۲۴	۴-۴-۲-۱- لیپوپروتئین های با چگالی بسیار کم.....
۲۵	۴-۴-۳-۱- لیپو پروتئین های با چگالی کم.....
۲۶	۴-۴-۳-۲- لیپوپروتئین با چگالی بالا.....
۲۶	۴-۴-۴- لیپوپروتئین های غیر طبیعی.....
۲۷	۵-۱- لبیدها، لیپوپروتئین ها و بیماری.....
۲۷	۵-۱-۱- هایپر کلسترولمی پلی ژنیک (غیر فامیلی).....
۲۷	۵-۱-۲- هایپر کلسترولمی خانوادگی (FH).....
۲۸	۶-۱- آترواسکلروز.....
۲۸	۶-۱-۱- روند تشکیل پلاک های آترواسکلروز.....

۲۹	..... حامل اصلی کلسترول LDL-۷-۱
۳۰	..... آندوسیتوز LDL با واسطه پذیرنده ۱-۷-۱
۳۱	..... مسیر آندوسیتوز کمپلکس LDLR/ LDL-C ۱-۱-۷-۱
۳۲	..... گیرنده لیپوپروتئین با چگالی کم (LDLR) ۱-۸-۱
۳۳	..... برسی مولکولی ژن LDLR ۱-۸-۱
۳۴	..... ضرورت شناسایی جهش در ژن LDLR ۱-۱-۸-۱
۳۵	..... جهش های ژن LDLR ۲-۱-۸-۱
۳۶	..... جهش های رده اول ۲-۱-۸-۱
۳۶	..... جهش های رده دوم ۲-۲-۱-۸-۱
۳۶	..... جهش های رده سوم ۲-۲-۱-۸-۱
۳۶	..... جهش های رده چهارم ۲-۲-۱-۸-۱
۳۷	..... جهش های رده پنجم ۲-۱-۸-۱
۳۷	..... روند بیان ژن ۳-۱-۸-۱
۳۸	..... ناحیه پرومتر ژن LDLR ۱-۸-۱
۳۹	..... پنج منطقه عملکردی مجزا در پروتئین LDLR ۲-۸-۱
۳۹	..... ناحیه انتهای آمینی پذیرنده - اتصال ۱-۲-۸-۱
۴۰	..... قلمرو همتایی پیش ساز عامل رشد اپیدرمی (EGF) ۲-۲-۸-۱
۴۱	..... منطقه O-گلیکوزیدی ۳-۲-۸-۱
۴۱	..... منطقه بین غشایی ۴-۲-۸-۱
۴۱	..... منطقه دنباله سیتوپلاسمی ۵-۲-۸-۱
۴۲	..... تاخورده‌گی پروتئین LDLR ۶-۲-۸-۱
۴۲	..... نقش کلسیم در پروتئین LDLR ۷-۲-۸-۱
۴۳	..... نقش LDLR در ارتباط با هایپرکلسترولمیا خانوادگی ۹-۱
۴۴	..... شناسایی افراد مبتلا به FH ۱۰-۱
۴۴	..... برنامه US MedPed ۱-۱۰-۱
۴۴	..... گروه ثبت Simon Broome در کانادا ۲-۱۰-۱
۴۴	..... شیکه Dutch Lipid Clinic ۳-۱۰-۱

۱۱-۱-۱	تغییرات در سایر ژن های در گیر با FH
۱۱-۱-۲	APOB-۱۰۰
۱۱-۱-۳	PCSK9-۲-۱۱-۱
۱۱-۱-۴	ARH [۳-۱۱-۱]
۱۱-۱-۵	فنتوپ سیتواسترولومیا
۱۱-۱-۶	FH-۱۲-۱
۱۱-۱-۷	مسیرهای درمان مبتلایان با هتروزیگوت و هموزیگوت
۱۱-۱-۸	بررسی متون
فصل دوم: روشها ، مواد و وسایل	
۱-۲	مراحل انجام تحقیق
۱-۲-۱	پرسشنامه
۱-۲-۲	نمونه گیری
۱-۲-۳	DNA استخراج
۱-۲-۴	ارزیابی کمی و کیفی DNA استخراج شده
۱-۲-۵	DNA ژنومی استخراج شده
۱-۲-۶	تعیین غلظت DNA با روش اسپکتروفتوometri
۱-۲-۷	PCR با استفاده از تکنیک PCR
۱-۲-۸	اصول انجام تکنیک PCR
۱-۲-۹	غلظت یون منیزیم
۱-۲-۱۰	dNTP (داکسی نوکلئوتید تری فسفات ها)
۱-۲-۱۱	آغازگرها
۱-۲-۱۲	Tm (دمای ذوب)
۱-۲-۱۳	PCR برای دمای اتصال آغازگرها
۱-۲-۱۴	تعداد چرخه های تکثیر
۱-۲-۱۵	PCR الکتروفورز محصولات

