



دانشگاه الزهرا (س)

دانشکده علوم پایه

پایان نامه

جهت اخذ درجه کارشناسی ارشد

رشته بیوشیمی

عنوان

بیان ژن *hbs* از 6633 ATCC *Bacillus subtilis* با استفاده از روش های بیوشیمیابی و

مهندسی ژنتیک

اساتید راهنما

خانم دکتر پریناز قدم

خانم دکتر سارا غروی

دانشجو

صغری قدسی

تیر ۱۳۸۹

بِسْمِ اللّٰهِ الرَّحْمٰنِ الرَّحِيْمِ



دانشگاه الزهرا (س)

دانشکده علوم پایه

پایان نامه

جهت اخذ درجه کارشناسی ارشد

رشته بیوشیمی

عنوان

بیان ژن *hbs* از *Bacillus subtilis* ATCC 6633 با استفاده از روش های

بیوشیمیایی و مهندسی ژنتیک

اساتید راهنمای

خانم دکتر پریناز قدم

خانم دکتر سارا غروی

استاد مشاور

خانم دکتر نرگس تفرشی

دانشجو

صغری قدسی

تیر ۱۳۸۹

ب

ε

با نهایت احساس و احترام

تقدیم به پدر و مادر عزیز و بزرگوارم

حضور شما با همه بزرگ منشی، درایت، صبر، توکل و عشق واقعی به خالق
متعال در لحظه لحظه زندگی ام تا همیشه جاری است. درخت حیاتتان جاودانه
سبز باد.

تقدیم به همسر مهربان و صبورم

تو را با قلب مهربان، نگاه پرمهرت، نفس هایی که بوی خدا می دهند و زبانی که
کلامی پر از امید و عشق از آن می تراود، می ستایم.

تقدیم به برادران عزیزم

شما که در طول دوران تحصیل و زندگی ام همواره همراه و مشوقم بوده و از
هیچ کوششی در حقم دریغ نکرده اید.

سپاس بیکران به درگاه ایزد یکتا که هرچه هستیم و هرچه داریم از اوست. او که
قطره ای از اقیانوس بی انتهای علم خود را بر ما عنایت فرمودتا پیوسته مشتاق
بهره گیری از قطره ای دیگر باشیم. او را سپاس می گوییم که جزء به یاری و اراده
او قادر به انجام هیچ کاری نبوده و نیستم.

با تقدیر و تشکر فراوان از :

اساتید عزیز و گرانقدر سرکار خانم دکتر قدم و سرکار خانم دکتر غروی که
نگاهشان به زندگی، کلامشان در توصیف هستی و رفتارشان در قاموس حیات
آن چنان امیدبخش و انرژی افزای است که تا همیشه در ذهنم نقش خواهد بست.

در برابر این دو عزیز که از خرمن فضل و دانش ایشان خوش چینی کرده ام و در
این پایان نامه گنجانیده ام، سر تکریم و تواضع فرود می آورم و از خداوند منان
سلامتی و عمر با عزت برایشان آرزومندم.

از اساتید محترم سرکار خانم دکتر حناچی و جناب آقای دکتر کاظمی که با
پذیرش داوری این پایان نامه، مرا بیش از پیش مورد لطف و محبت خود قرار
دادند، صمیمانه سپاسگزارم.

در پایان از تمامی اساتید و عزیزانی که در طول مدت تحصیل از محضرشان
کسب علم نموده ام، کمال تشکر و سپاسگزاری را دارم.

چکیده

میکروارگانیسم ها برای سازمان دهی و بسته بندی DNA ای خود از تعدادی پروتئین بازی کوچک استفاده می کنند. این پروتئین ها بر روی بیان ژن، رفتار رشد و قابلیت زیست میکروارگانیسم ها، تاثیر عمیقی دارند. این پروتئین ها، پروتئین های شبه هیستونی نامیده می شوند. یکی از پروتئین های شبه هیستونی که به خوبی مطالعه شده است، پروتئین HU از باکتری *E.coli* می باشد. پروتئین HBsu از *Bacillus subtilis* ای از اعضای خانواده بزرگ پروتئین های شبه هیستونی است. این پروتئین توسط ژن *hbs* رمز می شود.

در این مطالعه، به منظور تولید مقدار زیادی از پروتئین HBsu، ژن *hbs* همسانه و بیان شد. تولید مقدار زیادی از پروتئین نوترکیب، مراحل بعدی کار را تسهیل می کند.

