

الْمُرْسَلُونَ

١١٢٨

تحصیلات تکمیلی دانشگاه



پایان نامه جهت اخذ درجه کارشناسی ارشد در رشته ژنتیک و اصلاح نباتات

مطالعه نوع ژنتیکی درون و بین لاینهای اولیه تریتی پایrom با استفاده از مارکرهای مولکولی مبتنی بر PCR

استادان راهنما:

دکتر براطعلی سیاه سر

دکتر حسین شاهسوند حسنی

استادان مشاور:

مهندس عباسعلی امام جمعه

مهندس علی کاظمی پور

تهییه و تدوین:

مریم الله دو

شهریور ۸۶

۱۱۱۳۸۷

تاریخ.....
شماره.....
پیوست.....



صفحه الف

این پایان نامه با عنوان «مطالعه تنوع ژنتیکی درون و بین لاینهای اولیه تریتی پایرم با استفاده از مارکرهای مولکولی مبتنی بر PCR» قسمتی از برنامه آموزشی دوره کارشناسی ارشد رشته کشاورزی گرایش ژنتیک و اصلاح نباتات توسط دانشجو مریم الله دو تحت راهنمایی استاد پایان نامه آقای دکتر براتعلی سیاه سر و آقای دکتر حسین شاهسوند حسنی تهیه شده است. استفاده از مطالب آن بمنظور اهداف آموزشی با ذکر مرجع و اطلاع کتبی به حوزه تحصیلات تكمیلی دانشگاه زابل مجاز می باشد.

امضا دانشجو

این پایان نامه ۶ واحد درسی شناخته می شود و در تاریخ ۱۳۹۷/۰۶/۲۱
توسط هئیت داوران بررسی و
نمره ۱۹/۹ و درجه ممتاز به آن تعلق گرفت.

تاریخ

امضا

نام و نام خانوادگی

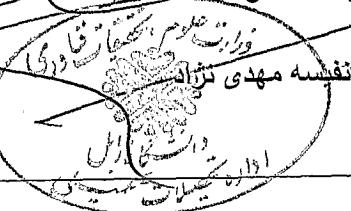
۱- استاد راهنما : آقای دکتر براتعلی سیاه سر

۲- استاد راهنما: آقای دکتر حسین شاهسوند حسنی

۳- استاد مشاور: آقای مهندس عباسعلی امام جمعه

۴- استاد مشاور: آقای مهندس علی کاظمی پور

۵- داور ۱: آقای دکتر محمود رمروزی خسته‌علی



تقدیم به

اسطوره های زندگیم

پدر و مادر عزیزم

تشکر و قدردانی:

خدای بزرگ، را شاکرم که در طول مدت تحصیل همواره یاری دهنده من بود و به من صبر و شکیبایی در برابر مشکلات و ناملایمات عنایت فرمود.

در این رهگذر به رسم ادب خود را ملزم می دانم که با تواضع تام و از صمیم قلب تشکر و سپاس خالصانه خود را از:

خانواده ام، به خصوص مادرم که دعای خیر او همواره، همراه و پشتیبان من بود.

اساتید محترم راهنما: جناب آقای دکتر سیاه سر و جناب آقای دکتر شاهسوند حسنی که با راهنمایی های مفیدشان کمک بزرگی به بنده در طول اجرای پایان نامه نمودند.

اساتید محترم مشاور: آقای مهندس کاظمی پور و آقای مهندس امام جمعه به خاطر کمک و مساعدتهای لازم در طول اجرای پایان نامه.

آقای دکتر رمرودي که زحمت داوری این پایان نامه را بر عهده گرفته و آقای دکتر کرباسی مدیریت محترم تحصیلات تکمیلی به حداکثر تلاش شان را برای مساعدت و همکاری با دانشجویان کارشناسی ارشد مبدول می دارند.

آقای مهندس گرگچی، معاونت محترم اداری و مالی دانشکده کشاورزی به دلیل مساعدت در خرید دستگاهها مورد نیاز در آزمایشگاه ژنتیک مولکولی.

آقایان سلوکی، وهابی، حق پرست، پیرسیدی و خانمهای مهدی نژاد و رهبری زاده که از تجارب ارزنده ایشان در مراحل انجام پایان نامه بهره بردم.