۷۲	..... ۱-۶-۱-۲- مواد مورد نیاز تهیه ژل پلی اکریل آمید.
۷۲	..... ۲-۶-۱-۲- فرایند پلیمریزاسیون
۷۳	..... ۳-۶-۱-۲- طرز ساخت ژل پلی اکریل آمید.
۷۳	..... ۴-۶-۱-۲- انتقال محصول PCR به ژل
۷۴	..... ۵-۶-۱-۲- رنگ آمیزی ژل الکتروفورز.
۷۵	..... ۶-۶-۱-۲- الکتروفورز محصول PCR روی ژل آگارز.
۷۶	..... ۷-۶-۱-۲- طرز تهیه ژل آگارز ۱/۵ درصد جهت الکتروفورز.
۷۷	..... ۷-۱-۲- تکنیک PCR-SSCP
۷۹	..... ۸-۷-۱-۲- روش انجام PCR-SSCP
۸۰	..... ۸-۱-۲- Heteroduplex Analysis
۸۱	..... ۹-۸-۱-۲- روش انجام SSCP-Heteroduplex

### فصل سوم : نتایج

۸۳	..... ۱-۳- نتایج
	..... فصل چهارم: بحث
۹۰	..... ۴- بحث

### فهرست شکلها

۲۰	..... شکل ۱-۱: لیپوپروتئین
۲۵	..... شکل ۱-۲: لیپوپروتئین کم چگال
۳۱	..... شکل ۱-۳: نمایی از مسیر آندوسیتوز در سطح غشاء سلول
۳۴	..... شکل ۱-۴: نواحی اکگزونی و اینترونی ژن LDLR ، قسمت های مختلف پروتئین LDLR ..
۳۹	..... شکل ۱-۵: پنج منطقه عملکردی مجزا در پروتئین LDLR
۴۶	..... شکل ۱-۶: نقش ژن های درگیر در مسیر انتقال LDL-C
۶۲	..... شکل ۲-۱: تکثیر DNA با استفاده از PCR
۷۴	..... شکل ۲-۲: نمونه شماتیک الکتروفورز پلی اکریل آمید.
۷۶	..... شکل ۲-۳: دستگاه الکتروفورز ژل آگارز.
۷۸	..... شکل ۲-۴: نمایی شماتیک از فرایند PCR-SSCP

..... شکل ۵-۲: نمایی شماتیک از فرایند هترودوبلکس.