DNA ژنومی متعلق به باکتری *B.subtilis* ATCC 6633 استخراج شد و با پرایمرهای طراحی شده، واکنش PCR انجام گردید. سپس محصول PCR تخلیص شد و در حامل *E.coli* DH5α بیانی (+), pET28a(+)، همسانه گردید. پلاسمید نوترکیب در باکتری *BL21* تاریخت شد. به منظور تایید همسانه سازی، از سلول های تاریخته، پلاسمید استخراج شد. پلاسمید استخراج شده به وسیله PCR آنالیز شد. سپس محصول PCR تعیین توالی گردید. پلاسمیدهای نوترکیب دارای ژن *hbs*، به میزبان بیانی *BL21* تاریخت شدند. برای بیان ژن *hbs*، کلونی های مثبت در محیط کشت LB دارای $50\mu\text{g}/\mu\text{l}$ IPTG (1mM) به عنوان القاگر به محیط کشت کانامایسین، کشت داده شدند. سپس SDS-PAGE انجام شد و محصول افروده شد. برای اطمینان از بیان ژن همسانه شده، SDS-PAGE انجام شد و محصول

۱۱kD پروتئین نوترکیب مشاهده گردید. پروتئین نوترکیب با ستون Ni-NTA تخلیص گردید.

در این مطالعه، با موفقیت ژن *hbs* همسانه و بیان شد و پروتئین نوترکیب تخلیص گردید.

کلمات کلیدی : باکتری باسیلوس سوبتیلیس، ژن *hbs*، همسانه سازی، بیان.

فهرست

عنوان صفحه	
فصل اول: مقدمه	
۱-۱-۱- پروتئین های شبه هیستونی ۲	
۱-۱-۱-۱- پروتئین شبه هیستونی IHF ۳	
۱-۱-۱-۲- پروتئین شبه هیستونی Fis ۵	
۱-۱-۱-۳- پروتئین شبه هیستونی H-NS ۷	
۱-۱-۱-۴- پروتئین HU ۹	
۱-۱-۴-۱-۱- عملکردهای پروتئین HU در سلول ۱۱	
۱-۱-۴-۲- پروتئین HU در باکتری های گرم مثبت و گرم منفی ۱۳	
۱-۱-۴-۳- پروتئین های مشابه HU در گونه های باسیلوس ۱۳	
۱-۱-۵- پروتئین HBsu در باکتری <i>B. subtilis</i> ۱۴	
۱-۱-۵-۱- نقش های مختلف پروتئین شبه هیستونی HBsu در باکتری <i>B. subtilis</i> ۱۵	
۱-۱-۵-۱-۱- نقش پروتئین HBsu در ترشح پروتئین ها ۱۵	
۱-۱-۵-۲- نقش پروتئین HBsu در مقاومت اسپور در باکتری <i>B. subtilis</i> ۱۸	
۱-۱-۵-۲-۱- همسانه سازی ژن ۱۸	
۱-۱-۲-۱- حامل های همسانه سازی ۱۹	
۱-۱-۲-۱-۱- پلاسمیدها ۱۹	

۲۰	- ویژگی های مناسب پلاسمیدها	۱-۱-۱-۲-۱
۲۰	- ویژگی های نا مناسب پلاسمیدها	۱-۱-۲-۱
۲۱	- حامل های بیان ژن	۱-۲-۱
۲۱	- فاکتورهای موثر در بیان یک ژن همسانه شده	۱-۲-۳
۲۲	- پیش بر ها	۱-۳-۲-۱
۲۲	- پیش برهای قابل کنترل	۱-۱-۳-۲-۱
۲۳	pET T7 و سیستم	۱-۱-۱-۳-۲-۱
۲۴	- سیستم های بیان کننده پروتئین های نو ترکیب	۱-۴
۲۴	- بیان در <i>E.coli</i>	۱-۴-۱
۲۴	- ویژگی های مناسب استفاده از <i>E.coli</i> به عنوان میزبان	۱-۱-۴-۱
۲۵	- مشکلات کلی ساخت پروتئین های نوترکیب در <i>E.coli</i>	۱-۲-۱-۴-۱
۲۶	- استفاده از برچسب ها در تولید پروتئین های نوترکیب	۱-۵
۲۷	- انواع پروتئین های هم جوش	۱-۵-۱
۲۸	- مزایای دیگر استفاده از برچسب ها	۱-۵-۲
۲۹	- برچسب پلی-هیستیدین (His- tag)	۱-۶
۳۱	- هدف از انجام پژوهش	۱-۷