خانم مهندس پورتبریزی، کارشناس محترم گروه زراعت و اصلاح نباتات دانشگاه شهید باهنر کرمان به خاطر همکاریهای لازم در طول اجرای پایان نامه.

همکاران و مسئولین محترم آزمایشگاه، خانمهای سارانی، گنجعلی، خواجه، مصری، فرازمند و آقایان: رخشانی، اکبری، شهریاری، مهدی خانی و دادمهر به خاطر همکاری در کارهای آزمایشگاهی.

دستان و همکلاسی های خوبیم خانم های گنجعلی، گلستانه، تقیلی، مسمن مظفری، آرام، علیزاده، صوفی، فلاحتی، خمری، لطفی، جوکار، قائد رحمتی، تیموری، عثمانی، محمدی، شاه نظری، ربانی، اثنی عشری، فزونی و سایر دستان که در طول این مدت مرا یاری دادند.

ابراز نمایم.

مطالعه تنوع ژنتیکی درون و بین لاینهای تریتی پایرم اولیه با استفاده از مارکرهای مولکولی مبتنی بر PCR

چکیده:

آمفی پلولوئید مصنوعی تریتی پایرم از تلاقي ارقام تراپلولوئید گندم و یک گونه وحشی جنس تینوپایرم به نام علف شور ساحل بوجود آمده است. به منظور ارزیابی تنوع ژنتیکی، DNA ژنومی (تک بوته) ۵ لاین اولیه تریتی پایرم شامل Cr/b , St/b , Ka/b , Ne/b , Ma/b و ۹ لاین ترکیبی اولیه تریتی پایرم شامل $(St/b)(Cr/b)F_3$, $(St/b)(Cr/b)F_4$, $(Ma/b)(Cr/b)F_4$, $(Ma/b)(Cr/b)F_5$, $(Ka/b)(Cr/b)F_4$, $(Ka/b)(Cr/b)F_3$, $(Ka/b)(Cr/b)F_2$, $(Ka/b)(Cr/b)F_6$ با استفاده از ۹ پرایمر تصادفی و ۸ پرایمر نیمه تصادفی تکثیر شد. ۲ پرایمر تصادفی و ۶ پرایمر نیمه تصادفی توانستند باند چند شکل، واضح و تکرارپذیر تولید کنند. تنوع درون لاین با استفاده از ضریب تشابه جاکارد و شاخص های تشابه، میانگین و ضریب تنوع حاسبه شد. تنوع بین لاین نیز با استفاده از میانگین فراوانی باندهای چند شکل در هر لاین و ضریب همبستگی پیرسون حاسبه شد. نتایج نشان داد که لاین Ne/b (CV=77/8) و لاین $(Ma/b)(Cr/b)F_3$ (CV=41/3) به ترتیب بیشترین و کمترین تنوع را دارا بودند. ضریب همبستگی بین لاینهای نیز در حدود ۱۲/۵-۹۸/۲ قرار داشت که نشان دهنده پراکندگی وسیع بین این لاینهای بود.

به منظور ارزیابی تنوع ژنتیکی بین لاینهای تریتی پایرم اولیه، DNA ژنومی (نمونه های بالک) لاینهای اولیه تریتی پایرم شامل Az/b , Cr/b , St/b , Ka/b , La/b , Ma/b , $La(4B)4D/b$ ، علف شور ساحل، ارقام گندم شامل رقم هیرمند سیستان، رقم هامون سیستان، رقم استوارد، رقم دابل هاپلولوئید و رقم چینی بهاره و لاینهای امید بخش. تریتیکاله شامل: ۴۱۰۳، ۴۱۰۸، ۴۱۱۵، ۴۱۱۶ و M_{45} با استفاده از پرایمرهای تصادفی و نیمه تصادفی تکثیر شد. درجه چند شکلی و شاخص مارکری در هر پرایمر حاسبه شد. پرایمرهای نیمه تصادفی از درصد چند شکلی بیشتری نسبت به پرایمرهای تصادفی برخوردار بودند. شاخص نشانگری در پرایمرهای تصادفی ۴/۶۳ و در پرایمرهای نیمه تصادفی ۴/۷۱ بود که نشان دهنده کارایی مطلوب پرایمرهای نیمه تصادفی (ISJ) نسبت به پرایمرهای تصادفی (RAPD) بود. گروه بنده این سه آمفی پلولوئید با استفاده از ضریب تشابه جاکارد و الگوریتم UPGMA انجام شد. دندروگرام به دست آمده نشان داد که رقم تراپلولوئید گندم، بیشترین فاصله ژنتیکی را با سایر ارقام گندم، لاینهای تریتی پایرم و تریتیکاله دارد. لاینهای AZ/b و La/b تریتی پایرم بیشترین تشابه ژنتیکی را داشتند. لاینهای Cr/b و St/b بین ارقام گندم، رقم هیرمند سیستان بیشترین فاصله ژنتیکی (ضریب شماحت ۰/۱۲۲) را با علف شور ساحل دارا بودند. از کمترین فاصله ژنتیکی (ضریب شماحت ۰/۲۴) را با علف شور دارا بود.