..... شکل ۱-۳: ژل پلی اکریلامید SSCP پرومومتر و اگزون ۱ ژن LDLR

..... شکل ۲-۳: ژل پلی اکریل آمید SSCP اگزون ۵ ژن LDLR

..... شکل ۳-۳: ژل پلی اکریل آمید SSCP اگزون ۱۳ ژن LDLR

..... شکل ۴-۳: ژل پلی اکریل آمید SSCP اگزون ۱۶ ژن LDLR

..... شکل ۵-۳: ژل پلی اکریل آمید SSCP اگزون ۱۷ ژن LDLR

..... شکل ۶-۳: ژل پلی اکریل آمید SSCP اگزون ۱۸ ژن LDLR

..... شکل ۷-۳: ژل پلی اکریل آمید SSCP-Heteroduplex اگزون ۳ ژن LDLR

..... شکل ۸-۳: ژل پلی اکریل آمید SSCP- Heteroduplex اگزون ۱۱ ژن LDLR

..... شکل ۹-۳: ژل پلی اکریل آمید SSCP-Heteroduplex اگزون ۱۵ ژن LDLR

..... شکل ۱۰-۳: نتایج آنالیز با استفاده از تکنیک توالی یابی DNA اگزون ۳

..... شکل ۱۱-۳: نتایج آنالیز با استفاده از تکنیک توالی یابی DNA اگزون ۱۳

فهرست جداول

۱۵	جدول ۱-۱: دسته بندی و عملکرد آپو پروتئین ها.....
۶۵	جدول ۱-۲: توالی آغازگرهای ژن <b>LDLR</b>
۶۶	جدول ۲-۱: برنامه حرارتی ترموسایکلر برای PCR پرومودر و اگزون ۱
۶۶	جدول ۲-۲: برنامه حرارتی ترموسایکلر برای PCR اگزون ۳
۶۷	جدول ۲-۳: برنامه حرارتی ترموسایکلر برای PCR اگزون ۵
۶۷	جدول ۲-۴: برنامه حرارتی ترموسایکلر برای PCR اگزون ۱۱
۶۸	جدول ۲-۵: برنامه حرارتی ترموسایکلر برای PCR اگزون ۱۳
۶۸	جدول ۲-۶: برنامه حرارتی ترموسایکلر برای PCR اگزون ۱۵
۶۹	جدول ۲-۷: برنامه حرارتی ترموسایکلر برای PCR اگزون ۱۶
۶۹	جدول ۲-۸: برنامه حرارتی ترموسایکلر برای PCR اگزون ۱۷
۷۰	جدول ۲-۹: برنامه حرارتی ترموسایکلر برای PCR اگزون ۱۸
۷۰	جدول ۲-۱۰: برنامه حرارتی ترموسایکلر برای PCR اگزون ۱۹
۷۰	جدول ۲-۱۱: مواد و مقادیر مورد نیاز واکنش PCR برای پرومودر و اگزون های ۱، ۳، ۵، ۱۱

- ۷۱ ۱۲-۲: مواد و مقادیر مورد نیاز برای هرنمونه درواکنش PCR برای اگزون های ۱۳ و ۱۵
- ۸۰ جدول ۱۳-۲: شرایط انجام SSCP برای اگزون های ژن LDLR
- ۸۱ جدول ۱۴-۲ : برنامه حرارتی ترموسایکلر برای Heteroduplex

فصل اول

کلیات

## ۱-۱-مقدمه

کلسترول بالای خانوادگی (FH)<sup>□</sup> بیماری شایعی است و به صورت غالب اتوزومال به ارث می رسد [Brown MS, ۱۹۸۶, ۳۴-۴۷]. بیش از ده میلیون نفر در سراسر جهان از این بیماری رنج می برند. FH هموزیگوت با فراوانی ۱ در میلیون نفر و FH هتروزیگوت حدود ۱ در ۵۰۰ نفر، در اغلب جمعیت ها گزارش شده است [Hobbs HH, ۱۹۹۲, ۴۴۵-۴۶۶]. همراه با سطوح بالای LDL حامل کلسترول (LDL-C)<sup>□</sup>، گرانتومای تاندون، حلقه قرنیه و بیماری های قلبی عروقی (CHD<sup>□</sup>) مشخص می گردد [Brown MS, ۱۹۸۶, ۳۴-۴۷]. سه گروه (با یکدیگر اختلاف هایی جزئی دارند) معیارهایی را برای تشخیص FH ارائه داده اند.

این سه گروه شامل برنامه Simon [Kane JP, ۱۹۹۱, ۱۶۸۸-۱۶۸۹]<sup>□</sup> US Med-Ped<sup>□</sup> ، گروه ثبت Dutch [Williams RR, ۱۹۸۶, ۲۱۹-۲۲۴]<sup>□</sup> ، [Yamamoto A, ۱۹۸۹, ۱۶۶-۱۷۴]<sup>□</sup> و شبکه Lipid Clinic می باشند [No authors listed, ۱۹۹۹, ۱۰۵-۱۱۲].