فصل دوم: مواد و روش ها

۲-۱- ابزار و وسایل

۳۶.....	۲-۲- مواد مورد استفاده در این پژوهش
۳۷.....	۲-۳- کیت های مورد استفاده در این پژوهش
۳۷.....	۲-۴- باکتری ها
۳۷	۱-۴-۲- سویه های <i>E.coli</i>
۳۸.....	۲-۴-۲- سویه <i>B.subtilis</i>
۳۸.....	۲-۵- پلاسمید مورد استفاده در پژوهش
۳۹.....	۲-۶- محیط کشت
۳۹.....	۲-۶-۲- محیط کشت باکتری LB مایع
۴۰	۲-۶-۲- محیط کشت LB جامد
۴۰	۲-۶-۳- محیط کشت نوترینت آگار (N.A)
۴۱.....	۲-۶-۴- محیط کشت نوترینت براس (N.B)
۴۱.....	۲-۶-۵- تهییه محلول آنتی بیوتیک
۴۱.....	۲-۷- مراحل انجام پژوهش به صورت گام به گام
۴۱.....	۲-۷-۱- استخراج DNA ژنومی از باکتری <i>B.subtilis</i>
۴۱.....	۲-۷-۱-۱- استخراج DNA ژنومی با استفاده از روش فنل - کلروفرم
۴۴.....	۲-۷-۱-۲- استخراج DNA ژنومی با استفاده از روش SET Buffer
۴۵.....	۲-۷-۲- ارزیابی کیفیت و غلظت DNA استخراج شده
۴۶.....	۲-۷-۲-۱- سنجش غلظت و خلوص DNA به وسیله اسپکتروفوتومتر

۴۶	- ارزیابی کیفیت DNA استخراج شده به وسیله الکتروفورز	۲-۷-۲-۲
۴۸	- همسانه سازی قطعات حاصل از تکثیر ژن <i>hbs</i>	۲-۳-۷-۳
۴۸	- تکثیر ژن <i>hbs</i> توسط PCR	۲-۳-۷-۱
۵۱	- تخلیص باند اختصاصی از ژل آگارز با استفاده از کیت استخراج DNA از ژل	۲-۷-۴
۵۲	- استخراج DNA پلاسمیدی	۲-۷-۵
۵۲	- استخراج DNA پلاسمیدی در مقیاس کوچک (Minipreparation) به روش لیز قلیایی	۲-۷-۵-۱
۵۶	- استخراج DNA پلاسمیدی با استفاده از کیت استخراج پلاسمید Bioneer معمولی	۲-۷-۵-۲
۵۸	- آماده سازی ژن <i>hbs</i> و پلاسمید (+) برای واکنش اتصال (Ligation)	۲-۷-۶
۶۱	- اتصال دو قطعه DNA به یکدیگر در آزمایشگاه	۲-۷-۷
۶۳	- مستعد کردن باکتری <i>E.coli</i> (DH 5 α) به روش استفاده از کلرید کلسیم	۲-۷-۸
۶۳	- تراریخت کردن پلاسمید به درون باکتری مستعد <i>E.coli</i> (DH 5 α)	۲-۷-۹
۶۴	- غربال گری کلونی های آلوده به حامل و تأیید کلونی حاوی حامل نوترکیب	۲-۷-۱۰
۶۶	- روش های مربوط به بیان پروتئین نوترکیب در باکتری <i>E.coli</i> سویه BL21 (DE3)	۲-۷-۱۱-۱
۶۷	- تهیه سلولهای مستعد از باکتری <i>E.coli</i> سویه BL21 (DE3) و انتقال حامل نوترکیب به آنها	۲-۷-۱۱-۱-۱
۶۷	- القاء بیان پروتئین نوترکیب توسط Isopropyl-beta-D-thiogalacto-(IPTG) (pyranoside)	۲-۱۱-۷-۲