کلمات کلیدی: تریتی پایرم، تینوپایرم بساراتیکوم، گندم، تریتیکاله، تنوع ژنتیکی، پرایمرهای تصادفی و پرایمرهای نیمه تصادفی

فهرست مطالب

عنوان.....صفحه

فهرست جداول.....

فهرست اشکال.....

فهرست نمودار.....

«فصل اول: مقدمه و بررسی منابع»

۱.....۱-۱ مقدمه

۲.....۱-۱ آمیز پلولیهای مصنوعی

۵.....۱-۲ گیاهشناسی گندمیان

۶.....۱-۳ خویشاوندان وحشی گندم، خاستگاه و ساختار ژنومی آنها

۸.....۱-۴ تنوع ژنتیکی

۸.....۱-۴-۱ فرایش ژنتیکی

۸.....۱-۴-۲ اهمیت مطالعه تنوع ژنتیکی

۹.....۱-۴-۳ روش‌های ارزیابی تنوع ژنتیکی

۱۰.....۱-۵ نشانگرهای مورفو‌لوزیکی

۱۰.....۱-۶ نشانگرهای بیوشیمیایی

۱۱.....۱-۷ نشانگرهای مولکولی

۱۲.....۱-۷-۱ انتخاب روش مناسب برای تعیین تنوع ژنتیکی

۱۳.....۱-۷-۲ نشانگرهای DNA

۱۴.....۱-۷-۳ انواع نشانگرهای DNA

۱۴.....۱-۷-۴ نشانگر رپید

الف- کاریزد نشانگر رید	۱۵
ب- مزایای نشانگر رپید	۱۸
ج- معایب نشانگر رپید	۱۸
۱-۷-۵ آغازگرهای نیمه تصادفی (ISJ)	۱۹
۱-۸ واکنش زنجیره ای پلیمراز (PCR)	۲۱
۱-۸-۱ چرخه های خوارتی PCR	۲۱
۱-۸-۲ اجزای PCR	۲۲
۱-۸-۳ نکات مهم در انجام PCR	۲۴
۱-۹ تجزیه تنوع ژنتیکی	۲۴
۱-۹-۱ معیارهای برآورد شباهت یا فاصله ژنتیکی افراد بر اساس داده های مولکولی	۲۵
۱-۹-۲ محاسبه درجه چندشکلی	۲۶
۱-۹-۳ گروهیندی افراد یک جمعیت و جمیعت های مختلف	۲۷
فصل دوم : مطالعه تنوع ژنتیکی بین لاينهای تریتی پایرم اولیه در مقایسه با ارقام گندم و لاينهای اميد بخش تریتیکاله	
۲-۱ مقدمه و بررسی منابع	۳۳
۲-۲ مواد و روشها	۴۰
۲-۲-۱ مواد گیاهی	۴۰
۲-۲-۲ مواد ژنتیکی	۴۰
۲-۲-۳ روشها	۴۰
الف- استخراج DNA از لاينهای اولیه تریتی پایرم با رقم گندم ولاينهای اميد بخش تریتیکاله	۴۰
۱-الف محلولهای مورد استفاده	۴۲