در سه گروه فوق شاخص های اصلی به یکدیگر نزدیک است. از آن جمله می توان به تاریخچه فامیلی ، میزان کلسترول کلی ، سطوح LDL-C پلاسما، حضور تاندون گرانتوما ، حلقه قرنیه<sup>□</sup> و بیماری کرونر قلب نابهنجام (CHD) در بیمار و یا فامیل درجه اول بیمار اشاره کرد ] Khachadurian AK, ۱۹۶۴, ۴۰۲-۴۰۷<sup>□</sup>. بیماری های قلبی عروقی عامل مرگ و میر در بسیاری از کشورهای جهان شناخته شده و می توان گفت مهمترین عامل ایجاد بیماری وجود FH در مبتلایان می باشد [Goldstein JL, ۱۹۹۲, ۴۴۵-۴۶۶]. خطر ابتلاء به بیماری های قلبی عروقی را تا ۵۰ درصد در مردان و ۳۰ درصد در زنان افزایش می دهد [Khachadurian AK, ۱۹۶۴, ۴۰۲-۴۰۷]<sup>□</sup>. در جوامع اروپایی احتمال شیوع FH حدود ۲ درصد گزارش شده است. بدلیل نتایج حاصل از اثربینانگذار<sup>□</sup> بر روی جمعیت های خاصی ، شیوع مبتلایان هتروزیگوت بالاتر از فراوانی فوق تخمین زده شده است [Civeira F, ۲۰۰۴, ۵۵-۶۸]<sup>□</sup>.

تاکنون تحقیقات کاملی بر روی FH در آسیا و به طور خاص منطقه خاورمیانه صورت نگرفته است [Khoo KL, ۱۹۸-۱۰۵]<sup>□</sup>. این مطالعات اندک و پراکنده نشان می دهد بیماری های قلبی

<sup>□</sup>Familial Hypercholesterolemia

<sup>□</sup>Low density lipoprotein-cholesterol

<sup>□</sup>coronary heart disease

<sup>□</sup>Make early diagnosis – prevent early death

۲ Corneal arcus

<sup>□</sup>founder effect

عروقی تظاهرات بالینی کمتری نسبت به سایر نقاط جهان دارد [Pimstone SN, ۱۹۹۸, ۳۰۹-۳۱۵]. در ایران نیز حدود ۴۰ درصد از مرگ و میرها به دلیل بیماری های قلبی عروقی است و شیوع این بیماری در افراد بالاتر از ۲۰ سال، ۲۴ درصد گزارش شده است [مرکز آمار ایران، ۱۳۷۰-۱۳۷۱]. اکثر داده ها نقش دو ژن LDLR و ژن ApoB<sup>100</sup> را نسبت به سایر ژنها در بروز FH موثرتر نشان می دهد. حتی در بیشتر موارد نقش ژن LDLR قویتر گزارش شده است [Austin MA, ۲۰۰۴, ۴۰۷-۴۲۰].

ژن LDLR با اندازه تقریبی ۴۵ kb بر روی بازوی کوتاه کروموزوم ۱۹ قرار گرفته و از ۱۸ ناحیه اگزونی و ۱۷ ناحیه ایترونی تشکیل شده است [افخمی اردکانی، محمد، ۱۳۸۱، ۲۴۷، Lombardi MP] متعلق به یک خانواده سوپرژن بوده و یک پروتئین موزاییک را کد می کند، TC Südhof [۱۹۸۵, ۸۱۵-۸۲۲]. ژن LDLR، یک پروتئین ۸۳۹ اسید آمینه ای را کد می کند. گیرنده LDL یک گلیکوپروتئین سطحی سلول است و سطوح پلاسمایی کلسترول در خون را تنظیم می کند [Goldstein JL, ۱۹۹۵, ۱۹۸۱-۲۰۳۰], [Brown MS, ۱۹۸۶, ۳۴-۴۷].

پروتئین سنتز شده در ابتدا یک توالی ۲۱ اسید آمینه ای داشته که مانند سیگنال عمل می کند و در طول جابجایی به ER شکسته می شود. نتایج نشان می دهد بین نواحی اگزونی و سازماندهی قسمت های پروتئینی ارتباط قابل توجهی وجود دارد [Genet J. ۲۰۰۴, ۲۴۶۱-۲۴۷۰]. بیش از ۷۰۰ جهش مختلف در ژن LDLR شناسایی شده است و این تعداد در حال افزایش است [Wilson, ۱۹۹۸, ۱۵۰۹-۱۵۱۱]. انواع جهش ها مانند splice site، missense و حذف های بزرگ در ژن LDLR شناسایی شده است. جهش های موجود در ژن LDLR براساس نوع فنوتیپ FH طبقه بندی می شوند. جهش های مرتبط با سنتز LDLR، انتقال LDLR به سطح سلول، تجمع LDL در حفره هایی با پوشش کلاترینی، داخل شدن گیرنده، توانایی LDLR برای اتصال به لیگاند و ورود به چرخه مجدد در این طبقه بندی قرار می گیرد [Hobbs, HH, ۱۹۹۰, ۱۳۳-۱۷۰].