۶۸	۱۲-۷-۲	استخراج پروتئین از باکتری
۶۹	۱۳-۷-۲	الکتروفورز پروتئین ها به روش SDS-PAGE
۷۳	۱۴-۷-۲	تخلیص پروتئین HBsu با استفاده از ستون تمایلی Ni-NTA
۷۵	۱۵-۷-۲	سنجهش غلظت پروتئین

فصل سوم: نتایج

۷۶	۱-۳	استخراج DNA ژنومی از <i>Bacillus subtilis</i> ATCC6633
۷۶	۱-۱-۳	استخراج DNA ژنومی از <i>B. subtilis</i> ATCC 6633 با روش فنل - کلروفرم
۷۸	۲-۱-۳	استخراج DNA ژنومی از <i>B. subtilis</i> ATCC 6633 با روش Set-buffer
۷۹	۲-۲	تکثیر ژن hbs توسط PCR
۸۰	۳-۳	تخلیص باند اختصاصی از ژل آگارز با استفاده از کیت استخراج DNA از ژل
۸۱	۴-۳	استخراج DNA پلاسمیدی
۸۱	۴-۳	استخراج DNA پلاسمیدی به روش لیز قلیایی
۸۱	۴-۳	استخراج DNA پلاسمیدی با استفاده از کیت
۸۲	۵-۳	آماده سازی ژن hbs و حامل pET28a(+) برای واکنش اتصال
۸۳	۶-۳	همسانه سازی محصول PCR حاصل از تکثیر ژن hbs در پلاسمید pET28a(+)
۸۴	۷-۳	تعیین توالی ژن hbs همسانه شده
۸۶	۸-۳	بیان پروتئین HBsu باکتری <i>B.subtilis</i> و استخراج آن
۸۷	۹-۳	تخلیص پروتئین HBsu با استفاده از ستون تمایلی Ni-NTA

۱۰-۳ - سنجش غلظت پروتئین HBsu ۸۸

فصل چهارم: بحث

۹۰ بحث

۹۶ پیشنهادات

فصل پنجم: منابع

۹۸ منابع

فهرست تصاویر

صفحه.....	عنوان.....
	فصل اول: مقدمه
۴	شکل ۱-۱- ساختار IHF
۴	شکل ۱-۲- ساختار کملپکس IHF-DNA
۵	شکل ۱-۳- ساختار پروتئین Fis
۶	شکل ۱-۴- نقش پروتئین Fis بر کنترل بیان ژن
۷	شکل ۱-۵- نمای DNA بر همه و DNA همراه با پروتئین H-NS
۸	شکل ۱-۶- خاصیت مهاری H-NS بر بیان ژن ها و حذف آنها توسط شرایط محیطی
۹	شکل ۱-۷- تفاوت اثر پروتئین های H-NS و HU بر روی DNA
۱۲	شکل ۱-۸- نقش HU در شروع همانندسازی
۱۴	شکل ۱-۹- توالی ژن hbs و آمینو اسید های آن
۱۵	شکل ۱-۱۰- ساختار سوم هومودایمر پروتئین HBst در باکتری <i>B.steurothermophilus</i> و مقایسه پروتئین HBst با HBsu
۱۷	شکل ۱-۱۱- مقایسه ساختار SRP در یوکاریوت ها
۱۷	شکل ۱-۱۲- نقش پروتئین شبه هیستونی HBsu در ترشح پروتئین ها در باکتری <i>Bacillus subtilis</i>
۲۱	شکل ۱-۱۳- مراحل همسانه سازی در پلاسمید
۲۳	شکل ۱-۱۴- سیستم pET و پروموتر T7

شکل ۱-۱۵- قرار گیری توالی برچسب در پلاسمید و بیان پروتئین نوترکیب فیوز شده ۲۷

شکل ۱-۱۶- برهmekش میان زیر واحدهای $6 \times \text{His}$ و ماتریکس Ni-NTA ۳۰

شکل ۱-۱۷- تخلیص پروتئین با استفاده از سیستم تخلیص پروتئین - Ni-NTA ۳۰

فصل دوم: مواد و روش ها

شکل ۱-۲- نقشه حلقوی پلاسمید (+) pET 28a و جایگاه های برش آن ۳۸

شکل ۲-۱- ناحیه cloning/expression رشتہ رمز کننده پلاسمید (+) pET 28a ۳۹

شکل ۲-۲- توالی hbs ای ژن DNA ۴۸

شکل ۲-۳- الیگونوکلئوتید طراحی شده به عنوان پرایمر پیش رو (Forward) ۴۹

شکل ۲-۴- الیگونوکلئوتید طراحی شده به عنوان پرایمر پس رو (Reverse) ۴۹

شکل ۲-۵- تصویری از ستون Ni-NTA ۷۳

فصل سوم: نتایج

شکل ۳-۱- استخراج DNA از سه سویه از باکتری *B.subtilis* با استفاده از روش فنل کلروفرم روی ژل آگارز ۱٪ ۷۸