۲-الف استخراج DNA

۴۴	ب- تعیین کمیت و کیفیت DNA
۴۵	۱- ب الکتروفورز ژل آگارز
۴۶	۲- ب استفاده از دستگاه بیوفتوسکوپ
۴۷	ج- یکسان سازی غلظت DNA
۴۸	د- واکنش زنجیره ای پلیمراز
۴۹	ه- تنظیم شرایط PCR
۵۰	و- الکتروفورز محضولات PCR
۵۱	ز- شمارش نوارهای چند شکل و امتیازذی آنها
۵۲	ح- تجزیه و تحلیل الگوهای نواربندهای

۲-۳ نتایج و بحث

۵۷	۱- ۲-۳-۱ پرایمرهای تصادفی و نیمه تصادفی
۶۰	۲- ۳-۲ مقایسه تنوع ژنتیکی بین لاینهای اولیه تریتی پایرم با ارقام گندم و لاینهای امید بخش تریتیکاله
۶۱	الف- تجزیه خوش ای
۶۶	۱- الف گروه بندهای لاینهای اولیه تریتی پایرم با ارقام گندم و لاینهای امید بخش تریتیکاله بر اساس مارکرهای تصادفی
۶۷	۲- الف گروه بندهای لاینهای اولیه تریتی پایرم با ارقام گندم و لاینهای امید بخش تریتیکاله بر اساس پرایمرهای نیمه تصادفی
۶۹	۳- الف گروه بندهای لاینهای اولیه تریتی پایرم، ارقام گندم و لاینهای امید بخش تریتیکاله بر اساس پرایمرهای تصادفی و نیمه تصادفی
۷۱	ب- مقایسه شباهت ژنتیکی لاینهای ارقام با ضریب شباهت جاکارد و دایس
۷۴	ج- آزمون مانتل

د- تجزیه به مختصات اصلی

۲-۳-۲ گروه بندی لاین های اولیه تریتی پایرم با استفاده از پرایمرهای تصادفی و نیمه تصادفی ... ۷۹

الف- تجزیه خوشه ای ۷۹

ب- آزمون مانتل ۸۱

ج- تجزیه به مختصات اصلی ۸۱

۴-۳-۲ شناسایی مارکرها ای تصادفی مربوط به زنوم ^bE در لاینهای تریتی پایرم ۸۴

«فصل سوم: بررسی تنوع ژنتیکی درون و بین لاینهای اولیه تریتی پایرم و لاینهای ترکیبی اولیه آنها با استفاده از مارکرهای مولکولی مبتنی بر PCR»

۳-۱ مقدمه ۹۱

۳-۲ مواد و روشها ۹۷

۳-۲-۱ مواد گیاهی ۹۷

۳-۲-۲ مواد شیمیایی ۹۷

۳-۲-۳ مواد ژنتیکی ۹۸

۴-۲-۳ استخراج DNA از لاینهای اولیه تریتی پایرم و نسلهای تفکیک ترکیبی اولیه تریتی پایرم ۹۹

الف- محلولهای مورد استفاده ۱۰۰

ب- روش استخراج DNA زنومی ۱۰۲

۳-۲-۵ تعیین کمیت و کیفیت DNA ۱۰۳

۳-۲-۶ پکسان سازی غلظت DNA ۱۰۴

۳-۲-۷ انجام واکنش PCR ۱۰۴

۳-۲-۸ تفسیر و تجزیه الگوهای نواریندی ۱۰۶

۳-۳ نتایج و بحث

۱۰۹.....	۳-۳-۱ واکنش زنجیره ای پلیمراز
۱۱۶.....	۳-۳-۲ تخمین تنوع ژنتیکی درون لاینهای تربیتی پایرم
۱۱۷.....	الف- محاسبه درجه چند شکلی
۱۱۹.....	ب- محاسبه ضریب تشابه جاکارد
۱۲۱.....	ج- تجزیه خوشه ای
۱۲۳.....	۱- آزمون مانتل
۱۲۵.....	۳-۳-۳ بررسی تنوع ژنتیکی بین لاینهای اولیه و نسلهای تفکیک لاینهای ترکیبی اولیه تربیتی پایرم
۱۲۷.....	الف- تجزیه خوشه ای
۱۲۸.....	ب- آزمون مانتل
۱۲۸.....	ج- تجزیه به مؤلفه های اصلی
۱۳۰.....	پیشنهادات
۱۳۳.....	منابع مورد استفاده

«فهرست جداول»

شماره.....