یک درصد کاهش کلسترول کلی سرم، خطر بیماری های قلبی عروقی را تا ۲ درصد کاهش می دهد [مرکز آمار ایران، ۱۳۷۰-۱۳۷۱]. بنابراین شناسایی به موقع افراد مبتلا به FH عامل موثری در کاهش ابتلا به بیماری های قلبی عروقی خواهد بود . KLoo [Khoo, ۲۰۰۰, ۹۸-۱۰۵]. تغییرات در ژن DGGE، RFLP، LDLR مهمترین علت بروز FH در افراد است. در مطالعات قبلی روش هایی مانند PCR-SSCP، SSCP، PCR-SSCP و توالی یابی مستقیم DNA<sup>□</sup> به منظور شناسایی تغییرات در ژن

استفاده شده است. با روش PCR-SSCP توالی های خاصی از ژن LDLR تکثیر شده و سپس تغییرات مشخص می شود. با روش توالی یابی مستقیم می توان نتایج نهایی را تائید کرد. اگر زون های ۲، ۴، ۶، ۷، ۸، ۹، ۱۰، ۱۲، ۱۴ ژن LDLR در مطالعه قبلی توسط شایسته و همکاران (نتایج این بررسی در دست چاپ است) بررسی گردید. ما در مطالعه حاضر وجود تغییرات سایر اگر زون های ژن LDLR در ارتباط با بیماران FH را با استفاده از آنالیز PCR و توالی یابی مستقیم بررسی نموده ایم.

## ۱-۲-۱-لیپید

لیپید ها مواد آلی هستند و در حلالهای غیرقطبی قابل حل می شوند. لیپیدهای اصلی در سلولهای انسانی عبارتند از: اسیدهای چرب، گلیکلولیپیدها، اسفنگولیپیدها، فسفولیپیدها، ویتامین های محلول در چربی (K, E, D) و استرول ها. لیپیدهایی که دارای نقش عملکردی در بدن انسان هستند به صورت آندوژن در بدن ساخته می شوند. انواع لیپیدها از طریق تغذیه وارد بدن شده و بیشتر آنها به اجزاء ساده شکسته می شوند. این لیپید ها به عنوان پیش ساز، سوخت و یا هر دو عمل می کنند.

تری گلسریدها (TGs) و کلسترول هم درون بدن ساخته شده و هم از طریق غذا دریافت می شوند و نقش پیش ساز و سوخت را بر عهده دارند. تری گلسریدها از سه زنجیره اسید چرب (FFA) متصل به گلسرول (توسط پیوند استری) تشکیل شده اند. اسیدهای چرب همچنین می توانند استریفیه شده و به کلسترول تبدیل شوند (به صورت ذرات لیپوپروتئین با چگالی بسیار کم یا VLDL). کلسترول و تری گلسرید هیدروفوبیک هستند و به همراه آپولیپوپروتئینها و فسفولیپیدها، در گردش خون جابجا شده و توسط سلولها جذب و ترشح می شوند. نام این ذرات براساس چگونگی جداسازی در سانتریفوژ بر حسب چگالی آنها انتخاب شده است. ۱۰ آپولیپوپروتئین تا کنون شناخته شده و نامگذاری آنها بر اساس حروف الفبا صورت گرفته است (جدول ۱-۱).

آپولیپوپروتئین ها که موجب ثبات میسل لیپوپروتئین می شوند توسط گیرنده های غشای سلولی شناسایی شده و به عنوان کوفاکتور آنزیم عمل می کنند [Kishor,S. ۲۰۰۷, ۴۶۷۴-۴۶۹۹]. بخش عمده توجه به لیپوپروتئینها و تری گلسریدها ناشی از ارتباط آنها با آترواسکلروز از نظر اپیدمیولوژی می باشد. لیپیدهایی که غلظت پلاسمایی آنها با وقوع آترواسکلروز و عوارض آن مرتبط است شامل تری گلسرید، لیپوپروتئین با چگالی پایین (LDL)، لیپوپروتئین با چگالی متوسط (IDL)، ذرات باقی مانده و لیپوپروتئین a می باشند [Bayness D, ۱۹۹۹, ۲۱۶-۲۰۱].