شکل ۳-۲- استخراج DNA با استفاده از روش set-buffer بر روی ژل آگارز ۱٪ ۷۹

شکل ۳-۳- تکثیر ژن hbs در باکتری *Bacillus subtilis* بر روی ژل آگارز ۲ درصد ۷۹

شکل ۳-۴- ژن hbs ران شده بر روی چاهک بزرگ در ژل آگارز ۲ درصد ۸۰

شکل ۳-۵- ژن hbs تخلیص شده با استفاده از کیت استخراج DNA بر روی ژل آگارز ۲٪ ۸۰

- شکل ۳-۶- استخراج DNA پلاسمیدی به روش لیز قلیایی ۸۱
- شکل ۳-۷- استخراج DNA پلاسمیدی با استفاده از کیت ۸۲
- شکل ۳-۸- آماده سازی ژن *hbs* و حامل pET28a(+) برای واکنش اتصال ۸۳
- شکل ۳-۹- تأیید حضور قطعه ژن در حامل به کمک PCR ۸۴
- شکل ۳-۱۰- تعیین توالی محصول PCR شده ژن *hbs* موجود در پلاسمیدهای تخلیص شده ۸۵
- شکل ۳-۱۱- شکل ۱۱- مقایسه توالی نوکلئوتیدی محصول PCR شده ژن *hbs* موجود در پلاسمید های تخلیص شده با توالی همین ژن در سوبه مرجع *B.subtilis* ATCC 23857 ۸۶
- شکل ۳-۱۲- ژل SDS-PAGE نشان دهنده بیان پروتئین نوترکیب ۸۷
- شکل ۳-۱۳- ژل SDS-PAGE نشان دهنده تخلیص پروتئین نوترکیب بیان شده ۸۸
- شکل ۳-۱۴- منحنی استاندارد جذب علیه غلظت در پروتئین BSA ۸۸

فهرست جداول

عنوان صفحه

فصل اول: مقدمه

جدول ۱-۱- خصوصیات برخی از پروتئین های شبه هیستونی ۳

جدول ۱-۲- نامگذاری پروتئین HU در باکتری های مختلف ۱۰

جدول ۱-۳- توالی و اندازه برچسب های مختلف ۲۸

فصل دوم: مواد و روش ها

جدول ۲-۱- ابزار مورد استفاده در پژوهش ۳۴

جدول ۲-۲- مواد مورد استفاده در این پژوهش ۳۵

جدول ۲-۳- کیت های مورد استفاده در این پژوهش ۳۶

جدول ۲-۴- ارتباط بین درصد آگارز و طول DNA ۴۶

جدول ۲-۵- مقادیر و ترکیبات واکنش PCR ۵۰

جدول ۲-۶- برنامه زمانی و دمایی واکنش PCR ۵۱

جدول ۲-۷- مقادیر و ترکیبات واکنش هضم آنزیمی محصول PCR ۵۹

جدول ۲-۸- مقادیر و ترکیبات واکنش هضم آنزیمی در حامل pET 28a(+) ۵۹

جدول ۲-۹- مقادیر و ترکیبات واکنش هضم آنزیمی در حامل pET 28a(+) EcoRI ۶۰

جدول ۲-۱۰- مقادیر و ترکیبات واکنش هضم آنزیمی در حامل pET 28a(+) HindIII ۶۰

جدول ۲-۱۱- مقادیر و ترکیبات واکنش اتصال محصول PCR با پلاسمید (+) ۶۲

جدول ۲-۱۲- مقادیر و ترکیبات واکنش PCR ۶۵

جدول ۱۳-۲ - برنامه زمانی و دمایی واکنش PCR ۶۶

جدول ۱۴-۲ - حجم محلول ها و غلظت پروتئین BSA مورد نیاز برای انجام تست برادفورد ... ۷۵

فصل اول

مقدمہ