صفحه.....

«فصل اول»

«فصل دوم»

جدول ۱-۲ لاینهای اولیه تریتی پایرم، ارقام گندم و لاینهای امید بخش تریتیکاله ۴۱

جدول ۲-۲ اجزای تشکیل دهنده بافر استخراج DNA از لاینهای اولیه تریتی پایرم، ارقام گندم و لاینهای امید بخش تریتیکاله به روش مینی پرورب ۴۲

جدول ۳-۲ انواع مواد و مقادیر مورد نیاز آنها در واکنش زنجیره ای پلیمراز برای حجم ۲۵ میکرولیتر محلول ۴۹

جدول ۴-۲ اسامی و توالی آغازگرهای نیمه تصادفی در واکنش زنجیره ای پلیمراز در بررسی تنوع ژنتیکی بین لاینهای اولیه تریتی پایرم، ارقام گندم و لاینهای امید بخش تریتیکاله ۵۱

جدول ۵-۲ اسامی و توالی آغازگرهای تصادفی در واکنش زنجیره ای پلیمراز در بررسی تنوع ژنتیکی بین لاینهای اولیه تریتی پایرم، ارقام گندم و لاینهای امید بخش تریتیکاله ۵۲

جدول ۶-۲ برنامه حرارتی لازم برای انجام واکنش زنجیره ای پلیمراز بر روی نمونه های DNA لاینهای اولیه تریتی پایرم، ارقام گندم و لاینهای امید بخش تریتیکاله ۵۴

جدول ۷-۲ تعداد نوارهای مشاهده شده، تعداد نوارهای چند شکل و درصد چند شکلی حاصل از هر پرایمر در لاینهای اولیه تریتی پایرم، ارقام گندم و لاینهای امید بخش تریتیکاله ۵۸

جدول ۸-۲ میانگین میزان اطلاعات چند شکلی و شاخص مارکری DNA ژنومی حاصل از لاینهای اولیه تریتی پایرم، ارقام گندم و لاینهای امید بخش تریتیکاله ۷۳

جدول ۲-۹ ماتریس تشابه به دست آمده از روش RAPD توسط ضریب تشابه جاکارد در لاینهای اولیه تریتی

پایرم، ارقام گندم و لاینهای امید بخش تریتیکاله ۶۳

جدول ۲-۱۰ ماتریس تشابه به دست آمده از روش ISJ توسط ضریب تشابه جاکارد در لاینهای اولیه تریتی

پایرم، ارقام گندم و لاینهای امید بخش تریتیکاله ۶۵

جدول ۲-۱۱ مقادیر تشابه ژنتیکی بین لاینهای اولیه تریتی پایرم، ارقام گندم و لاینهای امید بخش تریتیکاله بر

اساس ضریب تشابه جاکارد و با استفاده از پرایمرهای تصادفی و نیمه تصادفی ۷۳

جدول ۲-۱۲ مقادیر تشابه ژنتیکی بین لاینهای اولیه تریتی پایرم، ارقام گندم و لاینهای امید بخش تریتیکاله بر

اساس ضریب تشابه دایس و با استفاده از پرایمرهای تصادفی و نیمه تصادفی ۷۳

جدول ۲-۱۳ مقادیر ویژه سهم واریانس و سهم تجمعی واریانس در لاینهای اولیه تریتی پایرم، ارقام گندم و

لاینهای امید بخش تریتیکاله ۷۷

جدول ۲-۱۴ ماتریس تشابه به دست آمده از DNA ژنومی لاینهای اولیه تریتی پایرم و یک گونه از علف شور

ساحل با ساتفاده از پرایمرهای تصادفی و نیمه تصادفی بر اساس ضریب تشابه دایس ۸۰

جدول ۲-۱۵ ماتریس تشابه به دست آمده از DNA ژنومی لاینهای اولیه تریتی پایرم و یک گونه از علف شور

ساحل با ساتفاده از پرایمرهای تصادفی و نیمه تصادفی بر اساس ضریب تشابه جاکارد ۸۰

«فصل سوم»