## ۱-۲-۱- فیزیولوژی لیپوپروتئین های پلاسما

تری گلسرید موجود در رژیم غذایی به وسیله ای لیپاز پانکراس هیدرولیز می گردد. توسط سلولهای مخاط روده جذب می شود و به صورت کیلومیکرون به درون رگهای لنفاوی مزانتریک ترشح می گردد. در صورت وجود کالری اضافی در رژیم غذایی، کبد اسیدهای چرب آزاد پلاسما را نیز به تری گلسرید تبدیل می نماید و VLDL را به درون پلاسما ترشح می کند. کیلومیکرون ها و VLDL، آپولیپوپروتئین II (apo C-II) را از لیپوپروتئین های دارای چگالی زیاد موجود در پلاسما جذب می کنند. apo C-II از هیدرولیز تری گلسرید، شیلومیکرون ها، VLDL، فسفولیپید،

کلستروول و آپوپروتئین های اضافی، به HDL تبدیل می شوند و سبب افزایش میزان HDL می گردد. بقایای حاصل از هیدرولیز تری گلیسرید (کیلومیکرونها) سریعاً توسط کبد پاک می شود و در حالت طبیعی در پلاسمما انباسته نمی گردد.

جدول ۱-۱: دسته بندی و عملکرد آپو پروتئین ها

آپوپروتئین ن	لیپوپروتئینها	شرح
apo A-I	Chylomicrons, HDL	فعال کننده لیستین کلستروول آسیل ترانسفراز
apo A-II	Chylomicrons, HDL	افزایش فعالیت لیپاز کبدی
apo A-IV	Chylomicrons and HDL	در لیپوپروتئین غنی از تری گلیسرید وجود دارد
apo B <sub>48</sub>	Chylomicrons	در شیلومیکرون هایی که از رن apo B <sub>100</sub> RNA مشتق شده بوسیله ویرایش
apo B <sub>100</sub>	VLDL, IDL, and LDL	طولانی ترین پروتئینی که در انسان شناخته شده است
apo C-I	VLDL, Chylomicrons, IDL, and HDL	احتمالاً فعال کننده لیستین کلستروول آسیل ترانسفراز
apo C-II	VLDL, Chylomicrons, IDL, and HDL	فعال کننده لیپوپروتئین لیپاز
apo C-III	VLDL, Chylomicrons, IDL, and HDL	مهارکننده لیپوپروتئین لیپاز
apo D	HDL	در ارتباط نزدیک با فعال کننده لیستین کلستروول آسیل ترانسفراز
apo E [E <sub>2</sub> , E <sub>3</sub> , E <sub>4</sub> ]	Chylomicron remnants, VLDL ,IDL and HDL	اتصال به گیرنده LDL
apo (a)	LDL	فاکتور خطر بیماریهای زودرس عروق کرونر و سکته

رونده فوق توسط آپولیپوپروتئین E (apoE) بر روی سطح شیلومیکرون انجام می گردد. بدین صورت که آپولیپوپروتئین E به پروتئوگلیکان هپاران سولفات کبدی اتصال می یابد و سبب پاکسازی سریع بقایای کیلومیکرون از جریان خون می گردد ، سپس آپولیپوپروتئین E واقع بر سطح

شیلومیکرون، به طور اختصاصی به پروتئین وابسته به گیرنده(LRP) که در غشای سلول هپاتوسیت مستقر می باشد اتصال می یابد و وارد کبد می گردد[هاریسون، ۲۰۰۱، ۳۲۵-۳۳۱].

مقداری از بقایای VLDL نیز مستقیما به وسیله کبد پاکسازی می گردد. بقیه آن به لیپوپروتئین با چگالی متوسط تبدیل می شود. IDL به طور طبیعی عمر کوتاهی دارد و در اثر عمل لیپاز به LDL تبدیل می شود که فرآورده نهایی کاتابولیسم VLDL می باشد، بر خلاف VLDL که تقریبا ۲۰ دقیقه در پلاسمما باقی می ماند LDL به مدت ۲ تا ۴ روز در گردش خون می ماند. LDL به طور طبیعی ۷۰٪ کلسترول پلاسمما را تشکیل می دهد. بخش اعظم پاکسازی LDL از پلاسمما هنگامی اتفاق می افتد که آپوپروتئین E (apoE) واقع بر روی سطح LDL به گیرنده LDL اتصال می یابد. گیرنده های مزبور بر روی بسیاری از بافتها، بخصوص کبد استقرار دارند. لیپوپروتئین a [LP(a)] توسط کبد ترشح شده و ۱۰٪ (یا کمتر) از کل میزان لیپوپروتئین پلاسمما را تشکیل می دهد . این لیپوپروتئین دارای نواحی مشابه با پلاسمینوژن می باشد و با خطر بیماری عروقی مرتبط است.

HDL توسط روده و کبد به درون پلاسمما ترشح می شود. HDL کلسترول و فسفولیپیدی را که از سلول به بیرون منتقل شده اند توسط یک نوار متصل به ATP(ABC) می پذیرد. روند فوق برای تولید HDL ضروری است. کلسترول ابتدا جذب سطح HDL می شود. کلسترول بر روی سطح مزبور، سوبسترای آنزیم لسیتین- کلسترول آسیل ترانسفراز (LCAT) موجود در پلاسمما می باشد. LCAT سبب انتقال یک اسیدچرب از فسفاتیدیل کولین به گروه ۳-هیدروکسیل کلسترول می شود. این عمل سبب تولید استرهای کلسترول می شود. این استرهای از سطح هیدروفیل HDL به هسته ای مرکزی هیدروفوب HDL منتقل می گردند. بدین ترتیب سطح HDL برای پذیرش کلسترول بیشتری از سلولها یا سایر لیپوپروتئین ها آماده می شود. استرهای کلسترول موجود در هسته ای مرکزی می توانند توسط یک پروتئین پلاسمما جابجا و منتقل شوند. این استرهای منبع اصلی استرهای کلسترول موجود در کیلومیکرون VLDL و LDL می باشند[Devlin M, ۲۰۰۲, ۶۹۴-۷۷۷].

## 2-2-1- لیپیدها و بیماریهای عروقی

در سال ۱۹۴۸ برای اولین بار رابطه بین سطوح کلسترول سرم و خطر بیماریهای قلبی مشخص شد. تحقیقات مداخله ای در دهه ۱۹۹۰ نشانگر این حقیقت بود که، کاهش کلسترول از طریق رژیم غذایی، دارو، یا جراحی سبب کاهش خطر ایجاد و پیشرفت CHD می گردد. به طور کلی کاهش LDL- کلسترول به میزان ۱٪ با کاهش تقریبا دو درصدی بیماریهای قلبی همراه می باشد. اما ۱٪ کاهش در HDL خطر این بیماریها را ۳-۴٪ افزایش می دهد. کاربرد مهارکننده های ردوكتاز

سبب کاهش میزان LDL و کاهش میزان مرگ و میر مبتلایان به بیماری قلبی کرونر تا ۳۰٪ شده است [Wesley G, ۱۹۹۹, ۲۷۷۶-۲۷۸۱].

### ۳-۱-کلسترول

کلسترول پیش ساز هورمونهای استروئیدی مثل کورتیکواستروئید‌ها، هورمونهای جنسی، اسیدهای صفراوی و ویتامین D می‌باشد. کلسترول از اجزای اصلی تشکیل دهنده غشاها سلولی است و دارای دو منشا غذایی و سنتزی می‌باشد. نیمی از کلسترول بدن از راه سنتز بدست می‌آید و محل سنتز آن در پستانداران، کبد می‌باشد در حالی که تمام بافت‌های حاوی سلولهای هسته دار قادر به سنتز کلسترول می‌باشند.

ساختمان اصلی کلسترول را یک هسته استرول تشکیل می‌دهد. کل این هسته از چندین ملکول استیل کوا ساخته می‌شود. هسته استرول را می‌توان با افزودن زنجیره‌های گوناگون جانبی به کلسترول، اسید کولیک که اساس اسیدهای صفراوی ساخته شده در کبد را تشکیل می‌دهد و چندین هورمون مهم استروئیدی که از قشر فوق کلیه‌ها، تخمدانها و بیضه‌ها ترشح می‌شوند تغییر داد.