جدول ۳-۱ مشخصات پنج لاین اولیه تریتی پایرم و نه نسل تفکیک متعلق به سه لاین ترکیبی تریتی پایرم اولیه با

ساختار کروموزومی $AABBE^B E^B$ ۹۸

جدول ۳-۲ اجزای تشکیل دهنده بافر برای استخراج DNA ۲۸۰ گیاهچه از لاینهای اولیه و نسلهای تفکیک

لاینهای ترکیبی اولیه تریتی پایرم همراه با غلظت و مقادیر استفاده ۱۰۰

جدول ۳-۳ آغازگرهای تصادفی و نیمه تصادفی مورد استفاده در واکنش زنجیره ای پلیمراز بر روی نمونه های

DNA زنومی گیاهچه های لاینهای اولیه و نسلهای تفکیک ترکیبی اولیه تریتی پایرم ۱۰۵

جدول ۳-۴ میانگین فراوانی نوارهای گیاهچه های منفرد هر لاین اولیه و نسلهای تفکیک ترکیبی اولیه تریتی پایرم

توسط پرایمراهای تصادفی و نیمه تصادفی ۱۰۸

جدول ۳-۵ تعداد نوارها و میانگین نوارهای چند شکل گیاهچه های منفرد لاینهای اولیه و نسلهای تفکیک لاینهای

ترکیبی اولیه تریتی پایرم با استفاده از پرایمراهای تصادفی و نیمه تصادفی ۱۱۵

جدول ۳-۶ مقادیر میانگین میزان اطلاعات چند شکل در لاینهای اولیه و نسلهای تفکیک لاینهای ترکیبی اولیه

تریتی پایرم ۱۱۷

جدول ۳-۷ مقادیر میانگین ضرب تشابه و ضرب تنواع لاینهای اولیه و نسلهای تفکیک لاینهای ترکیبی اولیه تریتی

پایرم ۱۲۰

جدول ۳-۸ مقادیر همبستگی بین لاینهای اولیه و نسلهای تفکیک لاینهای ترکیبی اولیه تریتی پایرم

۱۲۵

جدول ۳-۹ مقادیر ویژه، سهم واریانس و سهم تجمعی واریانس در لاینهای اولیه و نسلهای تفکیک ترکیبی اولیه

تریتی پایرم ۱۲۹

«فهرست اشکال»

عنوان صفحه

«فصل اول»

«فصل دوم»

شکل ۲-۱ مشاهده کمیت و کیفیت DNA استخراج شده به روش مینی پرورب تغییر یافته با الکتروفورز ژل آگاراز

۴۶

شکل ۲-۲ نواریندی و چند شکلی حاصل از DNA لاینهای تریتی پایرم، ارقام گندم و لاینهای امید بخش تریتیکاله

با پرایمر تصادفی OPN02 ۶۰

شکل ۲-۳ نواریندی و چند شکلی حاصل از DNA لاینهای تریتی پایرم، ارقام گندم و لاینهای امید بخش تریتیکاله

با پرایمر تصادفی ET42 ۶۰

شکل ۲-۴ دندروگرام به دست آمده از لاینهای اولیه تریتی پایرم، ارقام گندم و لاینهای امید بخش تریتیکاله با

استفاده از پرایمرهای تصادفی ۷۷

شکل ۲-۵ دندروگرام به دست آمده از لاینهای اولیه تریتی پایرم، ارقام گندم و لاینهای امید بخش تریتیکاله با

استفاده از پرایمرهای نیمه تصادفی ۷۹

شکل ۲-۶ دندروگرام حاصل از کاربرد پرایمرهای تصادفی و نیمه تصادفی بر روی DNA ژنومی لاینهای اولیه

تریتی پایرم ، ارقام گندم، گونه علف شور و لاینهای امید بخش تریتیکاله ۷۲

شکل ۲-۷ دندروگرام به دست آمده از کاربرد پرایمرهای تصادفی و نیمه تصادفی بر روی DNA ژنومی لاینهای

اولیه تریتی پایرم و گونه علف شوربیز اساس ضریب تشابه جاکارد ۸۱

شکل a ۲-۸ تکثیر DNA لاينهای اولیه تریتی پایرم، ارقام گندم و لاينهای اميد بخش تریتیکاله با پرایمر تصادفی

..... OPM06
۸۸.....

شکل b ۲-۸ تکثیر DNA لاينهای اولیه تریتی پایرم، ارقام گندم و لاينهای اميد بخش تریتیکاله با پرایمر نیمه تصادفی

..... ET34
۸۹.....

«فصل سوم»

شکل ۳-۱ a گیاهچه های منفرد سه برگی لاينهای اولیه تریتی پایرم Cr/b، تکثیر شده با پرایمر نیمه

تصادفی ET33
۱۱۳.....

شکل b ۳-۱ DNA گیاهچه های منفرد سه برگی لاين ترکیبی اولیه تریتی پایرم $(Ka/b)(Cr/b)F_5$ با استفاده از

نیمه تصادفی ET33
۱۱۳.....

شکل c ۳-۱ DNA گیاهچه های منفرد سه برگی لاين ترکیبی اولیه تریتی پایرم $(Ka/b)(Cr/b)F_6$ با استفاده از

پرایمر تصادفی OPC11
۱۱۴.....

شکل d ۳-۱ DNA گیاهچه های منفرد سه برگی لاين ترکیبی اولیه تریتی پایرم $(Ka/b)(Cr/b)F_5$ با استفاده از

نیمه تصادفی ET32
۱۱۴.....

شکل ۳-۲ دندروگرام به دست آمده از لاينهای اولیه تریتی پایرم Ne/b بر اساس ضریب تشابه جاکارد و الگوریتم

..... UPGMA
۱۲۲.....

شکل ۳-۳ دندروگرام به دست آمده از لاين ترکیبی اولیه تریتی پایرم $(Ma/b)(Cr/b)F_3$ بر اساس ضریب تشابه

جاکارد و الگوریتم UPGMA
۱۲۲.....

شکل ۳-۴ دندروگرام به دست آمده از لاين ترکیبی اولیه تریتی پایرم $(Ka/b)(Cr/b)F_2$ بر اساس ضریب تشابه

جاکارد و الگوریتم UPGMA
۱۲۳.....

شکل ۳-۵ دترروگرام لاینهای اولیه و نسلهای تفکیک لاینهای ترکیبی اولیه تریتی پایرم با استفاده از میانگین

فراوانی نوارها، ضریب تشابه جاکارد و الگوریتم UPGMA ۱۲۶

«فهرست نمودارها»

عنوان صفحه

«فصل اول»

«فصل دوم»

نمودار ۱-۲ نمودار مسطح سه بعدی گروه بندی لاینهای اولیه تریتی پایرم، ارقام گندم، گونه علف شور و لاینهای امید بخش تریتیکاله ۷۸

نمودار ۲-۲ نمودار دو بعدی گروه بندی لاینهای اولیه تریتی پایرم، ارقام گندم، گونه علف شور و لاینهای امید بخش تریتیکاله بر اساس دو مولفه اول ۷۸

نمودار ۳-۳ گروه بندی لاینهای اولیه تریتی پایرم، گونه علف شور، ارقام گندم و لاینهای امید بخش تریتیکاله بر روی سه مولفه اول با استفاده از روش مارکرهای تصادفی و نیمه تصادفی ۸۲

«فصل سوم»

نمودار ۱-۳ مقایسه تنوع ژنتیکی درون لاینهای اولیه و نسلهای تفکیک لاینهای ترکیبی اولیه تریتی پایرم ۱۱۹

نمودار ۲-۳ گروه بندی لاینهای اولیه و نسلهای تفکیک ترکیبی اولیه لاینهای تریتی پایرم بر اساس دو مولفه اول ۱۳۰

فصل اول

مقدمه و بررسی منابع

۱- مقدمه

یکی از مسائل مهم و قابل توجه در جهان، شوری خاک می باشد. حدود ۷٪ از اراضی قابل کشت دنیا تحت تاثیر شوری قرار دارد و بیش از یک سوم این اراضی در قاره آسیا قرار گرفته که از نظر وسعت بترتیب پس از شوروی سابق، چین، هند و پاکستان، ایران در مقام پنجم قرار دارد. پیچیدگی صفت تحمل به شوری و توارث پذیری چند رنگی آن، یک فاکتور مهم بوده که در تهیه ارقام مقاوم به شوری زحماتی را بوجود آورده است. تلاقی های بین گونه ای و بین جنسی مختلف، زمینه را برای ورود رنگ های کنترل کننده صفات پیچیده، به منظور انتقال توأم تعداد زیادی از رنگها بوجود می آورد (۳۱).