[Roskoski R, ۱۹۹۶, ۱۸۷-۲۰۰] ، [ ۲۵۱-۲۲۶ ، ۱۳۸۶ ]

### ۱-۳-۱-بیوسنتز کلسترول

منبع تمام کربن‌های کلسترول استیل کوا می‌باشد. مراحل بیوسنتز کلسترول که استیل کوا در آن دخالت مستقیم دارد شامل پنج مرحله است:

- ۱- تشکیل موالونات (یک ترکیب شش کربنی) از استیل کوا
- ۲- از دست دادن کربن دی اکسید توسط موالونات و تولید واحد‌های شبیه ایزوپرنسنیل
- ۳- ترکیب شش واحده ایزوپرنسنیل و تشکیل اسکوالن
- ۴- تولید لانوسترول از اسکوالن
- ۵- تشکیل کلسترول از لانوسترول بعد از مراحلی مثل از دادن سه گروه متیل

.[Devlin M, ۲۰۰۲, ۶۹۴-۷۷۷]

### ۲-۳-۱-تنظیم سنتز کلسترول

کلسترول به آرامی از لوله گوارش جذب عروق لنفاوی روده می‌شود. کلسترول لوله گوارش محلول در چربی بوده اما قابلیت انحلال آن بسیار مختصر است و می‌تواند با اسید‌های چرب استر تشکیل دهد. در واقع ۷۰٪ کلسترول در لیپو پروتئینهای پلاسمایی به شکل استر کلسترول

است. کلسترونول تنها در حیوانات یافت می شود و بیشترین مقدار آن در زرده تخم مرغ و چربی حیوانی قرار دارد. کلسترونول از روده جذب می گردد و به شکل شیلومیکرون (CM) از مخاط دستگاه گوارش وارد خون می شود. کلسترونول در داخل سلول سنتز و بیشتر کلسترونول داخل سلولی را با مهار آنزیم HMG-CoA reductase مهار می کند. استریفیکاسیون سنتز کلسترونول را افزایش می دهد و سنتز گیرنده های LDL را کاهش می دهد. تمام این مراحل با مکانیسم کتترل فیدبکی، مقدار کلسترونول داخل سلولی را تنظیم می کند [Grigore L, ۲۰۰۷, ۱۲۱-۱۲۸]، [هارپر، ۱۳۸۶، ۲۲۶-۲۵۱]

### ۱-۳-۳-۱ مسیر انتقال معکوس کلسترونول

کلسترونولی که از سلول خارج می شود جذب HDL می شود. بعضی از انواع HDL ها حاوی آپوپروتئین های E هستند و همراه گیرنده های LDL به دیگر سلولها متصل می شوند، آنها کلسترونول را از یک سلول به سلول دیگر منتقل می کنند. شیلومیکرونها در مخاط روده در طول جذب محصولات هضم شده چربی ها از طریق لنفوتیک وارد خون می شوند. شیلومیکرونها در مویرگ با عمل پروتئین لیپاز تجزیه می شوند و به چربی های آزاد و گلیسرول تبدیل می شوند و بعد از ورود به سلولهای چربی دوباره استریفیله می شوند. شیلومیکرونها حاوی آپو پروتئین های C هستند که بعد از تخلیه تری گلیسرید در گردش خون به عنوان لیپوپروتئین غنی تحت عنوان باقیمانده شیلومیکرون باقی می مانند، این بقایا به کبد حمل می شوند و به گیرنده های خود و LDL متصل شده و سریعاً وارد سلول می شوند. VLDL نیز در کبد ساخته شده و تری گلیسریدهای تشکیل شده از چربی ها و کربوهیدرات موجود در کبد را به بافت های خارج کبدی انتقال می دهند. سپس تری گلیسرید از VLDL توسط آنزیم لیپوپروتئین لیپاز جدا شده و به IDL تبدیل می شوند. IDL از طریق آنزیم پلاسمایی لسیتین کلسترونول استیل ترانسفراز (LCAT) فسفولیپیدهای خود را از دست می دهد و همچنین با از دست دادن پروتئین و کلسترونول بیشتر به LDL تبدیل می شود. مکانیسم دیگری که منجر به خروج کلسترونول توسط HDL می شود، باند شدن HDL به قسمتهای سطحی خاصی است که به عنوان گیرنده های LDL حمل می کند. این اتصال منجر به جابجایی کلسترونول داخل سلولی به غشای پلاسمایی می شود. در سلولهای محیطی کلسترونول آزاد شده از طریق سیستم لنفاوی به مجرای توراسیک و سپس به جریان خون سیستمیک انتقال می یابد. کلسترونول پس از استر شدن به LDL تبدیل می شود [هارپر، ۱۳۸۶، ۲۰۰۲، S۲۹-S۳۲]، [Turley SD, ۲۰۰۲, ۲۲۶-۲۵۱]