گندم اگر چه تا حدودی به شوری مقاوم است، اما قابل کشت در تمام مناطق نیست. خویشاوندان و حشی گندم دارای خزانه عظیمی از تنوع ژنتیکی بوده که پتانسیل بالقوه مهمی را برای استفاده از آنها در اصلاح گندم به منظور مقاومت به شوری فراهم می آورد (۷۷، ۸۹).

در اوخر دهه چهارمین، ۱۹۳۶، تشکیل مواد ژنتیکی گونه های وحشی از جنس *Tinopyrum*^۱، به درون ژنوم گندم از طریق تلاقی های دور برای افزایش تنوع ژنتیکی در گندم، به منظور اصلاح برای مقاومت به بیماریها، خشکی، شوری و دیگر صفات افزایش یافت (۸۹). از جمله این کاربردها تولید لاینهای اولیه و ترکیبی اولیه آمفی پلوئید، هگزاپلوئید تریتی پایرم می باشد که از تلاقی ارقام گندم تترابلوئید^۲ با فرمول ژنومی *AABB* با علف شور ساحل دیپلوئید^۳، با فرمول ژنوم *Thinopyrum* *E^bE^b* به دست آمده است. این آمفی پلوئید ساخته دست بشر در آب حاوی ۲۵۰ میلی مول نمک رشد کرده و مقاومت نشان می دهد (۴۴).

Thinopyrum^۱
Triticum spp^۲
Thinopyrum bessarabicum^۳

۱-۱-آمفی پلوئیدهای مصنوعی

آمفی پلوئیدهای مصنوعی گندم، معمولاً محتوی ژنوم کامل گندم به اضافه یک ژنوم، غیر از گندم بوده که از تلاقی گندم با گونه های وحشی گندم نظیر جو، چاودار و تینوپایرم و سپس تلاقی برگشتی گندم با دورگهای حاصل با گندم به وجود می آیند (۴۵). از دورگ گیری بین گونه ای و بین جنسی، برای اصلاح گیاهان به منظور تغییرات مواد شیمیکی بین گونه های مختلف یا تولید گونه های جدید استفاده می شود (۴۵).

اغلب دورگهای بین گونه ای عقیم بوده، که این عقیمی استفاده مستقیم آنها را در برنامه های اصلاح گیاهان محدود می کند. معمولاً این عقیمی، مربوط به رفتارنا متعادل تقسیم میوز این دورگها، بویژه جفت شدن کروموزوم ها در متافاز این تقسیم می باشد (۳۰).

آمفی پلوئید های مصنوعی که تا کنون به طور موفقیت آمیزی تولید شده اند عبارت اند از:

- ۱- تریگوپیرو^۱: این آمفی پلوئید مصنوعی، حاصل تلاقی گندم هگزاپلوئید (AABBDD) با تینوپایرم پانتیکوم (2n=70) می باشد (۳۶، ۳۷). فرمول ژنومی این دورگ توسط فرادری و همکاران (۲۰۰۳) نامگذاری شد. این دورگ، در سال ۱۹۳۷ در امریکا به دست آمده و به طور موفقیت آمیزی با گندم معمولی تلاقی برگشتی داده می شود.

- ۲- تریسپیرو^۲: یک غله مصنوعی با ارزش علوفه ای بالا بوده که توسط جی. کوو اس^۳، در سال ۱۹۷۲ در آرژانتین از تلاقی تریتیکاله هگزاپلوئید (AABBRR) و آمفی پلوئید اکتاپلوئید تریگوپیرو به دست آمده است. تریسپیرو، بعد از چندین نسل خودگشتنی تحت عنوان یک رقم به نام تریسپیرو.دان.نو.آی ان تی آ^۴ معرفی شد.

Trigopiro ^۱	Tricepiro ^۲
G. Covas ^۳	Tricepiro Done Noe INTA ^۴